

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

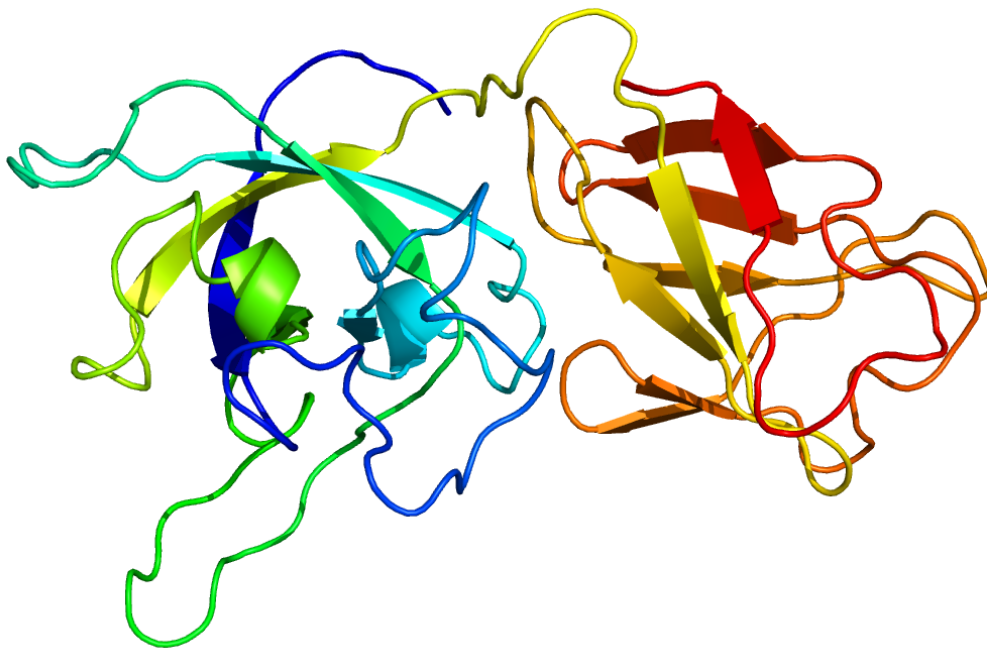
Locus: Phvul.002G083600

Gene Model: Phvul.002G083600.1.p

Description: PvEXPA-05

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

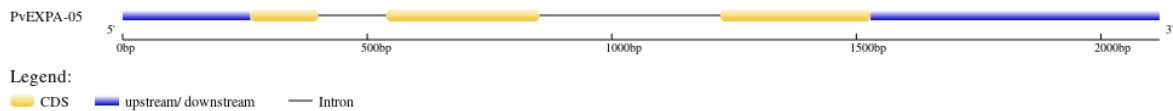
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

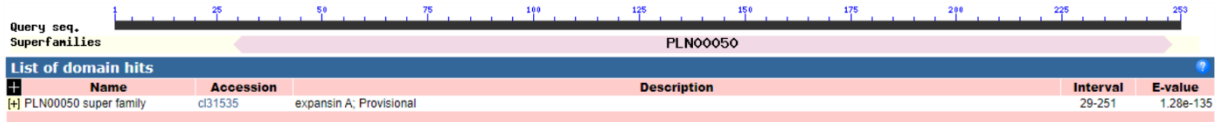
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPA-05

MAQFFLLISVGLLLTMFSSAYGYGYGGGWVNAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIRCVDHRWCLSGSILVTATNFCPPNNALP
NNAGGWCNPLHHFDLSQPVFLRIAQYKAGIVPVS YRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFN
LVLITNVGGAGDVHAVA IKGSRGTGWMPMSRNWQNWQSNNYLNGQGLSFKVTTSD
GHTVVSYNAPAGWSFGQTYTGAQFR*

CDS (coding sequence)

>PvEXPA-05

ATGGCTCAATTTTTTTTGGCTGATCTCGGTGGGGCTCCTTCTCACAATGTTCTCCTCT
GCCTACGGCTATGGCTATGGTGGAGGCTGGGTTAATGCACACGCTACCTTCTATG
GAGGGAGTGATGCATCTGGAACAATGGGCGGGGCTTGTGGTTATGGGAATCTCTA
CAGCCAGGGGTATGGAACAAATACTGCTGCTTTAAGCACTGCTCTGTTCAACAAT
GGTCTGAGCTGTGGTTCATGCTATGAGATAAGGTGTGTGAGTGACCACAGGTGGT
GCCTTTCTGGCTCTATTTTGGTCACAGCAACCAATTTCTGTCTCCTCCAAACAATGCC
TTACCCAACAATGCAGGAGGGTGGTGCAACCCTCCTCTGCACCATTTGACCTCT
CTCAACCTGTCTTCTGCGCATTGCACAATACAAAGCTGGAATTGTGCTGTGTCC
TACAGAAGGGTGCCCTGCAGAAGAAGGGGGGGCATAAGGTTTACAATCAATGGT
CACTCCTACTTCAACCTGGTCCTCATAACAAACGTAGGAGGTGCTGGGGATGTGC
ATGCTGTGGCCATCAAAGGGTCCAGAACTGGATGGATGCCAATGTCCAGGAACT
GGGGTCAGAACTGGCAGAGCAACAATATCTCAATGGCCAAGGCCTCTCCTTTAA
GGTCACAACCAGTGATGGCCACACAGTGGTGTCTACAATGCTGCCCCAGCTGGG
TGGTCCTTTGGCCAAACATACTGGTGTCTCAATTCCGCTAG

