

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

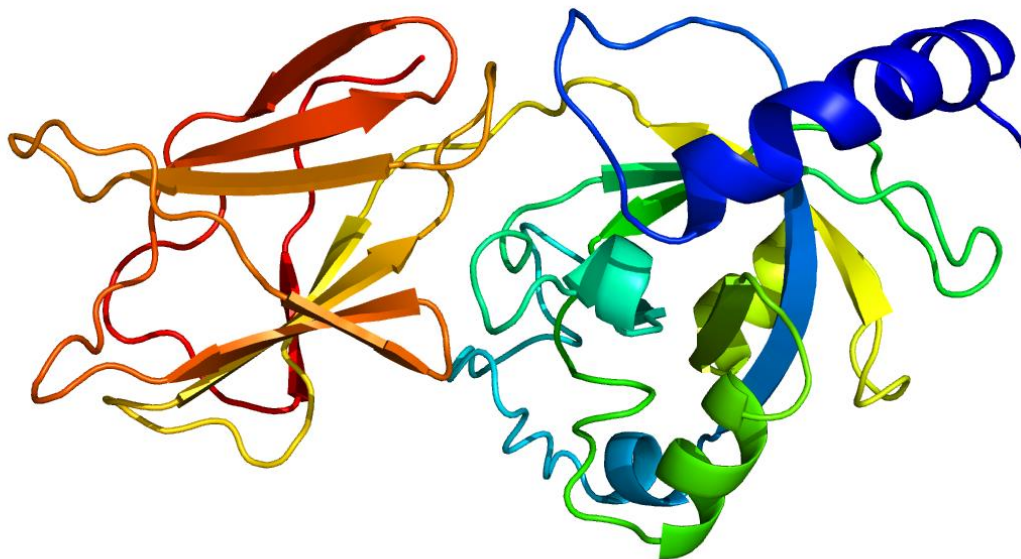
Locus: AH013480

Gene Model: AH013480-RA

Description: AhyEXPA-06

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

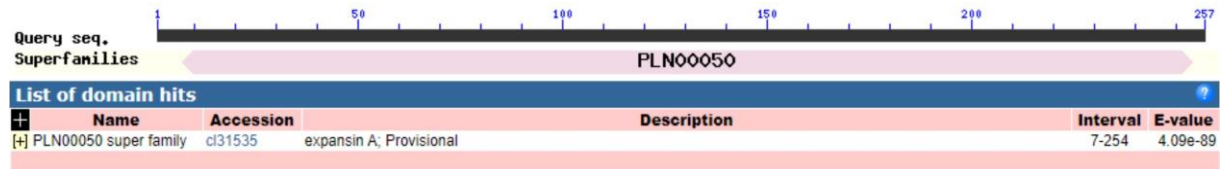
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-06

MDKIAALSCIYFLLTILSLSIFVVSQASSNGWITDAHATFYGDIKGGGETMYGACGYHN
LFEQGYGLETAAALSTALFNGLACGSCYEIQCINSPNCIPRAGTIKITATNFCPPNYTKT
VDIWCNPPQKHFDLSLKMFLKIGVQKAGVIPVQFRRISCIKGGGIKFLQGNPGWMLV
LVFNVGGAGDVVNMKIKGSKSNNWIQMSRNWQNWQVTYGMVGGQLSFQVTTSD
GKMIQVDNVVPSNWQFSQTFEAKQNF*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-06

ATGGATAAAATTGCAGCATTATCGTGTATTTATTTTTTTACTTACAATATTATCATT
ATCAATCTTTGTAGTTAGCCAAGCCTCTAGTAATGGATGGATCACTGATGCTCAT
GCTACATTTTATGGTGACATTAAAGGAGGAGAGACCATGTATGGGGCTTGTGGGT
ACCACAATCTATTTGAACAAGGTTATGGTCTTGAAACAGCAGCATTAAAGCACAGC
ATTATTTAACAATGGATTAGCATGTGGGTCATGTTATGAAATACAATGCATAAAC
TCCCCTAATTGCATACCTAGGGCTGGCACAATTAAGATCACAGCTACAAATTTTT
GCCCTCCTAATTACACAAAAACAGTTGACATTTGGTGTAAATCCCCCTCAAAAACA
CTTCGATTTATCGCTCAAATGTTCTTAAAAATCGGAGTACAAAAAGCCGGTGTA
ATACCAGTACAATTTCTAGATAATTTCTGTGATTAAGAAAGGTGGAATCAAGTTTT
TACTTCAGGGTAACCCGGGTTGGATGCTTGTACTCGTGTTC AACGTTGGAGGTGC
TGGTGACGTTGTTAACATGAAAATTAAGGGTTCGAAGTCGAATAATTGGATCCAA
ATGAGTCGTAATTGGGGACAAAATTGGCAAGTAACTTATGGTATGGTTGGACAAG
GCTTGTCAATTTCAAGTAACTACTAGTGATGGTAAAATGATTCAGGTTGATAATGTT
GTGCCTTCTAATTGGCAATTTAGCCAACATTTGAAGCCAAACAAAATTTCTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-06

