

IDENTIFICATION

Species: *Daucus carota*

Locus: DCAR_016738

Gene Model: DCAR_016738

Description: DcEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

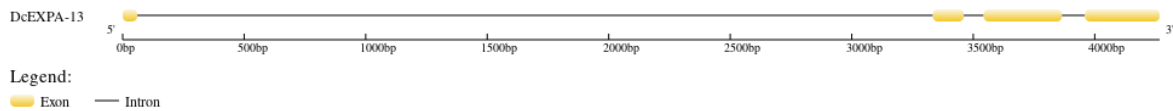
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Dcarota_v2_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05350>

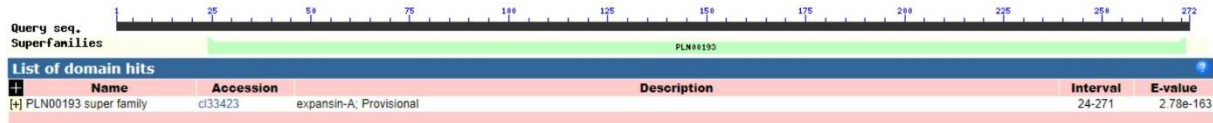
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>DcEXPA-13

MIDEMLKPDWICSVKCYDGWGVVAAVLLVSACCVNVDAFVASGWTKGHATFYG
GSDASGTMGGACGYGNLYSAGYGTNTAALSTALFNDGASCQCCTLMCDYQSDPR
WCIKGTSVTITATNFCPPNFDQPNNAGGWCNPPLQHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPV
MFRRVPCVKTGGVRFVNGRNYFELVLISNVGGAGSVQSVQIKGSRTGWAAMSRN
WGANWQSNGLNGQSLSFKVTTTDGVTRVFNDVSSGWQFGQTFSSHITF*

CDS (coding sequence)

>DcEXPA-13

ATGATTGATGAGATGCTGAAGCCAGACTGGATCTGTTCTGTAAATGCTACGATG
GGTGGGTGTTGTTGCCGCGGTGCTTCTGGTTAGTGCTTGTGTGTTGTCAATGTT
GATGCATTTGTAGCTTCGGGATGGACTAAAGGCCATGCTACGTTTTATGGAGGTA
GCGATGCTTCAGGAACAATGGGTGGTGCATGTGGATATGGGAACCTGTACTCGGC
TGGATATGGAACCAACACGGCTGCTCTAAGTACTGCACTCTTCAACGATGGAGCC
TCGTGTGGACAATGTTACACGCTCATGTGTGATTATCAATCAGACCCGAGATGGT
GCATAAAGGGAACATCTGTTACCATTACCGCTACAAATTTTTGCCCCCGAACTTT
GATCAGCCTAACAAATGCTGGAGGCTGGTGCAACCCTCCTCTCCAGCATTTTGATA
TGGCTCAACCAGCCTGGGAAAAGATTGGAATCTACAGAGGTGGTATTGTCCCGT
TATGTTCAGAAGGGTCCCCTGTGTCAAACCGGTGGAGTCAGATTCACAGTCAAT
GGGAGGAACACTTTGAGCTCGTGCTAATAAGCAATGTCGGGGGAGCTGGATCA
GTTCAATCCGTGCAAATCAAGGGCTCAAGAACTGGCTGGGCTGCAATGTCAAGA
AACTGGGGAGCAAACCTGGCAGTCGAATGGATACTGAATGGCCAATCTTTATCTT
TTAAGGTTACTACCACAGATGGAGTCACTCGAGTTTTCAATGACGTGGTCTCATCT
GGTTGGCAATTTGGCCAGACATTCTCGAGTCATATAACATTCTAA

Nucleotide

>DcEXPA-13

ATGATTGATGAGATGCTGAAGCCAGACTGGATCTGTTCTGTAAATGCTACGATG
GGTGGGTGGGTATGCTATGCATATAAAGGCTGATATTTTCCACCTGCTGCAGAGA
ACAGAGCAGTTGTCCGCCATCATAACACGTATATATTTTTGATGATTTAATCAATA
TCTCTTGGGCGAACTGAGGATCTTCATGTTGCCACACCCACACACCACACTGGC
CCAACAGAAGAAGCGTGGTTCATCTTTAAGACTTGGGAGAATGGGATTGAAGG