Nucleotide

>PvEXPA-05

CAACACTTTTAAAAGCGTTAGTTAAAGCTATGGCTGACCCTATTGCTTATGCCTAT
AAATTGAGTGCCACACCCTTCACTTTTCTTCACTCATCCACATTCCAATTCAAG
CTTCTCTTTCAAAGTAATTGCAAATTTGCATTGCATCATGTCAAGTATTTGGTGCA
CATTCTGGCTAAATGTTGCATGCAATTTCAAGAGAAGCATTACTAGAAGGAGATG
AAATGACTAATTGTTTTGTTTTGGATTTGTTTCAGGAAAATGGCTCAATTTTTTTT
CTGATCTCGGTGGGGCTCCTTCTCACAATGTTCTCCTCTGCCTACGGCTATGGCTA

TGGTGGAGGCTGGGTAAATGCACACGCTACCTTCTATGGAGGGAGTGATGCATCT
GGAACAATGGGTATGTAGAAAGTTAAAGCATTATGAAAAAGATCCATTTTTTTTT
GTGGGGGATGGGTGGAATTTGAAATTTGTTAACTATTTAAGGCCTAATGAAGTAA
CTCTTTTACTGATCTGTTTGGTAATGAAATTGGTGTAGGCGGGGCTTGTGGTTAT
GGGAATCTCTACAGCCAGGGGTATGGAACAAATACTGCTGCTTTAAGCACTGCTC
TGTTCAACAATGGTCTGAGCTGTGGTTCATGCTATGAGATAAGGTGTGTGAGTGA
CCACAGGTGGTGCCTTTCTGGCTCTATTTTGGTCACAGCAACCAATTTCTGTCCCTC
CAAACAATGCCTTACCCAACAATGCAGGAGGGTGGTGAACCCTCCTCTGCACCA
TTTTGACCTCTCTCAACCTGTCTTCCTGCGCATTGCACAATACAAAGCTGGAATTG
TGCCTGTGTCCCTACAGAAGGTAATAGCAATTGTCTCCATTTTTTTGTTCTTTGTAGT
TTTAGCAACTCAACCTACTTTGCCCTCCTGTCACCTTCAACTTTTCAAAAAGGAGT
TTTTCTTCAACTTTTTTTTAACTCAAGTCTTGGAAAGTGTCCCTGCTTTCTCTTTCC
AAGTGGTAAATGACCAAACCACTTTCTTCTTAAAGTTGGCAACTTTACAGTGAAA
TACTGTTTTCCACCTAATGGGTAAATGTTTAAATTTTTAAGAAATCTGATTTCTGT
GACTATATAGAAATAACACAAATTATGCTATTGGGTACGGTTTAGTTTATTCCAC
AGAGGCAACAAGAGTAGCATGGTTAATTTTTCTTTGTGTGGATTTTGTGTAGGGT
GCCCTGCAGAAGAAGGGGGGGCATAAGGTTCACAATCAATGGTCACTCCTACTTC
AACCTGGTCCTCATAACAAACGTAGGAGGTGCTGGGGATGTGCATGCTGTGGCCA
TCAAAGGGTCCAGAACTGGATGGATGCCAATGTCCAGGAAGTGGGGTCCAGAAGT
GGCAGAGCAACAACCTATCTCAATGGCCAAGGCCTCTCCTTTAAGGTCACAACCAG
TGATGGCCACACAGTGGTGTCCCTACAATGCTGCCCCAGCTGGGTGGTCCCTTTGGC
CAAACATACTGGTGTCAATTCCGCTAGGAACCATAATCATTACAAAGACCAA
GTTCCAAATATTTAGATACACCACTATATATAAGAGTATATGTTTCTATAATTTCT
CAGTTTAAAGTGTTAGTATAACTCAATAGTATACTAGGGTATTACATAGTATGCTA
CTTGGTGGAGGGGTGGGTGGGACAATTGGCATTCTTGGGATCATAAAAATGGTTAA
GGCTTATTTTAAAGCTGGCTCTTAATCATAAGGGGTTCCCATCTTAGGGTCTTTT
TACTATTGGGGTATTTTTTTTTTTTTCATTTTTGAAAGCCTTTTCAACCTTTCTGCA
GCTGAAAGCTAGCAGAGATGGAGTTTTTTATATATATTTTATGTAACCTACTAAAT
TGGAGGAGGTGGACTATGTTGTACCACCCGCCATTAGTATTTTTTACACCATTGTG
ATTTTCAGAAACATTGTTGCTTACTCATAATGTTGTAAGCACCTTGGTTTCAAGT
ATATGTATTTGTTGTATCCAACCTTTCATAGTGTTTTAGTATGTCTTTGGTCTTTGGT
TGTATTGAACTTTCAAAGTGTAATTTCACTATTTCTACATGTATGGAAGGTTGCT
GTAATT