

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

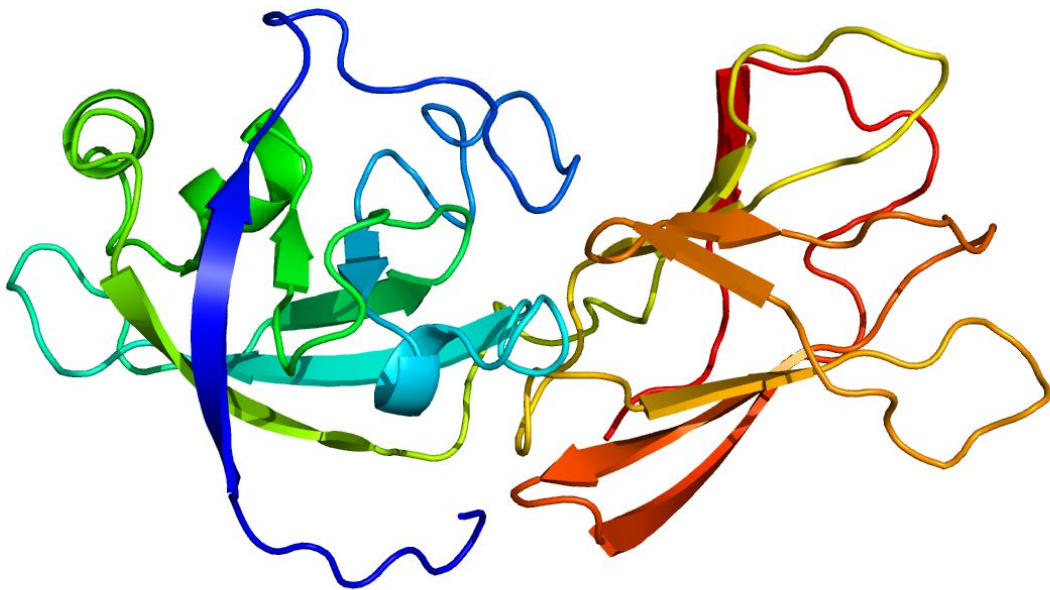
Locus: XP_015952733

Gene Model: XP_015952733.1

Description: AdEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

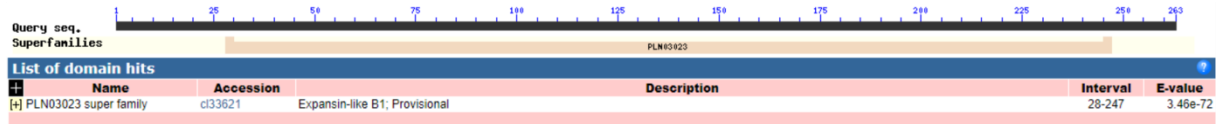
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXLA-01

MAFFVCFSLLLLLSSSATACDRCVHQSASFSSKASALSSGACGYGELALSLSAGNL
AAAVPSIFRDGAACGACFQIRCKAPKLCTKSGTRVVLTDLNKDNKTDVFLSTRAFQS
LALKGKAQHLLNLGILDIEYKRVPCYKKNLAVRVEESSKKPNYLAIKFLYQGGQT
DIVAVDVATVGSSNWSFLSRNHGAVWDTSRVPEGALQLRLVVTAGFDGKWIWAQK
EVLPADWKNQVIYDSGVQITDIAQEGCATCDDGSWP

CDS (coding sequence)

