

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

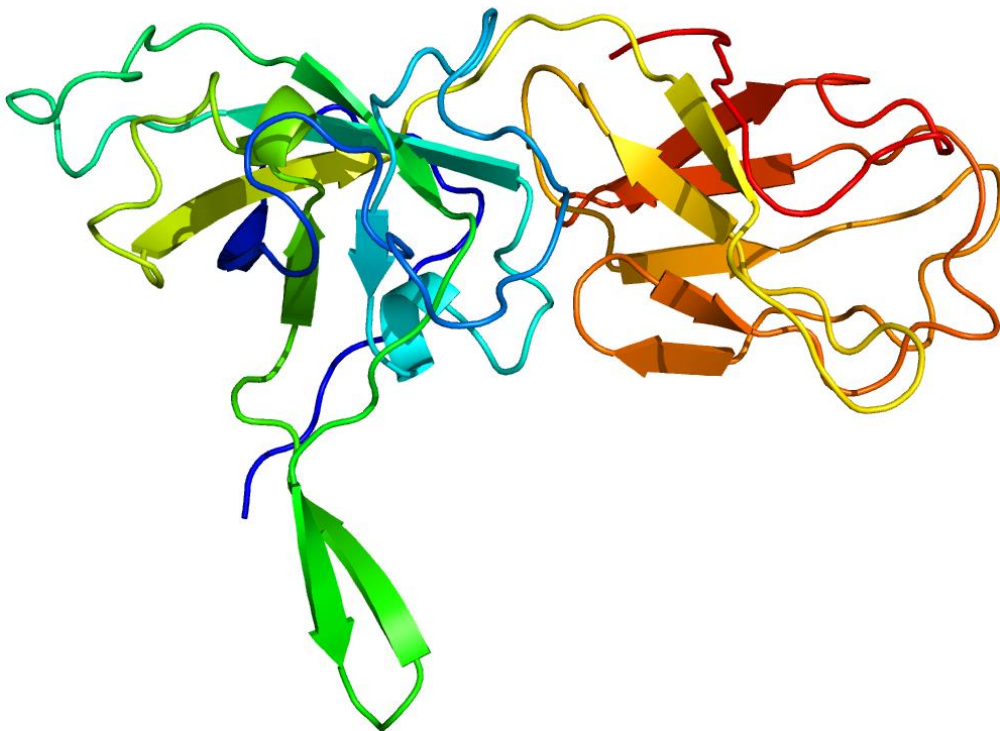
Locus: XP_011094574

Gene Model: XP_011094574.1

Description: SinEXPA-19

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

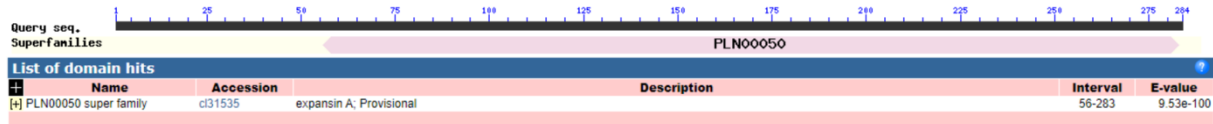
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-19

MTTTSISAKSVLSLLFFLYFLVPVIDAERTFRVIQRQHSFPNPHAKRRKPKVSLWENA
HATFYGEADGSGTMGGACGYGDPKEQGYGLQTAALSKALFKNGETCGACYEIKCV
NDTKWCLPRHRSIIVTATNYCWPNYQQSSDAGGWCNPPREHFDLAQPAFLRIAQYK
AGIVPVQYRRVACKKKGGIKFMVNGSRDSTVVLVWNVGGAGDVESVWVKGEKSV
KLWRKMKRKRGGQGWETGGVVLVGESLSFRVQTS DGRTSTSMRVAPNNWRFQTFQ
GTNFK

