

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

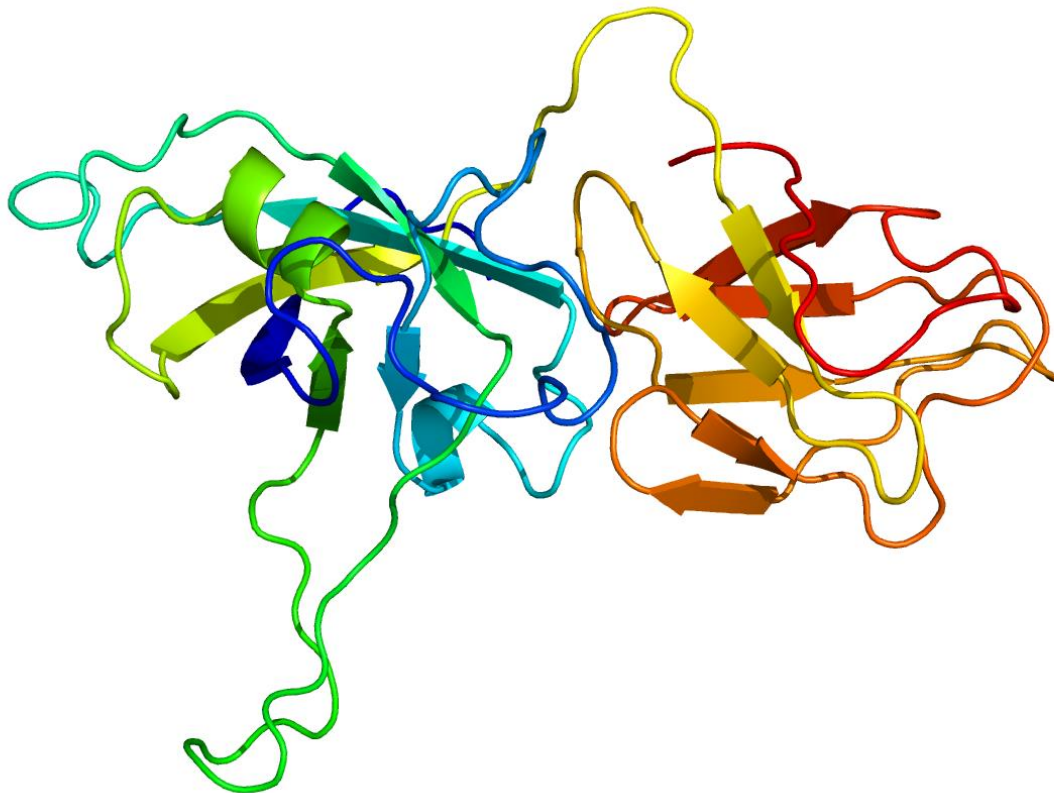
**Locus:** XP\_015935646

**Gene Model** XP\_015935646.1

**Description:** AdEXPA-23

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

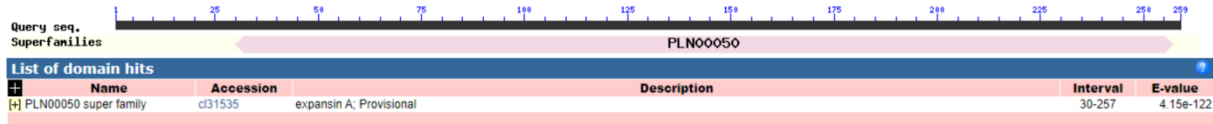
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-23

MASNVVNIIGSLIISLMWMVEARIPGVYSGGAWQSAHATFYGGSDASGTMGGACGY  
GNLYSQGYGVNTAALSTALFNSGLSCGACFEIKCANDRQWCHSGSPSIFITATNFCPP  
NYALPSDNNGWCNPPRPHFDLAMPMFLKIAEYRAGIVPVA YRRVPCRKHGGIRFTIN  
GFRYFNLVLISNVAGAGDIVRTYVKGSRTGWMPSRNWQNWQSNVVLVGQALSF  
RVTASDRRTSTSWNIAPSNWQFGQTFGKNFRV