>AdEXLA-01

TTGTGTAGCCGCGGTGTTGTTGAATGTTGATGCTGACGTGGCTTATTCATTGATTC
CCTATAAACAGAGTGTATGTTATCATCAATGAACACATTAAGAAATCGACATGG
CTTTCTTTGTTTGCTTCTCTCTGTTGTTGCTTCTTCTTTTCATCATCTGCCACCGCTTG
TGATCGTTGTGTCCACCAATCCAAGGCCTCTTTTTTCTCCAAGCCTCTGCTCTGT
CATCTGGGGCGTGTGGTTATGGTGAATTGGCACTGTCGTTAAGTGCTGGAAACCT
TGCAGCTGCTGTTCCCTTCCATCTTCAGAGATGGTGCTGCTTGTGGTGCGTGTTC
AGATTAGATGCAAGGCCCAAAGCTCTGCACAAAATCAGGAACCAGAGTGGTTC
TACTGATCTTAACAAAGATAACAAAAGCTGATTTTGTTCCTTAGCACCAGAGCCTTT
CAATCTTTGGCTCTCAAAGGAAAAGCTCAGCATCTTCTCAACCTTGGCATTCTTGA
CATTGAATACAAAAGGGTACCATGTGAGTACAAAACAAGAACCTGGCTGTTCG
CGTTGAAGAATCAAGCAAGAAGCCAAATTAAGTGGCTATTAATTTTTGTATCAA
GGTGGTCAAAGTACATTGTAGCCGTTGATGTAGCTACGGTTGGGTCGTCAAATT
GGAGTTTCCTAAGCAGAAATCATGGGGCGGTGTGGGACACAAGCAGGGTTCAG
AAGGGGCATTGCAGTTAAGGTTAGTTGTAACGGCAGGTTTTGATGGGAAGTGGAT
TTGGGCACAGAAAGAGGTTCTTCCGGCTGATTGGAAAATGGTGTCATCTATGAT
TCTGGTGTCAAATCACTGACATTGCTCAAGAAGGTTGTGCCACTTGCGATGATG
GTTCTTGGCCATGACATCAACAAATTAATATTACATATTTCTCATCTATTCATAG
TTATAGAATACTAGTCAGTATATAGTTAGTTATACTACTACTAAGTTTCAATTC
ATTCATTATTATTATTATGGTGGTATATTATATAGGACTATATATAATTATATACC
CTCTACCTTGAGAAATTAATGATAATAAAAATAGATTACCTTGGGAAACT

