

IDENTIFICATION

Species: *Manihot esculenta*

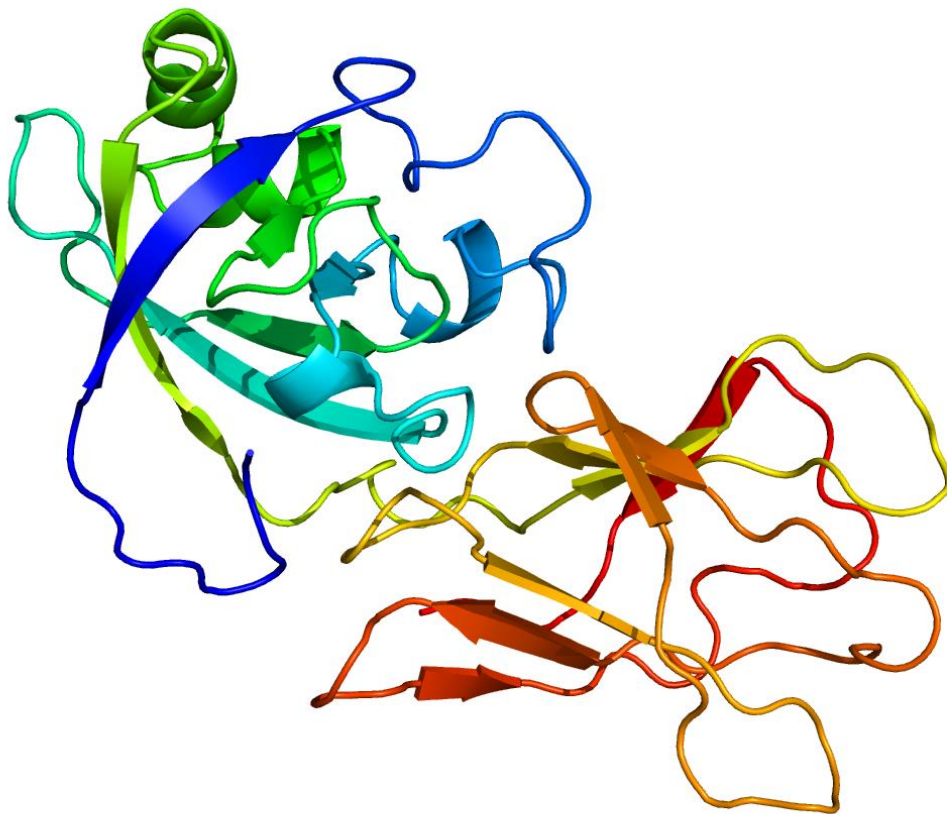
Locus: Manes.17G018100

Gene Model: Manes.17G018100.1

Description: MsEXLB-05

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mesculenta_v7_1

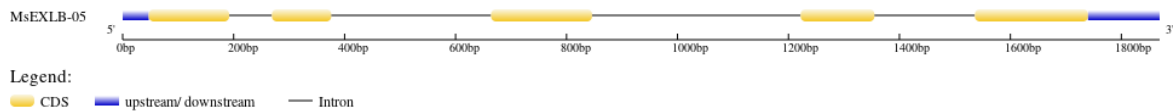
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05761>

EXTERNAL RESOURCES

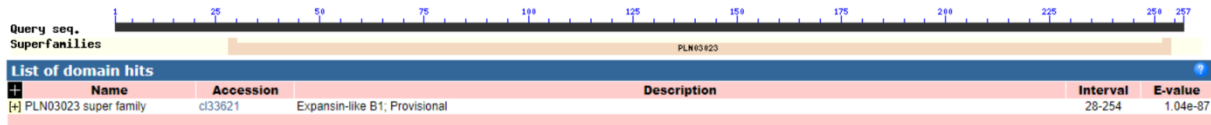
<https://cassavagenome.org/>

<https://cassavabase.org/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MsEXLB-05

MASSPQSFILLFTLLFLQTLTEATTCSDCFIHSRAAYYPNSDEQGTDRGACGFGSFGA
TINGGDVSAASNLYRDGVGCGACYQVRCTNSNFCADKGVTVVITDQGSNDNTDFILS
SRAFGQMAQTKDAAASLLSLGVVDIEYRRVSCSYPNKNITIKIDENSNYPYYLGFVIW
YQQGKRDIATVQLCETQNFVCKLLDRSYGAVWTTTSPPSGSLSLRMLFSGEDGDETW
LVPVNNIPHDWKAGETYDTGLQVNE*

CDS (coding sequence)