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-23

CCAACCCCTCAGTCCGTTACCATAAGTATTTACACACTGCTCCCACATTTCTCCA  
TCCACCTCTCGGTATCAAACATAATAAAGTTACTAACATTGTAAACAAGAAAA  
GAGGGGTATGGCCAGCAATGTGGTCAACATTATTGGATCTCTCATCATCTCTCT  
AATGTGGATGGTGGAGGCTAGAATCCCAGGAGTGTACTCCGGTGGTGCTTGGCAA  
AGTGCTCATGCCACATTCTACGGAGGATCTGACGCTTCCGGCACCATGGGGGGAG  
CATGTGGGTATGGGAACCTGTATAGCCAAGGATATGGAGTGAACACGGCGGCGC  
TGAGCACGGCGCTCTTCAACAGCGGTCTAAGCTGCGGTGCCTGCTTTGAGATCAA  
GTGTGCCAACGACAGGCAGTGGTGCCACTCCGGGAGCCCTTCCATATTCATAACC  
GCAACAACTTCTGTCCCCAACTACGCACTCCCAAGTGACAATGGTGGTTGGT  
GCAACCCTCCCAGACCTCACTTCGATCTTGCCATGCCAATGTTCCCTCAAGATCGCT  
GAGTACCGTGCCGGCATCGTCCCCGTTGCCTATCGCCGGGTGCCATGTAGAAAGC  
ATGGTGGGATCAGGTTCACAATTAACGGATTCCGTTACTTCAATTTGGTTTTGATC  
AGCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATAGTGAGGACGTACGTGAAGGGCTCAAGA  
ACCGGGTGGATGCCAATGAGCAGGAAGTGGGGCCAGAACTGGCAGTCAAACGCG  
GTCTTAGTGGGTCAAGCCTTGTCTTCCGTGTCACCGCCAGTGACCGTTCGCACCTC  
CACCTCTTGGAACATTGCTCCCTCCAAGTGGCAGTTCGGTCAAACCTTTTACCGGAA  
AGAATTTCCGGGTTTAACTTATTAAGTCACCCGCTAATCACTCACACCCAATCAT  
AATTATATATAGTGTTATATTTTTTTTACCCCATCATTATCACTATGATTATGATTA  
TGCTCATGATTATATGAAATGGACAAGGCTATTATTTTTTTTGGCTTCCAACCAAT  
TGTCTAATGTCAGTTTTTTATTATATTTTTTTTACCCC