TAGAATAGATCATTATGCTTGAGTGGTAACTATATATCTGCTTATAAGGCGAGGG
ATACGAACTAAAGTGAATTGGATTCGCAATAACCCTGGATGCAATTGGATCTAG
ATCAAGAACAAGGTCTATATACTTCCATAAGGAGACAAATCTATTCCTCAGATGG
CCCAAATATTGATAAGCTGCATATATTGACCAGAGAATGCAGAAATCAGGTTAT
TCATGAAATTCAGAAATCACTTCTCGTGGTAACTGTTAATATTCTGATCTTATCAT
GTATTACTAACAGTTGATATCTTCAGTTTGCTGTCAACTAAAACCTACCTGTTTACA
AAGAACTTGCAATTATTTACTTGCTGTGGGAGAAGTCAAGTATATCCCAAGTTAT
TCTTGGTTGCTGCTGCTGTTAATATCGTAACAAGAATATCTGGAACATACAGGTG
ATTGTATAGATTCTAAAAAAACCCGCAGCAGCCAAATGTTACTAGTGTTATATTT
GCTTAGTGTCCCTATTGCTTCTCGAAAACCTAAAACCTTCAATTCTCTTTGTCACCAT
CCACATTATAACCTTGCACCTCCTACTACCTGCACTAAGCCACCCTTCTTCCAGAAA
ATCAAAAACCTGCCACCCTCCTTCCAGAAAATCAAAAACCTGAAAAAACGACCTTCTAT
TATATTGGCGCCATCCAGCGAGGACTACTATTATCTAGGCACCTTCTGAAAAATGA
CTTTCTATTACATTGGCGCCATCCAGCCTCCTCTCTACCAGTATCCAGGCACCTCC
CTGGTTAAACTCAACTTACTTATGTGCTATGTGGCACAATGTTACAGTACTCCCTT
TCACTTTTGCACACTCTAAGGAACAGATGCCATTCTTGTAACTTGGATGCTAGGA
AACTTCATGAGATTAAGTGAAGGACTGAGATGACAATAAACTGGTGTAAATTA
TTTAGGATGTTTCTGTCTATTCTTGTCTTTACTTGAACAACAGAAGTATACACA
CTCTTCCTTTTCTTTCTTAATTAATAAATGAGACGCTTGTTTTTTAAGATGATTAAA
GCATCACTAGCTATTGGCTATGCTTTTCTGTATTTACAAATTCTTACAGGTACAAA
GCCATAAGGCTGCAGCTGGTTCAATAGAGGCGGATCACTTCGCGATCAAGATATG
TATCTCATTAGAAGCACGATTTTTGTTCAAAAATGTTGATTGTGAAATATTCCTC
CTGCACAATCTGATACAACCATATAAAGCTAGAACCATAATAAGTTTAATACTGA
TTCGTTTGTGGTATTTAGCCTCTCCATATTGATAACTGATAAGTTTTGTTATTATAG
TGGTTCTGATCAAGGATTGTTCTAATCAAATACTAAGTACAAACTATTACTGTTAC
TGGAGTATAAGATTGCGTTTACTTGGATGGAATGAAATGGAGGTGAATGGAATA
GTGACTAAATGTGAGCAAGTCCAAATTTTTTGTGATGAAGACGGTTGGAAAAACA
TGCCAAAAAAGTGGAAATGAGCATTTCCTTCCATAATATGTCGGATAGATTTATA
GAAAATGTAAATTTTAGATATTTTCTCTGATCAACCCGAATTTATTACAAATTTTA
TTCTTTTTTCTCTCATTCCATTCCGCGCGAGTAGGATTCGACACAGTAAAGAGTT
CGGAATTACCAAGTAGGATAGATTATCCAGAATAACAAAACAGTCAATCTGAAG
ATAGAAATACATACATATCAAGTAATCAACCATAGTTGTTTGTATAATTTACTATT
CCCAGATCTAACCAGGACCTTAAGTTCGGGCCTCGGGGTGAAACATACAATATGC
ATGGTTTGAAGTTTGGTACTGTGTCAGTGTGTCATGCATCAAATGTCTGGGCATCCTG
GCTGACAGTGATATAATCACATAACTAATTTTCATGTATGGATAGGCAAAACCCA
CATTAGTGCTTTAGCATCTCGTATATAACAATTACACTGCTGACGGTGTACCAACCG
ATCAAACCTCACTGCCAAAGAAGTTTGAAAATATAGACATAAGTAAAGTTCATTAG
TAACTTCATTATTTCTGTGAGAATCAGCCTAAGGCTGTTTTATATTCTGTTGTTTTG
TTGTATGCTGCATATTAATAATTATTACTACAACATTACATCCGACACGATCAG
AAACACGTCCCAAATACAATTTATAGTGGTTCGTTGTCATTATAGTGGTTCTGATC
AGAAACGTCTCATTATCATCATCATATTAGACTCTAAGCTTGTGTATCACTTTAA
TAAAAATTTCAAATCTCAGAACGACAGAAAATTGGCACGTCTACAGACACACC
GAGACCCAAAATTCACATCCCGAATTACAGCCAACAGAATATAAGCAGCAGGCA
GGTGCTACCCCTTAACCATGTGCTGATGAGTACATCTGCCAATCTCCGCAGCGGG
GCAGGAACCATTAATTGTGGAAGCAATGAATATAGCCTTTGGCCTTGGTATAGTA
TTTTCTATTTTACATTTGCACTTGTTTAAACGAGAGTGAGCACGGGCATGGATAA
GGTTCCTACTTATTTATGTAGTTGTCTGTATCGAAAAGGCCTGCGAATAGTATACA