ATGGATAAAATTGCAGCATTATCGTGTATTTATTTTTTTACTTACAATATTATCATT
ATCAATCTTTGTAGTTAGCCAAGCCTCTAGTAATGGATGGATCACTGATGCTCAT
GCTACATTTTATGGTGACATTAAAGGAGGAGAGACCATGTGTAAGTTATTTAGTC
TTCTTAATTTAGGTTTTTACACTAATATTATATAATTAATTTATAATTATAAATGTT

GTTGTGTTCTTAATTAATCGGGCTATATTTTATGGGTAATTCGATAGTGGTTGGTT
TTTAACGACCATAATCATCTAATCTTAACTGAAGGGTTTTTGGAGAGTGTGCGAGG
TGATCAGCTGCATAAGACCCTCTCTTTCTCCCGTATATGAAAAATTTTATCAAACG
GAGAAAGATGTTGATTTTATTAATAAAATAAATATCTTTACTATAAAAAGGCGCT
AAATAATTAAGTTTGGACATAGGAACGGCTCTGAATCTTGACTATTGATTATGA
CATTATGAAATTTGGGTTGTTTTTTTAAATATAAATAAATAACATACAAATACAATT
TTTTAAATTAACAAAGAATCTAAATATAATTTTTTTTTGCATTAAAAAATATTATAT
TTCTAAGCATATGGCCACCACCATTAATCTATAATTTAATATTAATAATTATATAAA
TATAAATATATATTTATATTTTATTATTTTGATTTCGTGGTTAAGGCCAAAGAATCC
CTACAAAAAATGCAAGGATTGCGAATAATTCTTTCTACAAATAGCGAATTAATAAT
CAAACCTTTGTCAAAGATAAAATAAAAAGCCTTTAATTATTGACCAACCCATGA
TTCTCTATATTTTATTTATTATTTATATTATAGTGATTTATTTATTATACATTTA
TTTTGATAAGTAAAATTTTTGATGATTAATTAATAAATTTTGTATTGGCAGATG
GGGCTTGTGGGTACCACAATCTATTTGAACAAGGTTATGGTCTTGAAACAGCAGC
ATTAAGCACAGCATTATTTAACAATGGATTAGCATGTGGGTCATGTTATGAAATA
CAATGCATAAACTCCCCTAATTGCATACCTAGGGCTGGCACAATTAAGATCACAG
CTACAAATTTTTGCCCTCCTAATTACACAAAAACAGTTGACATTTGGTGTAAATCCC
CCTCAAAAACACTTCGATTTATCGCTCAAAAATGTTTCCTAAAAATCGGAGTACAAA
AAGCCGGTGTAAATACCAGTACAATTTTCGTAGAATTTTCGTGTATTAAGAAAGGTGG
AATCAAGTTTTTACTTCAGGGTAACCCGGGTTGGATGCTTGTACTCGTGTTCAACG
TTGGAGGTGCTGGTGACGTTGTTAACATGAAAATTAAGGGTTCGAAGTCGAATAA
TTGGATCCAAATGAGTCGTAATTGGGGACAAAATTGGCAAGTAACTTATGGTATG
GTTGGACAAGGCTTGTCAATTTCAAGTAACTACTAGTGATGGTAAAATGATTCAGG
TTGATAATGTTGTGCCTTCTAATTGGCAATTTAGCCAAACATTTGAAGCCAAACA
AAATTTCTAA