

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

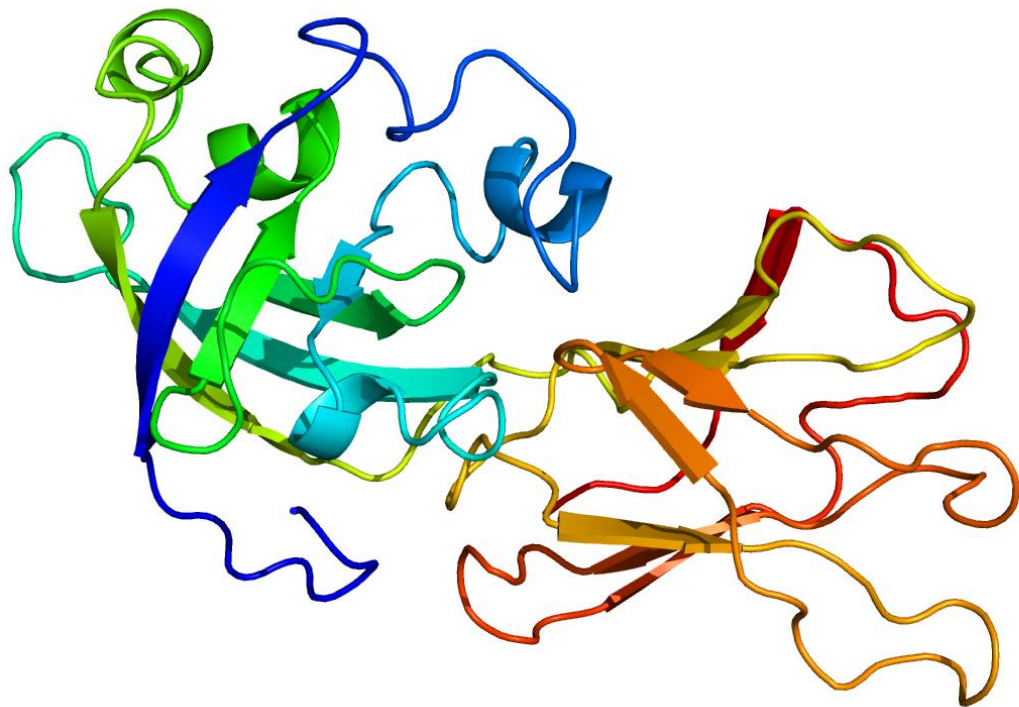
**Locus:** Migut.B01585

**Gene Model:** Migut.B01585.1.p

**Description:** MgEXPB-01

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

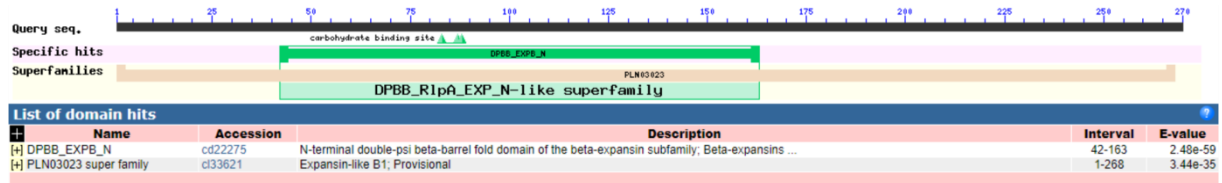
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPB-01

MAFVLHNSLFTYLALVPLLFNLCYCFNLKLLNVSKLDSGSGWSSARASWYGNPSGA  
GSVGGACGYQNAVEAAPFSSLITAAASSIYNSGKACGTCFQVKCTRTRASCSGNPVTV  
VITDECPGCDSQSLFDLSGSSFMTMAISGKENQLRNVGIEQIQYRRVHCNFGGVSVA  
FRVDPGTNENYFAAAVQFENGDGLAGVELKQAAKSGGAWLKMQPSWGAVWKVDL  
PPNYKPPFSVRLTAGGNSGKTIVADKVIPANYKPGQTYRSMVNF\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPB-01

ATGGCTTTTGTTCATAACTCTCTTTTCACGTAAGCTTTAGTTCCTTTT  
TTCAATTTATGCTATTGCTTCAATCTCAAATTGCTAAATGTTTCGAAGCTCGATTC  
TGGCTCGGGCTGGTCTTCAGCCCGAGCCAGCTGGTACGGAAATCCTTCCGGTGCA  
GGAAGTGTGGGGGTGCATGTGGATATCAAACGCCGTTGAGGCAGCGCCGTTTT  
CTTCACTAATAACAGCTGCTGCTTCGTCTATCTACAATTCGGGCAAGGCTTGTGGA  
ACTTGTTCAGGTGAAATGTACAAGAAGTGCATCTTGCTCGGGGAATCCGGTGA  
CGGTGGTTATAACAGACGAGTGCCCGGGCTGTGACTCACAGTCGCTTTTGTTCGA  
TTTGAGTGGTTCTTCTTTTGGAAACCATGGCTATTTCTGGAAAGGAAAATCAACTTA  
GGAATGTGGGAATTGAACAAATTCATATAGGAGAGTGCACTGCAACTTTGGCG  
GAGTATCCGTGGCGTTCGGGGTCGACCCAGGTACGAACGAGAACTATTTTGCAGC  
CGCCGTTCAATTCGAAAACGGGGATGGCCTCGCCGGAGTTGAGCTCAAACAGGC  
GGCGAAGTCGGGCGGCGCGTGGCTGAAAATGCAGCCGTCGTGGGGTGCCGTTTG  
GAAGTTGACTTACCGCCAACTATAAGCCGCGTTCTCCGTTAGACTAACTGCC  
GGCGGCAATTCGGGAAAACAATCGTCGCCGACAAAGTTATACCTGCCAATTACA  
AGCCCGGTCAAACCTACAGATCCATGGTCAACTTTTGA