### Nucleotide

>AdEXPA-23

ACAATAACAATTTCTAGCTACTTCAACATTTTCGCATTCCAAGAGCCTACTTATAAT  
AAACTAAAGTTAGTGTGACAAATCACTCATTAGTGAATATTATAGTGTCTAAAGT  
CTCAAGTTGAAGTTATATACGCTACTAATAGTACTTTGGTTTGGTTAGTAACTATA  
ACATCGTAATTTATATTAGTTTCGATTCTGTGGGCTCTTATGTCCATGGACTTAATT  
GGATAATGAATTGAATTCGTTCGCAAACCTGTACGTCCTTTTCACATTATCTGTTATT  
ATGGCCACGTATTCAGTTGATGGGAATGGGAGAATGGTGTCCCTCACTATCTCAA  
CGACAAAATAAAAATAATTAAGAGAGAAATGAGAAATGTAATATATTTGTGG  
AGCCCACAATGAAACGGAGTAGGGTGTGAAATGAAACACAATTGGAAAGTGTA  
TGTGGAAATTCAGATGGTGGCCCTGTATCACTGTAGAGTGTGTAACATAACTA  
ACCCCAACCCCTCAGTCCGTTACCATAAGTATTTTCACACACTGCTCCCACATTTCT  
CCATCCACCTCTCGGTATCAAACATAATAATAAGTTACTAACATTGTAAACAAGA  
AAAGAGGGGGTATGGCCAGCAATGTGGTCAACATTATTGGATCTCTCATCATCTC  
TCTAATGTGGATGGTGGAGGCTAGAATCCCAGGAGTGTACTCCGGTGGTGCTTGG  
CAAAGTGCTCATGCCACATTCTACGGAGGATCTGACGCTTCCGGCACCATGGGTA  
TGTAACATTATTCTCTACTTAATTTTGAGTTTGATAGTTTATAATAAGTGTATGTA  
TGTATGTGTGGGTGTGTAGGGGGAGCATGTGGGTATGGGAACCTGTATAGCCAAG  
GATATGGAGTGAACACGGCGGCGCTGAGCACGGCGCTCTTCAACAGCGGTCTAA  
GCTGCGGTGCCTGCTTTGAGATCAAGTGTGCCAACGACAGGCAGTGGTGGCACTC  
CGGGAGCCCTTCCATATTCATAACCGCAACAACTTCTGTCCCCCAAACACTACGCA  
CTCCCAAGTGACAATGGTGGTTGGTGCAACCCTCCCAGACCTCACTTCGATCTTG  
CCATGCCAATGTTCCCTCAAGATCGCTGAGTACCGTGCCGGCATCGTCCCCGTTGC  
CTATCGCCGGTACCATTTTCCCTTCCCTCGTTATATAATGCAGCTACTCAACA  
TAACACCACCTATTCAATTATCATTTAATTACTTTTATATTTGTTTAAACTCAAAA  
CTCAGGTGCAAATAACTTTTCGATAAAATTAATAGTTGAGACGACAAATTTAACTA  
ATATTATCAACATTGCTTCCACATTTTTTAAACTATGTAGTGGAAAGATAAAGGCT  
ATTGCTACTGCATTTTCCCTTTGCAACATTAACATTGTTTACTAATTAATAATGAGCG  
AAAATAAAAAGAACACTAGTCATACGTAGGTCTTAATAAAAAGTAGATAAAGGTAA  
AGTATAGGCACGAAACAGCGTGTTTCATGGAAAAAAGGAGGAATCTCGGCACTGT  
GTGTGTAAGGTCTTTTTGACTTTTAGTAGCAGATTTGGTGGGGGGTGAAGTGGAC  
CCTATTTATTGCTTTTTTTTATTTTTCTGTAGGTGAAAACCTTATATAATTTAATAAATA  
ATTATCAATTTTATATTTTAAACAAATGTACTTAATTGTTTCTTTCTCTGTATGTT  
CCCCAACGTGATTAGTGATGGTGTGATGCATTGGTAATTTGCGCAGGGTGCCATGTA  
GAAAGCATGGTGGGATCAGGTTACAATTAACGGATTCCGTTACTTCAATTTGGT  
TTTGATCAGCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATAGTGAGGACGTACGTGAAGGG  
CTCAAGAACCGGGTGGATGCCAATGAGCAGGAACCTGGGGCCAGAACTGGCAGTC  
AAACGCGGTCTTAGTGGGTCAAGCCTTGTCTTCCGTGTCACCGCCAGTGACCGT  
CGCACCTCCACCTCTTGGAACATTGCTCCCTCCAACCTGGCAGTTCGGTCAAACCTT  
TACCGGAAAGAATTTCCGGGTTTAACTTATTAAGTCACCCGCTAATCACTCACA  
CCCAATCATAATTATATATAGTGTTATATTTTTTTTACCCCATCATTATCACTATGA  
TTATGATTATGCTCATGATTATATGAAATGGACAAGGCTATTATTTTTTTTGGCTT  
CCAACCAATTGTCTAATGTCAGTTTTTTTATTATATTTTTTTTACCCCCCTTCTGGCGC  
CCATTTTGATAGCGATTAGAATGCTGGATTTTATTTTTGACTGAATGTTTTGGAGA  
CTGTGAAAGGGGGAGTGAGTGAGTGACAGCAGGTTGTGACTTGTGACTTTTGTG  
TCCTTTTTGGGTGGGTGGTGGTGGATATGATATCGCTATATAATTTAATTTGGGGT  
GCGTGCATGAGTTTGTACTCTTTTATCAGTTTGTGTGTTAGATTTTAGAGTGAAGG  
GGGGGAACGGAAGAGGAGTAAGGAATGCTGAAGCGGCCAAGCAAAGTAGCAGC  
CCGCGGCAAATAGAAATGGGATGGTGTATGTTGTTATGTCATTATGTATCTA

AGGGAGTGTGTTGTCGTTAACTTGTATACGCTGGAATCAGAAAATGTATTTTGT  
GGTTTGTGTTTCATTCATTCTACTACATGCAATTACGTTGTTTTCTTTGGGAGGG  
ATGTGTAATGATTTAAATTGCAGTTAGTGCAAACTACTACTCCACA