

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

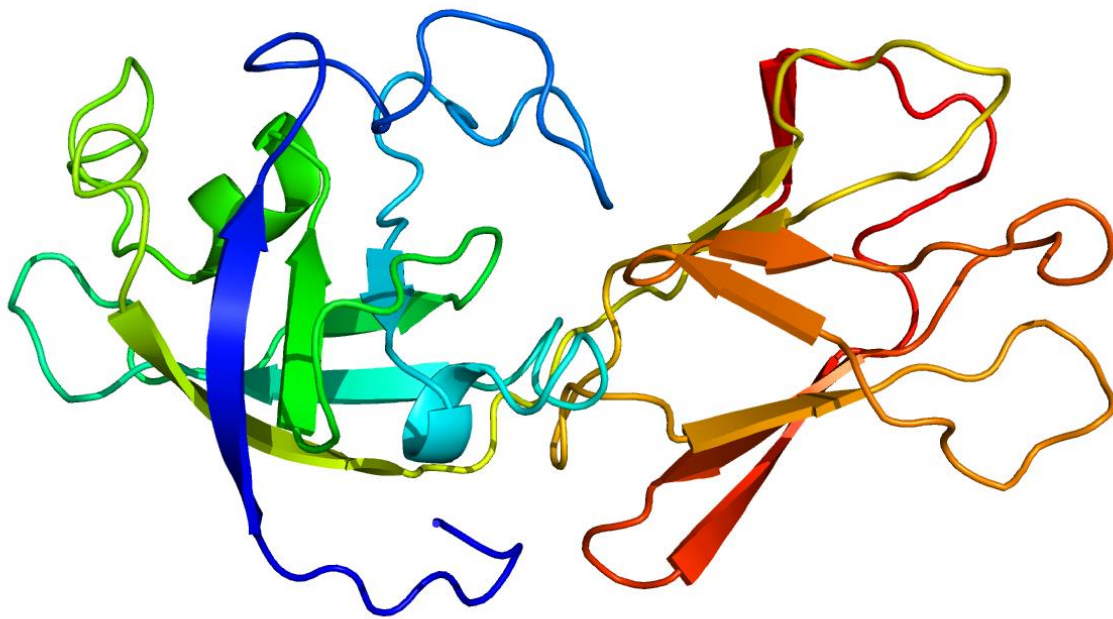
Locus: XP_016174662

Gene Model: XP_016174662.1

Description: AipEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

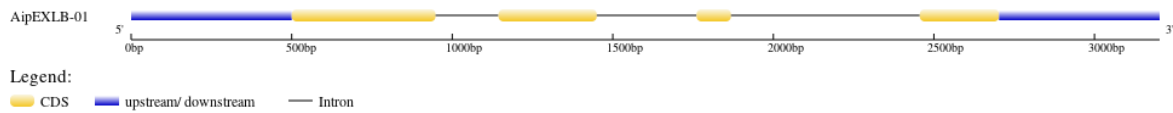
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

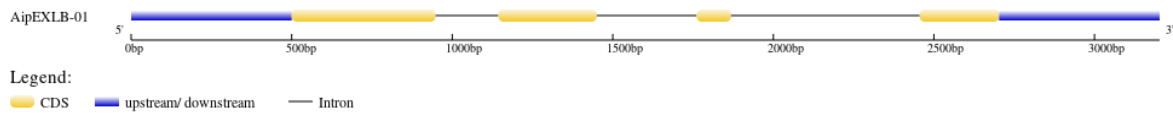
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXLB-01

MELKHQLGLLCVILLLPALSIATNNDYCPWNSYKNSRASYYGTRDGYGTPSGACGFG
EYGRMDNDGKVA AVSGLWKGGSGCACYQVKCKVPTLCNVNGVTVVATDYGEG
DRTDFILSPRAFESLGVSLNASEELKKYGTLDIAYKRVPCNGKIVIKIHESSSNPGYFA
MVL LSHGGLYDVTSVEFWEDSRKQWTPLRRAYGAVFDYANPPRGPLFLRFQDTGCH
GAYSQELNKPIPANWQPKMIFTF

