

## IDENTIFICATION

**Species:** *Amaranthus hypochondriacus*

**Locus:** AH018713

**Gene Model:** AH018713-RA

**Description:** AhyEXPA-15

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



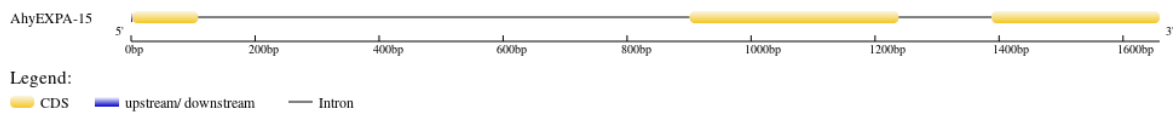
## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1)

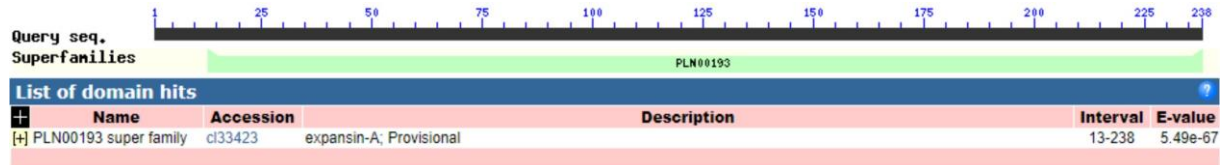
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AhyEXPA-15

MVLLSDGYGTCNFKPTQWSLAHATFYGDETASATIGGACGYGDLFKNGYGKETA  
AISPVLFMNGKGC GG CYQLMCVDSKWCITTKGGAYGGYGGGSTSIVVTATNLSPPSWL  
KPSKGYTSGVHFDLSVPAFKKIAISQGGIPIKYRRVPCLRKGGITFTLQGNWLLAF  
PMNVGGAGDIAQMWVKGCRTGWISMAQNWGTAYQAFQALGGQSLSFKLQSYSTR  
EIIIAYNVIPPYW\*

### CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-15

ATGGTATTATTGTCGGATGGATACGGTACTTGTAACCTCAAGCCTACTCAATGGA  
GCCTCGCTCATGCCACTTTCTATGGTGATGAACTGCATCTGCTACGATAGGAGG  
AGCATGTGGATATGGTGATTTATTCAAAAATGGGTATGGTAAAGAAACAGCAGC  
ATAAAGCCCGGTGTTATTCATGAATGGAAAGGGGTGTGGAGGTTGTTATCAACTT  
ATGTGTGTTGATTCTAAATGGTGCATTACTACTAAGGGTGGTGCTTATGGCGGCT  
ATGGTGGAGGATCAACCTCCGTCATAGTCACCGCCACAAACCTATCACCACCAAG  
TTGGCTAAAACCTAGCAAGGGCTACACATCAGGAGTACACTTTGATTTGTCTGTG  
CCCGCATTCAAAAAAATTGCAATTCACAAGGTGGCATTATCCCATCAAGTATC  
GTAGGGTTCCATGTTTAAGGAAGGGAGGCATAACCTTTACTTTACAAGGGAACAA  
TTATTGGCTACTAGCATTTCCTATGAACGTTGGAGGAGCAGGAGACATAGCCCAA  
ATGTGGGTAAAGGTTGCCGAACAGGTTGGATAAGCATGGCCCAAATTGGGGA  
ACTGCCTACCAAGCCTTTGCTCAATTAGGAGGCCAATCTCTCTCTTCAAACCTCA  
ATCTTATTCTACTAGAGAAATTATTATTGCCTACAATGTCATCCCACCATATTGG

### Nucleotide

>AhyEXPA-15

GAATGGTATTATTGTCGGATGGATACGGTACTTGTAACCTCAAGCCTACTCAATG  
GAGCCTCGCTCATGCCACTTTCTATGGTGATGAACTGCATCTGCTACGATAGGT  
AAACAACCTTTTGTATAATTTTAAATTTTTTTTTTGTCTTAATTGTTTGTTCAT  
TTGATTTTCACAAATATTAAGAAAAAATTACAATTTTTTAAGGCCTTGTTTGAATGG  
AGGGAAAAGAAAAGAAAGGATTTGAAGGGGATGAATAATCTCTTGTGGATAG

CAAAAAGGGAGGGGGAGGATTTGAAGGGAAGGGATTTGGAGGGATTAAGTCCCT  
TAATTTTATTAACATCTAAATCTCTCCATAAGAGGAAAGATTTGGAAGAAAAATG  
AAATTTCTTTCTTTCCCCTTCCCTTCCTTCTATACAAACAATGGAGTATTTTCCTC  
TCTTTCCCCTCCCCTTTCCCTTTCTCTTCCCTTCCCTTCCCTTTCCCTTTCTTTTCTCT  
CCTAATTTGCTATCCAAACATAGTGTAAGGTTTATTAAGTAATAATAATTGTGTT  
TAGAATATGTAAAAAAATTTAATAAAAAATGATTATAGCAAGAAAATTTTCATAT  
AATAGGTGATTGTATCATCAATATTTTGTAAAGGATAAAATTAGGAAAAAAATTT  
GTCATTTTATCGACCGAAATTTTTTTTATGGTCTAAAACACAAAAAAATGGGAGA  
AACTAGAACCCAATTTATTCACTAAAGCAAACATAATAACTTTAACAATAAGAAA  
AAAAAAACAAAATTTGCGTCGTTTGTTTTTTCCTTTTTTGAGGAAAATAAATATTT  
GGGACTAATTATTACTCCTTTGGTCCCTCCAATTAATAAAAATTGATGATCTGTA  
AAATTGATAGGAGGAGCATGTGGATATGGTGATTTATTCAAAAATGGGTATGGTA  
AAGAAACAGCAGCAATAAGCCCGGTGTTATTCATGAATGGAAAGGGGTGTGGAG  
GTTGTTATCAACTTATGTGTGTTGATTCTAAATGGTGCATTACTACTAAGGGTGGT  
GCTTATGGCGGCTATGGTGGAGGATCAACCTCCGTCATAGTCACCGCCACAAACC  
TATCACCACCAAGTTGGCTAAAACCTAGCAAGGGCTACACATCAGGAGTACACTT  
TGATTTGTCTGTGCCCGCATTCAAAAAAATTGCAATTTACAAGGTGGCATTATTC  
CCATCAAGTATCGTAGGTAATTTATTAACATCAGCTCTAATAAATGTGTTAATT  
ATTGTGGTTCCTTTTGAAATCGCACATCATATACATTTATTTTTTACGTTTTAACAT  
AGCTCTTAATCAAATGCTACTTAACTTTTTTATTTATTTGTATTGGTTAATAGGGT  
CCATGTTTAAGGAAGGGAGGCATAACCTTTACTTTACAAGGGAACAATTATTGGC  
TACTAGCATTTCCCTATGAACGTTGGAGGAGCAGGAGACATAGCCCAAATGTGGGT  
TAAAGGTTGCCGAACAGGTTGGATAAGCATGGCCCAAATTTGGGGAACCTGCCTA  
CCAAGCCTTTGCTCAATTAGGAGGCCAATCTCTCTCTTTCAAACCTCAATCTTATT  
CTACTAGAGAAATTATTATGCCTACAATGTCATCCCACCATATTGG