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-19

TAATATCCCATTTCATCCTTCAAATTTCTGGGTATTATTCCTTGACACCAATCAA
AGATTTACCGGAAACACTGAAATCACACATTTTAAATATTACTAAATATATATGT
CATAACAGATGAAGGAAAATGAGCAACTGATGAGGCCTAATTATGACAACAACA
TCAATTAGCGCAAATCTGTCTCTTTATCCCTGTTGTTTTTCCTTTACTTTCTTGTA
CCAGTCATTGATGCCGAGCGAACATTCCGTGTGATACAAAGACAGCATAGCTTTC
CCAATCCACACGCCAAGCGTCGAAAGCCAAAAGTTAGCCTCTGGGAAAACGCTC
ATGCCACTTTCTATGGAGAAGCCGATGGCTCCGGAAGCTATGGGTGGAGCCTGCCG
TTACGGGGACCCCAAAGAACAAGGCTACGGGTTACAGACGGCGGCGCTGAGCAA
AGCTCTGTTCAAGAATGGTGAACCTGTGGAGCTTGTACGAGATAAAATGCGTT
AATGACACCAAATGGTGTCTTCCCCGACACCGTTCTATTATTGTGACGGCCACCA
ACTACTGCTGGCCAAATTACCAGCAGTCCAGTGACGCCGGGGGATGGTGCAATCC
GCCGCGCGAGCATTTCGACTTGGCTCAGCCAGCATTTCCTTCGGATTGCTCAGTAC
AAAGCTGGCATTGTTCTGTTCAATATCGAAGGGTTGCATGCAAAAAGAAAGGA
GGCATAAAATTCATGGTGAATGGGAGCCGTGACTCGACAGTGGTGTGGTTTGGGA
ATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTGAGAGCGTGTGGGTGAAGGGGGAGAAGAGTG
TAAAGCTATGGAGGAAAATGAAGCGTAAACGGGGACAAGGATGGGAGACGGGG
GGTGTAGTTTTGGTAGGGGAATCCTTGAGTTTTAGAGTCCAAACTAGCGACGGCA
GAACTTCCACTTCCATGCGTGTGCTCCTAACA ACTGGCGCTTTGGTCAGACATTT
CAAGGCACCAATTTAAGTAGACAGGACACGACCTAGGTCTCCCTTCTTTTTGTCT
TTTTTACATATTTCTGTTAGTTATTAGGAATCAGGATTTGGGTCTGTATTTTTATT
GTTTAGAAATTAACGTAGACCCATGTATGTATTATAATTAGGGAGTTTAGAGTTG
TGATGCGTCAGTATATTTTATTATTAAGGGAGACGAGACTTTTAGTGCTCA