TGATTCTAAAAAATAATGAAATGTTATCCATATAAGGTTAAGCAAGAACCCTATC
AGCTTGATATGAGATTAGTTAACTAGAATTTTTTGGTCTTGCATTCGGATAGAAAC
AAGCAGCACATTAAGAATTCTAAAGTTTGAACATTTTGATTTGTTCGGTTAATTC
ATTCACGACTCTTGTGTTGGAAAAACCCATGTGCTCTTGTTTTATTCATGTGTAA
GAGAACGTGGAAATAATTGAATCAGATACAGATTTATTCAGCTTTGCAGTGATTT
TTGATTCAGAAATAATTGATTA AAAATCTCTCTTGTTCAGTGGTCACATGTCAAGT
AGTTGCATTTAAGAAGTTTGGTCTGTCTATTTAAGAACCATACTTGTGCTTGCATA
ACCACTTGAATATACTCGAAATCTCTTCTTTCTGATAATCTGCTTGGATAATGGCT
TATCAGGGTGTGTTGTTGCCGCGGTGCTTCTGGTTAGTGCTTGTGTTGTCAATGT
TGATGCATTTGTAGCTTCGGGATGGACTAAAGGCCATGCTACGTTTTATGGAGGT
AGCGATGCTTCAGGAACAATGGGTATGTAAATTTGTA CTCTTTTTAATTCCTGAAT
ATAAATGAAATGGAGCAAGAAGGACTAATATATATTTTTTCGACACAGGTGGTGC
ATGTGGATATGGGA ACTTGTACTCGGCTGGATATGGAACCAACACGGCTGCTCTA
AGTACTGCACTCTTCAACGATGGAGCCTCGTGTGGACAATGTTACACGCTCATGT
GTGATTATCAATCAGACCCGAGATGGTGCATAAAGGGAACATCTGTTACCATTAC
CGCTACAAATTTTTGCCCCCGAACTTTGATCAGCCTAACAAATGCTGGAGGCTGG
TGCAACCCTCCTCTCCAGCATTTTGATATGGCTCAACCAGCCTGGGAAAAGATTG
GAATCTACAGAGGTGGTATTGTCCCGTTATGTT CAGAAGGTATATATATCCGTC
AGTCACTTCGGCCTTTGGCATAATTCTTCTATATTTATGTGTCTTTTTGATATATGA
TGGCTTGTAATTTTGGACTCAGGGTCCCCTGTGTCAA AACCGGTGGAGTCAGAT
TCACAGTCAATGGGAGGAACTACTTTGAGCTCGTGCTAATAAGCAATGTCGGGGG
AGCTGGATCAGTTCAATCCGTGCAAATCAAGGGCTCAAGAACTGGCTGGGCTGCA
ATGTCAAGAACTGGGGAGCAA ACTGGCAGTCGAATGGATACCTGAATGGCCAA
TCTTTATCTTTTAAGGTTACTACCACAGATGGAGTCACTCGAGTTTTCAATGACGT
GGTCTCATCTGGTTGGCAATTTGGCCAGACATTCTCGAGTCATATAACATTCTAA