CDS (coding sequence)

>AipEXLB-01

AACCTTCTTTCAATAATATTTGTTATTAGTTAATTATATACCTTCACATACTTTGGT
TTATTGCATTTACTTACTACATTTCTTACCTCTTTAGATATGGAGCTTAAGCACCA
ACTTGGTCTTCTTTGCGTTATATTGCTTTTACCAGCACTAAGCATCGCCACTAATA
ATGACTATTGCCCTTGAATTCTTATAAGAACTCTAGGGCATCCTATTATGGTACC
CGTGATGGTTATGGGACTCCAAGTGGAGCATGTGGATTTGGCGAATATGGAAGG
ATGGACAATGATGGCAAGGTTGCAGCGGTATCTGGGCTATGGAAAGGTGGAAGT
GGCTGCGGTGCATGCTATCAGGTTAAATGTAAAGTACCAACATTGTGCAATGTCA
ACGGGGTAACCGTGGTGGCAACAGATTATGGTGAGGGAGACAGAACAGATTTCA
TACTGAGCCCACGCGCTTTTGAGAGTTTGGGTGTGAGTCTTAATGCATCTGAAGA
GCTCAAAAAGTACGGTACTCTTGATATTGCATACAAGAGAGTTCCTTGCAATGGC
AAGATTGTTATTAAGATCCACGAAAGTAGCAGCAACCCTGGATACTTTGCTATGG
TGCTTCTCAGCCATGGTGGATTATACGATGTCACTAGTGTTGAATTCTGGGAGGA
TTCACGCAAACAATGGACTCCATTGCGGAGAGCTTATGGGGCAGTGTTTACTAT
GCTAACCACCAAGGGGTCCACTCTTCTTGAGGTTCCAAGATAACGGTGTGCATG
GAGCTTATTCGCAAGAACTAAATAAACCTATCCCTGCTAATTGGCAGCCGAAAAT
GATTTTACCTTTTGACAATGGACTTCAGCTTTAATAATTAATACTTAAAACCTCA
TACTTTGGGCCTGGAATCATATAATATATCATAAATAAATAAATAGCCACTCTTA
TTCAGATGAAATTCTGATCTGGTTCTACGAATAATGGTGAGAGTGTCTGCGTGGT
GTGTGTATTGCTGGGTGAATTTGTTTTTGTATGTTAGTCTTCGTGGAGACTACAAT
AATATGTATTCTTGTACCTGTGAAATAAATTGTCAACAATAAATTAATACATAC
TGTC