Nucleotide

>SinEXPA-19

AAAGCGACACCTATCATAATTGTAGTACTAAAAGAATTCGGCCCTTATTTTTATGT
GGCTAAAAAAGCCCTATTTTATCTCAGTTGTACACTGACCGGAGGAAGTATATAT
ATATATCGACAATCAAAGAACATTTTAAAAATACTTAAGCTTATAGAAATAAAT
AGTTGCTTAATTAATGACGACTGTTGTATTCTTGATAGCTTCATCTTGCCACTATT
TAACTTGGTAAAAATTATTAATTTATAATTAACAACAAAAAATTCATCACTTAACTTT
AATAATTGTAATATATACTTAGAGCTTAAATATGATCACTACATTTTTCTCATTGT
AATTAATTATATATTTACGGCCTTAATATTAGCAACATATATATATATATATA
TATAATCAGACACAAGACAGCTAAATGTAGACTTGGTTTGTTAAGGTAAGTACAT
ATATATAAGAGGCAAAAATAAAGGGATTTTCATGCTCATCAAAGATGGGAAGGC
ATAATATCCCATTTCCATCCTTCAAATTTCTGGGTATTATTCCTTGACACCAATCA
AAGATTTACCGGAAACACTGAAATCACACATTTTAAATATTACTAAATATATATG
TCATAACAGATGAAGGAAAATGAGCAACTGATGAGGCCTAATTATGACAACAAC
ATCAATTAGCGCAAAATCTGTCTCTTATCCCTGTTGTTTTCTTTACTTTCTTGT
ACCAGTCATTGATGCCGAGCGAACATTCCGTGTGATACAAAGACAGCATAGCTTT
CCCAATCCACACGCCAAGCGTCGAAAGCCAAAAGTTAGCCTCTGGGAAAACGCT
CATGCCACTTTCTATGGAGAAGCCGATGGCTCCGGAACACTATGGGTAAATATATAT
TTTTATGCACCTTCTGATGCATTCTTCTGATCAACCCATTTATATTAATCCTGTGTA
GAAACTATATGTTTAATTTGATCGAATATATGTATAGTTCCTAGTTTATGCATTAA
TTATTGCATGTTGAAAATGTTTCTGCACCTGCATGTAGTTTTTTTTGGCTCGTATGA
TAATAAAGCTAAGCTCTCGATCATCATAATTCATCATTAAACAAGATCATTAAAT
CACTTATAGACAGTAATCCTCATAAGTATTATTCTTTTTATTACTTTATCGTGTA
GCGAATGACGACAGTGAAATTTGTTGTCCCCTGTGTGAAAAAGACTGAGTAATA
GTAAGCTTTATTGTGTTTCATATGAGTTGAAAGAATTTGGACAGGTGGAGCCTGC
GGTTACGGGGACCCCAAGAACAAGGCTACGGGTTACAGACGGCGGCGCTGAGC
AAAGCTCTGTTCAAGAATGGTGAAACCTGTGGAGCTTGTTACGAGATAAAATGCG
TTAATGACACCAAATGGTGTCTTCCCCGACACCGTTCTATTATTGTGACGGCCACC
AACTACTGCTGGCCAAATTACCAGCAGTCCAGTGACGCCGGGGGATGGTGCAATC
CGCCGCGCGAGCATTTCGACTTGGCTCAGCCAGCATTCCCTTCGGATTGCTCAGTA
CAAAGCTGGCATTGTTCTGTTCAATATCGAAGGTATAGTGACAATATATTCTATC
TGCTTTACATGTTCTGTGAAATAACTTAAGACTGTCCAAATGAAATTTAAAAAAA
AGAAAATTGAATAGCTGGAGAGAAAAATGAAAACCATTCCCTGGTGTATTAATTA
ATTACACAAATATTAAGAAGCTTGTGAACATTTTCTAGAATAACTCCTCTGTATA
ACATATATAATGATTCTTCTGATGATCTAATTTGTAATGTAGAATTTACAACACA
AATCATGATTTTCAGTGATGGAGTGTAGCTTGTTCGAAATGAAGATTTTTAATAAT
ACAGTTAACTTTAGGTAGGGATGATGTTAGAGTAAATATATAATGAGGTATGAG
AATTAGTGTATGTTAACATTTAATTTGGGTGATGAGCACTGCAGGGTTGCATGCA
AAAAGAAAGGAGGCATAAAATTCATGGTGAATGGGAGCCGTGACTCGACAGTGG
TGTTGGTTTGGAAATGTTGGAGGTGCTGGTGTGTTGAGAGCGTGTGGGTGAAGGG
GGAGAAGAGTGTAAAGCTATGGAGGAAAATGAAGCGTAAACGGGGACAAGGAT
GGGAGACGGGGGGTGTAGTTTTGGTAGGGGAATCCTTGAGTTTTAGAGTCCAAAC
TAGCGACGGCAGAACTTCCACTTCCATGCGTGTGCTCCTAACAACTGGCGCTTT
GGTCAGACATTTCAAGGCACCAATTTTAAGTAGACAGGACACGACCTAGGTCTCC
CTTCTTTTTGTCTTTTTTACATATTTCTGTAGTTATTAGGAATCAGGATTTGGGTT
CTGTATTTTTATTGTTTAGAAATTAACGTAGACCCATGTATGTATTATAATTAGGG

AGTTTAGAGTTGTGATGCGTCAGTATATTTTATTATTAAGGGAGACGAGACTTTTA
GTGCTCATTTATTTTTGTTTGATATTTTATTTTTCATTTGTTATATAACTTCTCACTC
TGTGAACTTTTTTGTGGTGGAAAGTTAACTCGTTTCAATGCTCTAAAGAAAATGA
AAGAATATATTAACACAATTGATAGCAAGCTCATGCTTGTTTTCAATTAACATTG
GTTGTGTTCTCATCAGCTATATATATATATATATATATATATATATATAAACCAT
GGCTGAGGAATTTAATTCAGTATAGGGCATGACCGGAACTCAATAGATAAAGGTT
TCTCAATTCTGATAAACCACAACCCTTTCCCCCTTTTGTCTCTTTATGATGTTAAT
TTGCATATCAAAGCCATGGCAATCATGAGGCGAGCCCTCCTGTCATCGCTTTGC
TGCTCATCCTAATTAATGTTTCGTGCTGCCCGTTGCACTTGGCCAGTTATACATGGC
CCCTCTCCAGGAACCGGATGCCCAGGCTCAAGTCCATGGCCCCTGGAAACATGCT
CGTGC