

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis ipaensis*

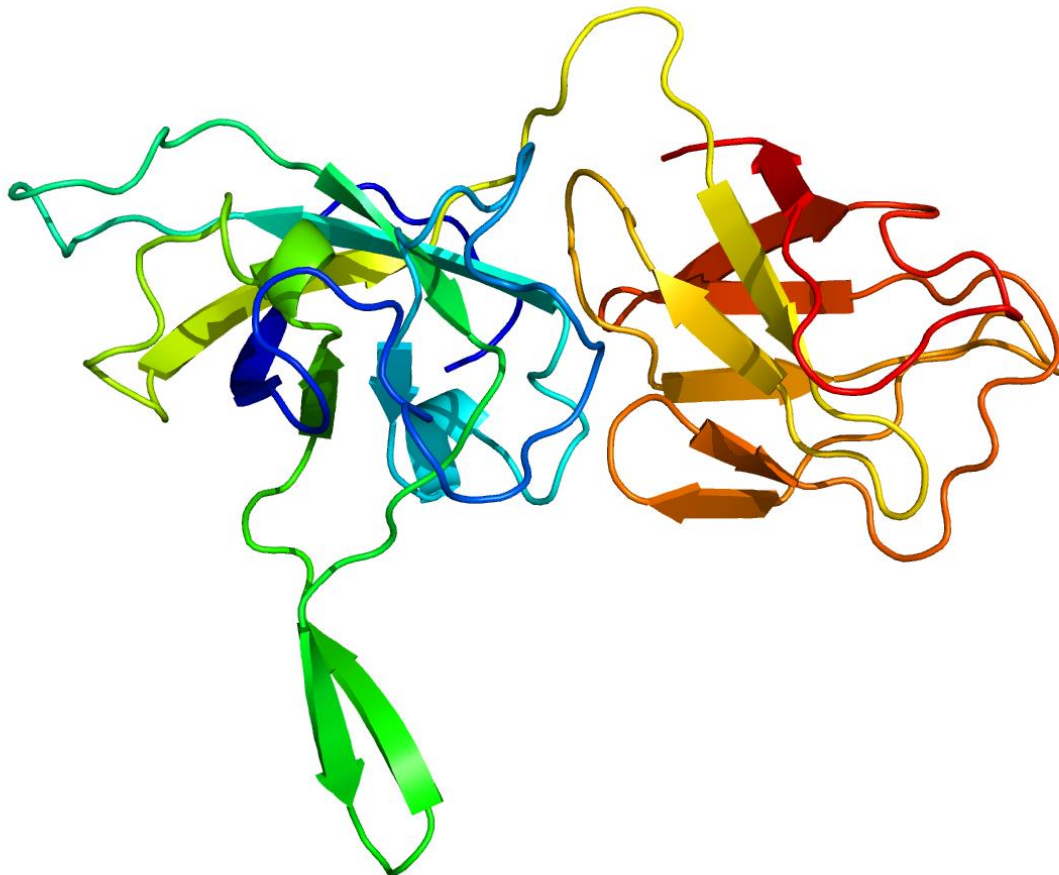
**Locus:** XP\_016181153

**Gene Model:** XP\_016181153.1

**Description:** AipEXPA-26

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: [https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome\\_assembly\\_id=315604](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

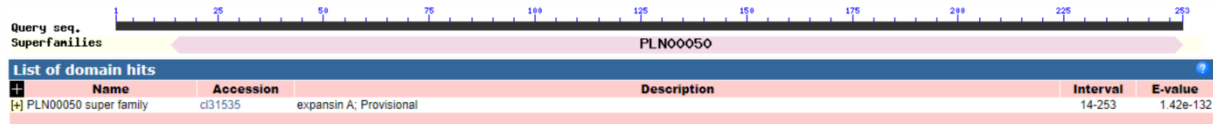
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AipEXPA-26

MAIIAASAISSLFIALNLCRLGTFADYGGGWQGGHATFYGGGDASGTMGGACGYGN  
LYSQGYGTNTAALSTALFNNGLSCGSCYEMRCNGDPKWCLPGAITVTATNFCPPNFA  
LSNDNGGWCNPPPLQHFDLAEP AFLQIAQYRAGIVPVSFRRVPCVKKGGIRFTVNGHS  
YFNLVLITNVGGAGDIHSVSIKGSKTGWQ TMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSFQVTA  
SDGRTVTSYNVAPSNWQFGQTFEGSQF

