

## IDENTIFICATION

**Species:** *Boechera stricta*

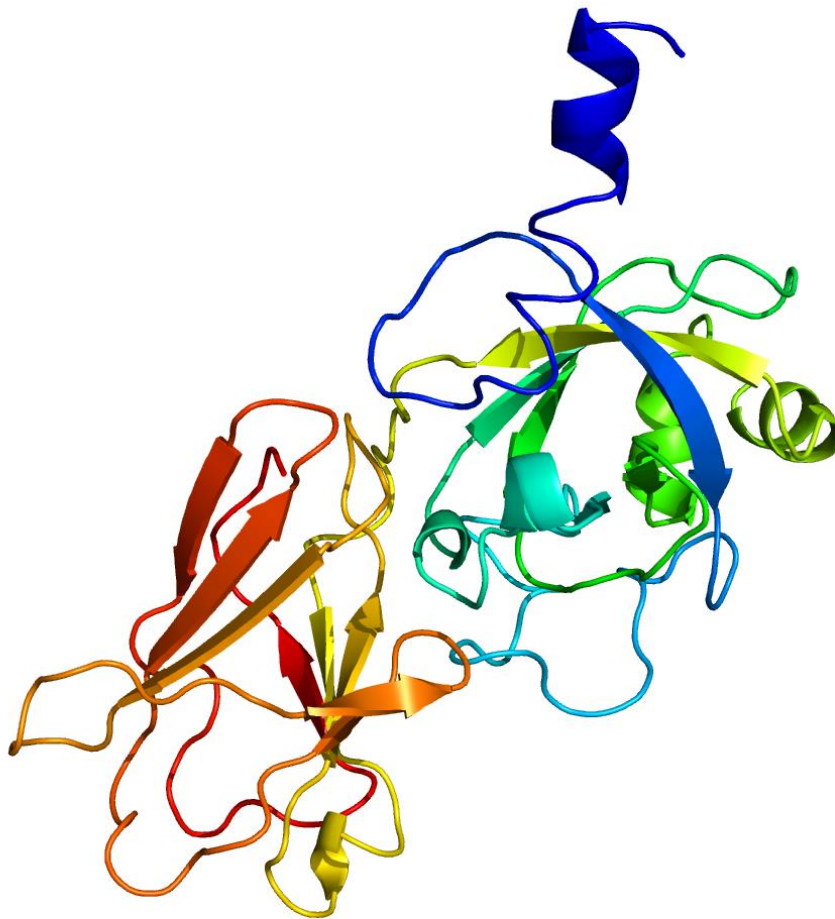
**Locus:** Bostr.30275s0157

**Gene Model:** Bostr.30275s0157.1.p

**Description:** BosEXLB-01

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

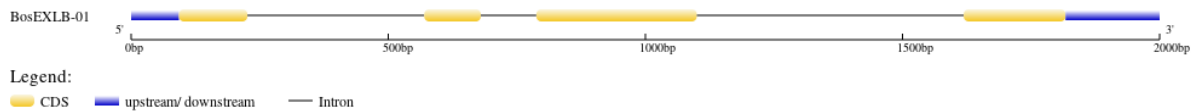
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Bstricta\\_v1\\_2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Bstricta_v1_2)

KEGG:-

## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. Superfamilies

PLN03023

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN03023 super family	d33621	Expansin-like B1; Provisional	19-250	5.34e-159

## SEQUENCES

### Peptide

>BosEXLB-01

MKQSHVLLLLLVQIIVLLPLHCLSDDFVSSRATYYGSPDCKANPRGHCGYGEFGRNIN  
NGEVSGVSWRLWNNGTGCGACYQVRCCKIPPHCSEEGVYVVAATDSGEGPGTDFILST  
KAYGRMARPGTENQLYSFGVVDVEYQRIPCRYAGYNLVYKVHEKSYNPHYLAILVL  
YVGGVNDILAEVWQDDCKEWRMRRVFGAVHDLQNPPRGTLTLRFLVYGSAGIN  
WVQSPNAIPADWTAGATYDSNILLT\*

### CDS (coding sequence)

>BosEXLB-01

ATGAAGCAATCTCACGTTTTGCTTCTTCTGCTTGTTCAAATCATTGTCCTTTTGCCT  
CTCCATTGTCTATCCGACGACTTTGTTAGCTCTAGAGCTACTTATTATGGCAGTCC  
GGATTGCAAAGCAAATCCTCGAGGACATTGTGGGTATGGAGAATTTGGAAGAAA  
TATCAATAATGGTGAAGTGAGTGGTGTTCATGGCGGCTATGGAACAATGGAACC  
GGCTGTGGTGCTTGTATCAGGTGAGGTGAAAATACCTCCACACTGCAGCGAGG  
AAGGCGTATACGTAGTGGCTACGGACTCCGGAGAAGGGCCTGGTACGGACTTCA  
TCTTAAGCACTAAGGCGTACGGACGTATGGCGGACCCGGCACAGAGAATCAGC  
TCTACTCCTTCGGTGTGGTTCGACGTTGAGTACCAGAGGATACCTTGCCGGTACGC  
AGGGTATAATCTGGTGTATAAGGTCCATGAGAAAAGCTATAATCCTCATTATCTT  
GCCATCCTTGTCTTGTACGTTGGTGGTGTCAATGACATCCTCGCCATTGAAGTCTG  
GCAGGACGATTGCAAAGAGTGGCGACGTATGAGAAGAGTGTTTGGTGCGGTTCA  
CGATTTGCAGAATCCACCAAGAGGCACTCTCACATTGAGGTTTTTGTCTACGGA  
AGCGCCGGAATCAATTGGGTCCAATCGCAAACGCTATTCCCGCCGATTGGACCG  
CCGGAGCCACCTACGACTCCAACATTCTACTTACTTAA