Nucleotide

>AdEXLA-01

TTATTGATGTATGAACATCTTTTAAGAGTTTTTCTTATCATTTTTCTTAATAAAGTCA
GTGATCTATGTTAAGTCCCTTATATTCTTACTGCTTAATAATTTACAATATCATCT
TTACATAAAAATATCTTTATTAATAATTACCCCCTTAAATAAATTAGTAAACGGTG
AGTAAATAGGTGTAGATAAGAATTAAGAAACCACCAAGATATGTAGCTAAACA
TATTAGAAAGTCAAAAGTCAAAACGTTATTACTGCTACTATATTACGCGGTACTC
TACTCCACTCTAGGGCTCTAAGCAGTTAAAGAAACTGGATAACACAGCTGTTTAG
GATTGGCACATAGTACACCCCCACTAAGTCAGACACAGTTACCATTTTAGTCATA
TTTATTAATAAGTTTTGTATTTTCAATTTCTTATTATAGTGAATTAGGGAGATAAGAA
CCGAGTGAATAAAAAAAAAAGTCATAAAGTAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT
TTTGTGTAGCCGCGGTGTTGTTGAATGTTGATGCTGACGTGGCTTATTCATTGATT
CCCTATAAAACAGAGTGTATGTTATCATCAATGAACACATTAAGAAATCGACATG
GCTTTCTTTGTTTGTCTCTCTGTTGTTGCTTCTTCTTTCATCATCTGCCACCGCTT
GTGATCGTTGTGTCCACCAATCCAAGGCCTCTTTTTTCTCCAAAGCCTCTGCTCTG
TCATGTGAGATTTCTACCCATCTATCACTTTCATTCATTCCATTTCCATCCATTTGT
GTTATTAATTCTTTGAATATATTATTGTTGCAGCTGGGGCGTGTGGTTATGGTGAA
TTGGCACTGTCGTTAAGTGTCTGGAAACCTTGCAGCTGCTGTTCCCTTCCATCTTCCAG
AGATGGTGTCTGTTGTGGTGCCTGTTTCCAGATTAGATGCAAGGCCCAAAGCTC
TGCACAAAATCAGGAACCAGAGTGGTTCTTACTGATCTTAACAAAGATAACAAA
ACTGATTTTGTCTTAGCACAGAGCCTTCAATCTTTGGCTCTCAAAGGAAAAGC
TCAGCATCTTCTCAACCTTGGCATTCTTGACATTGAATACAAAAGGTATCAAAAT
AATTTAATCATTAAATTTGTTGTTATTCTTCACAGATATTATATTAATAATTTAA
TTAAATATTTTAAATTATTTAATAATTTAAATTATTATGTATAAGTTTGGATAAGA
TAATATTTTTTATTTTTTTCTTTTTGTTTTGGTATGTGAAATTGTGAATGTCCCCAG
TGCTCACCTACCGGGGCTGCTGGCACCGGCCACCGCAAAAAGCGAACATCCATG
GTGGACCATAGTTTCAAAAATTATTTTATTCTAGTAACAGCAACGGTCTATGTCTC
TATGTTGCATTACATAATATTATATAATGCGGTGTATTGCGTATAGTATAAGATTT
GCTATGGACGTTCAAGCATCGTATAGATTTAGAAATATTTCAATTAAGTTTGACTT
AATTAATACTTACTTGTTTATTTATGGATGAATTTAATGGAGCAGGGTACCAT
GTGAGTACAAAACAAGAACCCTGGCTGTTCCGCTTGAAGAATCAAGCAAGAAGC
CAAATACTTGGCTATTAATTTTTGTATCAAGGTGGTCAAACCTGACATTGTAGCC
GTTGATGTAGCTACGGTACGTTACATTACATGTTTCAATTAACATCAACTCACAC
ATGGTACTTCTTGTTCGGTTAGATATATAACTATTTAAGTGTCTGTAACGTAGGTT
GGGTCGTCAAATTGGAGTTTCTAAGCAGAAATCATGGGGCGGTGTGGGACACA
AGCAGGGTTCCAGAAGGGGCATTGCAGTTAAGGTTAGTTGTAACGGCAGGTTTTG
ATGGGAAGTGGATTTGGGCACAGAAAGAGGTTCTTCCGGCTGATTGGAAAAATG
GTGTCATCTATGATTCTGGTGTTCAAATCACTGACATTGCTCAAGAAGGTTGTGCC
ACTTGCGATGATGGTTCTTGGCCATGACATCAACAAATTAATATTACATATTTCT
CATCTATTCATAGTTATAGAATACTAGTCAGTATATAGTTAGTTATATACTACACT
AAGTTTCAATTTCAATTCATTATTATTATTATGGTGGTATATTATATAGGACTATAT
ATAATTATATACCCTCTACCTTGAGAAATTAATTTGATAATAAAAATAGATTACC
TTGGGAAACTTCATCCTCTCTCTTTTATAGATACTCGTTTATGTGAAAAAATTAC
CTTGAGAAAAATAGAAGTGCTAACATCAATCTCTATGTCATTGAGTAACATAATAT
ATTAATAATTTTAAATTTTAACTTAAGCCTTAAGGATTATTTGACAGCTAACAAGA
CATTCACACCACTTAGTGCGTTTACCAAAATGGTATTTTGTAGATCAATTTAATAA
TTTCCATCTTACAATAAAAGAATTTGAGTTATCAGGGACCAATACTTTTTATTA
AAATTCGCAATTATTAGTTTAAATATAAGCAAACTAAGGGAAAAAATTGATACT
ACTTTTTAAATTTATCTCAATATATAAAGCTTCTATACCATCAATTTATTAAT

TAAACTCTAAAAAAGTATTCCTCCAAGAGTAACTATTTCTACAACTAATTATTA
CACTAAATAAAGATCTTTCACCTATTAAAGAAAGACTATTAATCAACTTAGGTTGG
TCGAGTAGTCA