### CDS (coding sequence)

>AipEXPA-26

CAAGCCAAACCCTTTTGCTAAGCATTAAAGCAACAAGCAACAATAAAGCATCTCT  
CTCTCTTTCTCTCACTCTCATATCCTAGATCCCCTTAGCTTTCTAGTAGCTAGCACC  
ACACAACAATGGCAATTATAGCAGCCTCTGCCATCTCCCTTCTCTTCATTGCTCTC  
AATCTATGCCTTAGAGGCACATTTGCTGACTATGGTGGAGGATGGCAAGGTGGCC  
ATGCCACATTTTATGGTGGTGGAGATGCATCCGGCACAATGGGTGGTGGCTTGTGG  
CTATGGAACTTGTATAGCCAAGGATATGGGACTAACACTGCAGCACTCAGCACT  
GCTCTATTCAACAATGGCTTGAGCTGCGGGTCTTGCTATGAGATGAGGTGTAACG  
GTGACCCCAAATGGTGCCTCCCCGGCGCCATCACGGTCACCGCCACGAACCTCTG  
CCCACCTAACTTTGCCTTGTCTAATGACAATGGTGGCTGGTGAACCTCCCCTCC  
AACACTTTGATCTTGCTGAGCCTGCTTTCCTTCAAATTGCTCAATACAGAGCCGGA  
ATTGTCCCCGTTTCTTTCAGGAGAGTCCCCTGTGTCAAGAAAGGAGGAATAAGGT  
TTACAGTGAATGGACACTCATACTTCAACCTGGTTCTGATCACAATGTGGGCGG  
AGCCGGAGACATTCCTCGGTGTCTATCAAGGGCTCGAAGACAGGGTGGCAAAC  
CATGTCAAGGAAGTGGGGCCAGAACTGGCAGAGCAACTCATACTCAATGGCCA  
GAGCCTCTCCTTCCAAGTCACAGCCAGTGATGGCAGAACAGTCACTAGCTACAAT  
GTTGCTCCTTCCAATTGGCAATTTGGACAAACATTTGAGGGGTCACAGTTTTAGA  
AACCCCAATTCAAACCTTTGTTTGTGCATGTAATATAGTATTGCCATTTGCTTTT  
TGCTTGTGGAGTTGGGAGAGTGTGGGAGTTAAAAGAAAAGGAGAGGTAGAATT  
AGGAGGGAGGAGTTAAAAGTTAAAAGTAAAAGGCCAACATGGTCTTTATGCT  
GTGGTGGCTATATGGCACCCGCTAGGCCTAAATATATATAATATATAGTTGTTTTT  
GTGTCACGGGATATATGATTAATATCTCATTGTGATTGATCATCATCTCCTAGTTG  
TTATGTTATAGGTGATGGTGATCCCAAATTCTCAATAGCTTTGTATATTTGATCCC