>MsEXLB-05

ATGGCTTCCTCTCCTCAGTCCTTTATTCTTCTTTTTACGACTTTGCTCTTTCTGCAG
ACTCTGACAGAGGCTACAACATGTAGTGACTGTTTCATTCATTCTCGGGCAGCTT
ACTATCCAATTCTGATGAACAAGGAACAGACAGGGGTGCATGTGGGTTTGGTTC
ATTCGGAGCAACGATAAATGGTGGCGATGTATCAGCCGCATCTAACCTCTACCGT
GATGGTGTGGTTGCGGTGCTTGCTATCAGGTAAGGTGCACCAACAGTAACTTTT
GCGCAGACAAAGGGGTAACAGTAGTTATAACAGACCAGGGTTCAAGCGATAACA
CTGACTTTATTCTCAGTAGCCGAGCCTTTGGTCAGATGGCTCAAACCAAGATGC
AGCTGCTTCACTTTTATCCCTTGGAGTAGTTGATATTGAATATAGACGAGTTTCAT
GCAGCTATCCCAACAAAATATAACAATCAAGATTGATGAGAACAGCAACTATC
CTTATTATTTGGGTTTTGTCATATGGTATCAACAAGGGAAGAGGGACATTACTGC
TGTGCAGCTATGTGAGACACAAAACCTTTGTGTGCAAGCTTTTGGATAGGAGTTAT
GGAGCAGTATGGACTACTACATCTCCCCCTAGTGGATCTCTGTCATTGAGGATGC
TATTCAGTGGTGGAGATGGAGATGAGACATGGCTTGTTCTGTTAACAATATTCC
CCATGACTGGAAAGCTGGAGAAACATATGATACAGGACTTCAAGTTAATGAATA
G

Nucleotide

>MsEXLB-05

CATCTTCTTAATTGCTTCCATTGCCTTTGCTCTCTTATACAAAACAATGGCTTCC
CTCCTCAGTCCTTTATTCTTCTTTTTACGACTTTGCTCTTTCTGCAGACTCTGACAG
AGGCTACAACATGTAGTGACTGTTTCATTCATTCTCGGGCAGCTTACTATCCAAT
TCTGATGAACAAGGAACAGACAGTAAGAAAAACAGATGCTGTAACGCTGTAAC
AAAAGCTAAACATGTGTTCTTACAATGTGTTTTTCATGAATTGTAGGGGGTGCATG
TGGGTTTGGTTCATTTCGGAGCAACGATAAATGGTGGCGATGTATCAGCCGCATCT
AACCTCTACCGTGATGGTGTGGTTGCGGTGCTTGCTATCAGGTAACCAAATTTTT

TAGTTAGATCTGTCACCATGGATCCAAGACATAATGTCCGATGGAACCATATGGC
AAATATAAGAAATTTTGTTCATATGATAGGACTTAACGTGAATTCAGCATGATCAA
TGCTAACATATGTAATTGTTGTATGTAATAATTTTTTCGATTTGAGACTTGCTTGTTT
GTGTTTAATATTTTTTTTTCCCTATATATTAAGCAAAATTTAATTACGTCCAATAT
TATTAGTTCAATTTATATTTCCAAACACTAATGATCTTTTTCTATACCAGGTAAGG
TGCACCAACAGTAACTTTTGCAGCAGACAAAGGGGTAACAGTAGTTATAACAGAC
CAGGGTTC AAGCGATAACACTGACTTTATTCTCAGTAGCCGAGCCTTTGGTCAGA
TGGCTCAAACCAAAGATGCAGCTGCTTCACTTTTATCCCTTGGAGTAGTTGATATT
GAATATAGACGGTGAGATTTCAATATATTTACCATTAAATTTAGTTCAGATCTAA
CTCTAACTCACATGGAAAAATGTCTAAAAGGGGCACATTATCCCTATTCGAAAGG
ATGTGGTATTTAATACTCTTTAGGTT CAGGACTACACTAAAGGAAAGGTTTTG
ATACGTTAAATTTGGATCGGATCTAATTCACCGTAAAAACTGACTAAAAAAGGAG
TGTCTAAAGCTCGAAACACGTTACCCATGTTTCAAACCGATGTGGAATTTAACAC
TTATGAAGACTATACTAACTTTTACTGTGAAAAAGAAAAATCTTAATTTCTATGTTG
TGAGAAACTAAGGTTAAACAAATATCATGCTCTAATTAATTTATCTCTCTATGCA
GAGTTTCATGCAGCTATCCCAACAAAAATATAACAATCAAGATTGATGAGAACA
GCAACTATCCTTATTATTTGGGTTTTGTCATATGGTATCAACAAGGGAAGAGGGA
CATTACTGCTGTGCAGCTATGTGAGGTATTATGCAATATCAATAATATTTGAAGT
GGAAAAAGCTTTTTAATTTTCAAACCTTTATTTTTCTTTGCAACCACTTTGTTTCTAC
ATCAAACCGGTGACAACCTTAGTCCAATTCCTAAGATATGTGATGTTCAAATC
ACAACAAATGTATTAACAACAGAAATTTGTCATATGCAGACACAAAACCTTTGTGT
GCAAGCTTTTGGATAGGAGTTATGGAGCAGTATGGACTACTACATCTCCCCCTAG
TGGATCTCTGTCATTGAGGATGCTATTCAGTGGTGAGGATGGAGATGAGACATGG
CTTGTTCTGTTAACAATATTCCCATGACTGGAAAGCTGGAGAAACATATGATA
CAGGACTTCAAGTTAATGAATAGTCCTATAAAGCCTTAGGTTGTCTAGCTCTTTAA
TATTTTTCATTTTATTCATTATATGCCCTTTTCTTTTCTTCATTTCAATAAGAGAAG
TTCATGAATGTAATCATTTCAATATTGACTAATCTGCAA