### Nucleotide

>BosEXLB-01

TTTGCTATACCAATTCTATTATTTGTCCTATCGCTTGTAAAGAAAAGGGTTACAA  
CTAATAGTCTTACAATATTTATAGATAAGATAACAATATGAAGCAATCTCACGTT  
TTGCTTCTTCTGCTTGTTCAAATCATTGTCCTTTTGCCTCTCCATTGTCTATCCGAC  
GACTTTGTTAGCTCTAGAGCTACTTATTATGGCAGTCCGGATTGCAAAGCAAATC  
CTCGTATGTATTTGAATTAATATTGCTATAAATTGCGTACCTTAACTTTTTTTCATT  
TTTTTAGTATTCGTACTCATTATTAATTGGTAAAAGATACATTAGTATAGTTATAT

CTTATTATTAACCTAAACTAATATGTAGGTTTATCCAAATTCTTAATATATAATTG  
CAACGATTCCATTAAGTTTCTGTATCTTCAGTTCGAGTATGACATTACGTAATTAA  
TAATGAAACTTTTTAAGAATCCGTTAGTATTGGATAAAAATGCCTAGTACCTTCTTT  
TATGAAAAATATGTTATTTGTTGACGAGAATAAGAATAATTAATTAATTATTGA  
CTATTATGCAGGAGGACATTGTGGGTATGGAGAATTTGGAAGAAATATCAATAAT  
GGTGAAGTGAGTGGTGTTCATGGCGGCTATGGAACAATGGAACCGGCTGTGGTG  
CTTGTTATCAGGTTTATATATTTCAACCTCATTGATTATATAATATTTTCATCAGAA  
CATAATGCTAAATACTATGTCATTACTAACTTAATATTATTAATTATTAECTATA  
AAAAAAGGTGAGGTGCAAAATACCTCCACACTGCAGCGAGGAAGGCGTATACGT  
AGTGGCTACGGACTCCGGAGAAGGGCCTGGTACGGACTTCATCTTAAGCACTAAG  
GCGTACGGACGTATGGCGCGACCCGGCACAGAGAATCAGCTCTACTCCTTCGGTG  
TGGTCGACGTTGAGTACCAGAGGATACCTTGCCGGTACGCAGGGTATAATCTGGT  
GTATAAGGTCCATGAGAAAAGCTATAATCCTCATTATCTTGCCATCCTTGTCTTGT  
ACGTTGGTGGTGTCAATGACATCCTCGCCATTGAAGTCTGGCAGGTAAATTTAAT  
CAAAGATTTTTACAAACAAAAAATTTGGTTTTTGAGGATCAAAGAGATTATTGA  
TAGGACATATTTTCATTAAGTAACTAAAAATTTATGATTAGTCTAAAACCAAGAA  
GAAGAAAAACATATTTTTAAATCAGAATTTCAAGACCTATAGAATCTCTGGCA  
TATTAAGAAAAACCTAAAATTGGATAATTCATTTGGTTAATTCATGGTAAGTACT  
TCATTTTAGAATAAGCAATTTAAGTAAGTATCCATGCAAATTAATCCGGCCGGCC  
ATTGCCAATTTGCGAATGATAATATAAACCATTAACTATTGATGTAATTAATTATT  
ATGGATAAATATTTTTGTATCATAATATATGTATAGTGTTAAATAACGATCACTAG  
CTAAGACAATATATTTCTTAAGATTTAAAATATTGTTGTAAGAAAAAGGGTTTGC  
TTGTTGATTTTATGAAACAAAGTTAAAACATTAATATATGGTATGCATGTGTATGC  
ATGATTTTAGGACGATTGCAAAGAGTGGCGACGTATGAGAAGAGTGTTTGGTGCG  
GTTACAGATTTGCAGAATCCACCAAGAGGCACTCTCACATTGAGGTTTTTAGTCT  
ACGGAAGCGCCGGAATCAATTGGGTCCAATCGCCAAACGCTATTCCC GCCGATTG  
GACCGCCGGAGCCACCTACGACTCCAACATTCTACTTACTTAAATCCCATTTC  
ATTTACAGCAGTGTGTTTATATATATCTGTATGGTTTCTATATGTAATGGCTAATAT  
ATTTAAATAATGCCCTCTAGAACAATGATAATAAATAATCGTAGTAGATTCTTAT  
ATTTATGTATCGTATCTCGGTAAAGAAGATTGTAATGATATGTACAAGTTCGATTT  
TAAT