### Nucleotide

>MgEXPB-01

CTTGAGAAACCCTAATTTGTTAATTAATTTCCCCCAATTTCTTGCTCATGGCTTTTG  
TTTTGCATAACTCTCTTTTCACGTAAGCTTTAGTTCCTTTTATTCAATTTAT  
GCTATTGCTTCAATCTCAAATTGCTAAATGTTTCGAAGCTCGATTCTGGCTCGGGC  
TGGTCTTCAGCCCGAGCCAGCTGGTACGGAAATCCTTCCGGTGCAGGAAGTGTG  
GTAAGATATTGACTAATTCACAAAAAATATATAAATTGGTAACATATTTTGT

ATTTCTATACTTAGTTTTAAAAAGTAACTTATAGTCGTTAATTACATATTTTAAAA  
TGTTAAGTGCTAACAAGTTGTGATAAATTAATAACTACATAACCTTTTGGTGT  
TTTTAATTGTTATTTTCCTCTTTCTCACTATTTTTTTTTTAATTTAGTGTAATTAAGTA  
ATAAATAAATTAAACTAAATAATTTTGTGTATATACGTGTGAAGGGGGTGCATG  
TGGATATCAAACGCCGTTGAGGCAGCGCCGTTTTCTTCACTAATAACAGCTGCT  
GCTTCGTCTATCTACAATTCGGGCAAGGCTTGTGGAACCTGTTTTTCAGGTAATTTT  
GATTAATTAAAAAAATATTATTATACATTCTATTTTTTTTTTTTCATGCATGCTATTG  
TTAATTAACAATAACATGCAAGTTGCATGAATATTTTTAAAGAAAATTGACTTGA  
ACTAATTTCTATATTTTTAATTATTATTAGGTGAAATGTACAAGAAGTGCATCTTG  
CTCGGGGAATCCGGTGACGGTGGTTATAACAGACGAGTGCCCGGGCTGTGACTCA  
CAGTCGCTTTTGTTCGATTTGAGTGGTTCTTCTTTTGAACCATGGCTATTTCTGG  
AAAGGAAAATCAACTAGGAATGTGGGAATTGAACAAATTCATATAGGAGGTA  
TTTTATTAATATTTTATTTTTTCAATTTTATTGCATGGGAATTTTTTCTAACATATT  
CCTATATAATTAATCTTACAAATAAAGTATAACCACATTTTCAAATTTTCTTTG  
CCATATAATTGATTTTCGTAACGACGTTAAGTAGCTTAATTCTTAGCAATATAATT  
GATTATTTCTCATATTAGTTGTCGTTTTGGTTGTTATGATTAAGAAAATCAATAAA  
TATTCGTGAATTATATTACAGCAGAGAAACGTAGAAAATTAAAAAAATACCATT  
TTTATATATGAATTGCTTTTCAACTATTTTTTTTTTAAATTAATTAGAATTGATATGT  
GACAAAATTGAAAAATAATGCAATCAAAGCTTTAATGTTATTCTAAAGTGACTAA  
ATAATTTGGGATTTTTTTTTTTTTAAATAAATAAATAATTATTGTTATTCTTAATTTTT  
TAGAGTGCCTGCAACTTTGGCGGAGTATCCGTGGCGTTCCGGGTCGACCCAGGT  
ACGAACGAGAACTATTTTGCAGCCGCCGTTCAATTCGAAAACGGGGATGGCCTCG  
CCGGAGTTGAGCTCAAACAGGCGGCGAAGTCGGGCGGCGCGTGGCTGAAAATGC  
AGCCGTCGTGGGGTGCCGTTTGGAAAGGTTGACTTACCGCCAACTATAAGCCGCC  
GTTCTCCGTTAGACTAACTGCCGGCGGCAATTCGGGAAAACAATCGTCGCCGAC  
AAAGTTATACCTGCCAATTACAAGCCCGGTCAAATACAGATCCATGGTCAACT  
TTGACTATTGAGTGATTATCAGTTAATTAATAGCACCCTGTAATTTCAAGTCAA  
CTTAATTATAAATAAGTTAAGTGAGAAGTCAAATAATTAAGTTTGTACTTGGTA  
GTATATGTTTGTCAATAAATAAAGGGTAAATTTCAAAAACCACCCGAACTTAGA  
TTAAATTATAAAAACCATCTCCATCTATTCATAATT