CAAATGGTAGAAAACTAAGTTGGGGGCGATTTGATTCAATATCATGCTGCTTTT  
TGATTTGCAA

**Nucleotide**

>AipEXPA-26

TCGACTGACTATAGACTAATTTTCTAAAAATTATGATTCTATTTAAAGGCTTATTG  
TTGACTAATAAATTATTGTATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAATTCAAACCTCAAATAAC  
TTGTTTAAAAAATAATTGAAGTAACCATTAACAAATCTAAATTGATTAAAGAA  
AAACCATATTACTATATTAGTACTGGTTTCATACATAAGCATATATATTAGTTAAT  
TAAGAATATGAGAAAAGAAAAACAAGAGGGGAAATGCATGTGCCATGTGGGG  
CCGTAGATTAAGCAGTTGGTAGTGTAATAACCGAAACATGTGCATGTGCGCCTTG  
ATTCTTGCAACTCTCGACGATGTGATGAATATGTGAATGAGAGAGCGAGTGAGAG  
CGAGCGATTGAAACCCTTTCTTGGCTCATAACTTGTCTTTTCCAACCCCATATAAC  
CCCACATACATAGTCCCTAATGCCCTTAACCTTATGCTAAGTTTTTCTATATAAA  
TACCAAGCCAAACCCTTTTGCTAAGCATTAAAGCAACAAGCAACAATAAAGCATC  
TCTCTCTCTTCTCTCACTCTCATATCCTAGATCCCCTTAGCTTTCTAGTAGCTAGC  
ACCACACAACAATGGCAATTATAGCAGCCTCTGCCATCTCCCTTCTCTTCATTGCT  
CTCAATCTATGCCTTAGAGGCACATTTGCTGACTATGGTGGAGGATGGCAAGGTG  
GCCATGCCACATTTTATGGTGGTGGAGATGCATCCGGCACAATGGGTATGTTTCAT  
TAAGTGTACTCTAGATAATCACACTATGGTTTTAAATAACAATATGTTTAAAA  
AAGATTAGTACATCAATATACTATTTAAATATATTAATTCTTTAATGCCTAGTTTC  
ATCTAAATTGGTAATTATTGTTGAAAAAATACTATAACAACCATATTAATATAC  
GTAACAAAATCAATCACTATATCAGTTATTTGTACATAATATATTTAAATAACAA  
CTTACACATTAATAATAAATTAACAACACTATGATTTTTTTTTTTTTTTTGCATAC  
ACTTATTATTGTGCCTAGCCTTTTTATTTGGACATATGGGGTCCCAAGGTGGTGCC  
TTTTAAGGGTTTGAATCAAGCATTATTTACTATCTTAGACTTTCTTCTAACGAGAG  
TTAATGATTGCAGGTGGTGTCTTGTGGCTATGGAACTTGTATAGCCAAGGATATG  
GGACTAACACTGCAGCACTCAGCACTGCTCTATTCAACAATGGCTTGAGCTGCGG  
GTCTTGCTATGAGATGAGGTGTAACGGTGACCCCAAATGGTGCCTCCCCGGCGCC  
ATCACGGTCACCGCCACGAACCTTCTGCCCACCTAACTTTGCCTTGTCTAATGACAA  
TGGTGGCTGGTGCAACCCTCCCCTCCAACACTTTGATCTTGTCTGAGCCTGCTTTC  
TTCAAATTGCTCAATACAGAGCCGGAATTGTCCCCGTTTCTTTTCAGGAGGTAAATT  
CCGATAACGGTCTCTCGACAGAAATACAAAACTTTTAATTATTTTATCCAATGA  
GTAAATCCTATAAAAAATAATAGCTTCATCATAAATACCACATTGGATTTGCTTAA  
CTAACCAATGTGGGACTTGTAACCTTTTTTCTAGGCTCTTTTAGCTCTAAGTGTTGA  
CTAGAATCATGCATTGACTTTTTTTTTTGTGTGTGAAACAGAGTCCCCTGTGTCAAG  
AAAGGAGGAATAAGGTTTACAGTGAATGGACACTCATACTTCAACCTGGTTCTGA  
TCACAAATGTGGGCGGAGCCGGAGACATTCCTCGGTGTCTATCAAGGGCTCGAA  
GACAGGGTGGCAAACCATGTCAAGGAACTGGGGCCAGAAGTGGCAGAGCAACTC  
ATACCTCAATGGCCAGAGCCTCTCCTTCCAAGTCACAGCCAGTGATGGCAGAACAA  
GTCCTAGCTACAATGTTGCTCCTTCCAATTGGCAATTTGGACAAACATTTGAGG  
GGTCACAGTTTTAGAAACCCCCCAATTCAAACCTTTGTTTGTGCATGTAATATAGTA  
TTGCCATTTGCTTTTTGCTTGTGGAGTTGGGAGAGTGTGGGAGTTAAAAGAAAA  
GGAGAGGTAGAATTAGGAGGGAGGAGTTAAAAGTTAAAAGTAAAAGGCCAA  
CATGGTCTTTATGCTGTGGTGGCTATATGGCACCCGCTAGGCCTAAATATATATA  
ATATATAGTTGTTTTTGTGTCACGGGATATATGATTAATATCTCATTGTCATTGAT

CATCATCTCCTAGTTGTTATGTTATAGGTGATGGTGATCCCAAATTCTCAATAGCT  
TTGTATATTTGATCCCCAAATGGTAGAAAACTAAGTTGGGGGCGATTTGATTCA  
ATATCATGCTGCTTTTTGATTTGCAAGTCTTGTCCATTTTACTGTTTAATTGTTGC  
ATACTACAGTAAATTTATAAATTAGAATCTTATTACAAATTAATCCTCAATCCA  
ACACATAACATTTTAAAGTACTAGTTGACCATCTTATTTTTTTTTTCCTATAACATT  
AAAAAGGGAACGGAGATAAAGTAGCATTAAACTTGAAGAATTCCAAGAAACAGA  
GCAATTTCCGGTGGCATATGTTTGACTTGGACTATAAATGGAACTATCAAGAGT  
AGAAATGCATCGATTTTCATATGGCTTCTATAAAATCTTTCTTCCCAAATCCCAATT  
ATCAAGTAGAGTAATTTCAATTTAATTTTGTGAATCTGTCCGGTCGTTATTTTGC  
TA  
ACTACCTTCCACCAAATACATTCATGCCATGTGAAACCTACTAGCACAAGATT  
CTGTGAGAAAAGATAGTCGCTGAATGATTAAATTACGAGTTAGAAAAACATAAA  
ATATTAAGTACCTACTTAACTTCACAAC