Nucleotide

>AipEXLB-01

TTGAAGTAAAATGAGGGTGCTTTGATGCTGAATTAGATGAATTGAGTTAGCTTCA
TATGTGCATTACATTGATTAAGGGTAGCTGCTCAAGATGCAGAGACAGTAACAT
CCCTAACCAACTAACACGCTAATAAGGTACTCTAACTAACTAAACAGTTATACAC
TAAGTTAGTAAGTTCTTGACAACTTCTTTCTTGTGTCTTCTATCTTTTTTCTTCT
TTAATATTTTTGCTAGAAAGTTACTTCTAGTTTATAACATAAATCATTTTTAGAAGT
ATTAAGAGTTGAACTTACCTCGAGATCAAGCAAGTGTAATAAATAGATTATTAT
CCTATTAAGCCGAAGATCTAATCTGAATCTAATTCAATTCAATATATTTGATAAAT
TCATTATTTTAAGTTTTCGAGCTAAAAATAGTTGGATCCGAAAATAATTTTTCAAA
ATTGTGTTAATAAAACATGAACTCTCCTAATTATTATTATTGGCCAAACAACAGG
ACAGTATGTATTTAATTTATTGTTGACAATTTATTTTACAGGTACAAGAATACATA
TTATTGTAGTCTCCACGAAGACTAACATACAAAAACAATTCACCCAGCAATACA
CACACCACGCAGACACTCTCACCATTATTCGTAGAACCAGATCAGAATTCATCT
GAATAAGAGTGGCTATTTATTTATTTATGATATATTATATGATTCCAGGCCCAAAG
TATGAAGTTTTAAGTATTAATTATTAAGCTGAAGTCCATTGTCAAAAGGTAAAA
ATCATTTCGGCTGCCAATTAGCAGGGATAGGTTTATTTAGTTCTTGCGAATAAGC
TCCATGACAACCGGTATCTTGGAACCTCAAGAAGAGTGGACCCCTTGGTGGGTTA
GCATAGTCAAACACTGCCCCATAAGCTCTCCGCAATGGAGTCCATTGTTTGCCTG
AATCCTGCAATATTAGAGAGGTGGAATATAATATAAATATGTAATTATATTGATG
TTATAGCTCCAACATTGAAAATAACTTAATAATCAAGTTATGTAAGTACTAGCTAAGC
CAATAAGTTATTAGAATCTCATTATTAATTTTGGTTTCAACATAACAGCCAACTTA
TTTAGTTTTCAACCAATTAACTATATGTATGTACCTCCCAGAATTC AACACTAGTG
ACATCGTATAATCCACCATGGCTGAGAAGCACCATAGCAAAGTATCCAGGGTTGC
TGCTACTTTCGTGGATCTTAATAACAATCTTGCCATTGCAAGGAACTCTCTTGAT
GCAATATCAAGAGTACCGTACTTTTTGAGCTCTTCAGATGCATTAAGACTCACAC
CCAACTCTCAAAAGCGCGTGGGCTCAGTATGAAATCTGTTCTGTCTCCCTCACC
ATAATCTGTTGCCACCACGGTTACCCCGTTGACATTGCACAATGTTGGTACTTTAC
ATTTAACCTGAATTACCATTATTTATTTATTTTATATTATTTTGAAAAATAAACAA
GTGTGAAAAAGATGACATAGAAAACCTCATTATATATTCTTACAATTTTATTATAT
ACATACAATTATATACATATATGATACAAATAAGAGGTACATCAAAGATAAAATT
TATTTCACTCTTTGTTAAAAGATAAAATTTACAGAAACGAGTCCAGACTCTTCAA
AAACCTTAAATTTGCCTCCTCTAACATCCTTTTTAAACCAAATCTAGAACACTAA
CCTGAGGATTATTATAACGAGGAGTTGAGAGGGAAACGTACCTGATAGCATGCA
CCGCAGCCACTTCCACCTTCCATAGCCCAGATACCGCTGCAACCTTGCCATCATT
GTCCATCCTTCCATATTCGCCAAATCCACATGCTCCACCTAAATATATAGGAGAG
ACCGTGCATGATCAAAAAATAAGTTCATAAAATATATTCTTAGAGAAAAGGAAA
AAGATACCATATATTAGTTATAATTACCATGGTCATGATCACTAGTGAAACTAAA
CATGAAAAATGTGTAAAAGGAAAACATACATTCGTATAAAGTATAACAAAATTA
TTTTTAAAAAATAACTCAAATGAATATTTTATTTTGTATTTGTTTTGCATTTGA
GGCAACACTCATAAATTTATGTTTTTTTTATAGTTTTTAAAAATCAGATCGAGTTAGC
TGATTTAGCTGATACAATTGGGTAAATCGAAAATCAGTCACTAGACCAGTTTGAT
TCATGTAAATTGGTAATAAATCGATTAAAAAATTTAAAAAAGACAATCAAAAAG
TGAGTTAACCGATGGGAGTTATGTGATTTTTTAATAATTA ACTAATTTAAAATAAT
AAAATATAAATTTTTTTTTATCAGAACAGAACCTTGTTTTTTTTATTAAAAGGGTTG
ACCTCTCCTAGCATGCACTCCTCAAATATATTGCATGATATGTGTAAATTAATTA
AAGGAGGGTAATAACATACTTGGAGTCCCATACCATCACGGGTACCATAATAG

