

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

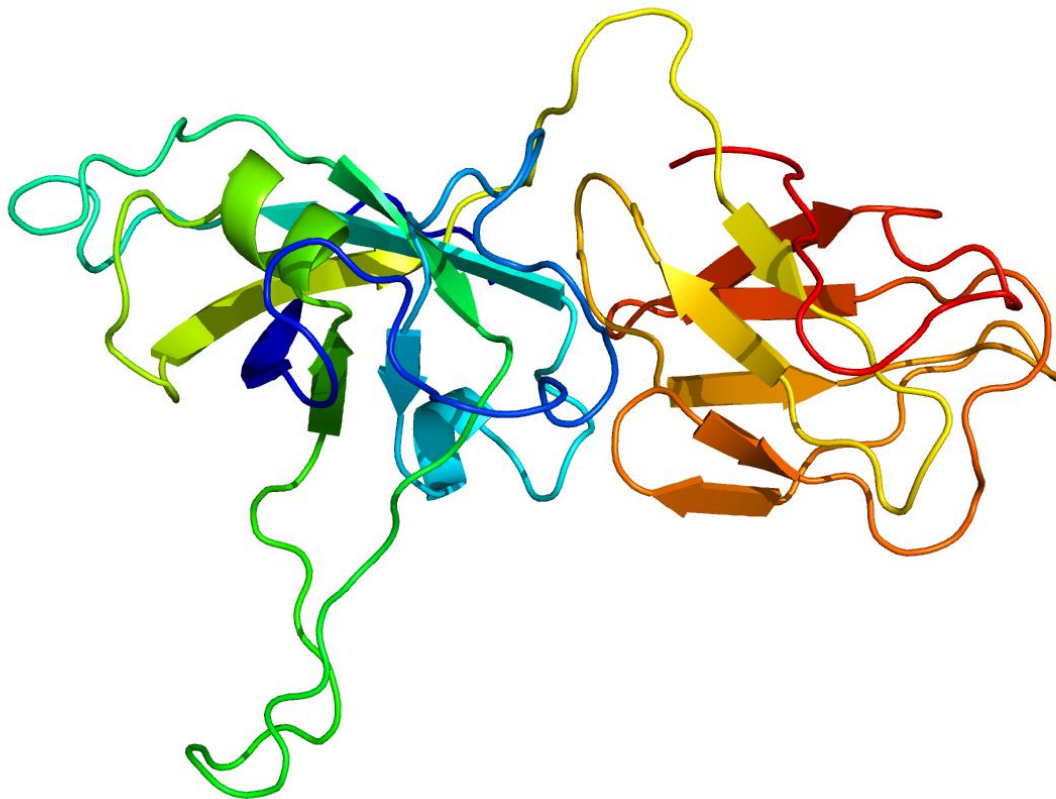
Locus: XP_016169989

Gene Model: XP_016169989.1

Description: AipEXPA-23

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

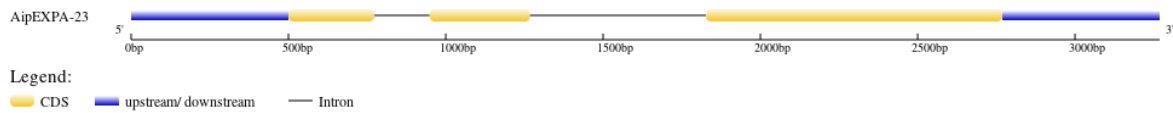
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

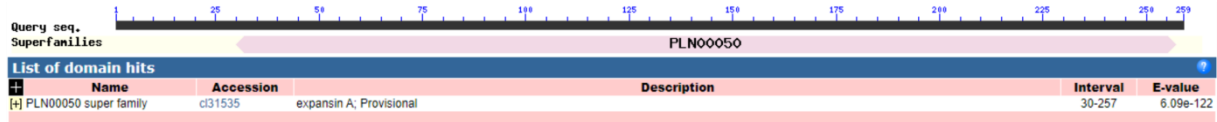
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-23

MASNVVNIIGSLIISLMWMVEARIPGVYSGGAWQTAHATFYGGSDASGTMGGACGY
GNLYSQGYGVNTAALSTALFNSGLSCGACFEIKCANDRQWCHSGSPSIFITATNFCPP
NYALPSDNNGWCNPPRPHFDLAMPMFLKIAEYRAGIVPVA YRRVPCRKHGGIRFTIN
GFRYFNLVLISNVAGAGDIVRTYVKGSRTGWPMSRNWQNWQSNVVLVGQALSF
RVTASDRRTSTSWNIAPSNWQFGQTFGKNFRV

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-23

CAAACCCCAATCCGTTACCATAAGTATTTACACACTGCTCCACATTTTTCTC
CATCCACCTCTCGGTATCAAACATAATAAAGTTAATAACATTGTAAACAAGAA
AAATAGGGGGTATGGCCAGCAATGTGGTCAACATTATTGGATCTCTCATCATCTC
TCTAATGTGGATGGTGGAGGCTAGAATCCCAGGAGTGTACTCCGGTGGTGCTTGG
CAAAGTGTACGCCACATTCTACGGAGGATCTGACGCTTCGGGAACCATGGGGG
GAGCATGTGGGTACGGAAACCTGTATAGCCAAGGATATGGAGTGAACACGGCGG
CGCTGAGCACGGCGCTCTTCAATAGCGGTCTAAGCTGCGGTGCCTGCTTTGAGAT
CAAGTGTGCCAACGACAGGCAGTGGTGCCACTCCGGCAGCCCTTCCATATTCATA
ACCGCAACAACTTCTGCCCCCAAACTACGCACTCCCAAGTGACAATGGCGGTT
GGTGCAACCCTCCCAGACCTCACTTCGATCTTGCCATGCCAATGTTCCCTCAAGATC
GCTGAGTACCGTGCCGGCATCGTCCCCGTTGCCTATCGCCGGGTGCCATGTAGAA
AGCACGGTGGGATCAGGTTCAATTAACGGATTCCGTTACTTCAATTTGGTATT
GATCAGCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATAGTGAGGACGTACGTGAAGGGTTC
AAGAACCGGGTGGATGCCAATGAGCAGGAACTGGGGCCAGAACTGGCAGTCAA
CGCGGTCTTAGTGGGTCAAGCCTTGTCTTCCGTGTCACCGCCAGTGACCGTCCG
ACCTCCACCTCTTGGAACATTGCTCCCTCCAAGTGGCAGTTCGGTCAAACCTTTTAC
CGGAAAGAATTTCCGGGTTTAACTTATTAAGTCGCTAATCACTCACACCCAATC
ATAATTATATAGTGTTATATTTTTTTTACCCCATCATTATCACTATGATTATGATTA
TGCTCATGATTATATGAAATGGACAAGGCTATTATTTTTTTTGGCTTCCAACCAAT
TGTCTAATGTCAGTTTTTTTATTATTTTTTTTACCCCTTCTGGCGCCCATTTTG
ATAGCGATTAGAATGCTGGATTTTATTTTTGACTGAATGTTTTGGAGACTGTGAAA
GGGGGAGTGAGTGAGTGACAGCAGGTTGTGACTTGTGACTTTTGTGTCCTTTTTG
GGTGGGTGGGTTTGATATGATATTGCTATATAATTTAATTTGGGGTGCGTGCATG

AGTTTGTACTCTTTTATCAGTTTGTGTGTTAGATTTTAGAGTGAAGAGGAGGGAAC
GGAAGAGGAGTAAGGAATGCTGAAGCGGCTAAGCAAAGTAGTAGCCCGCGGCA
AAATTAGAAATGGGATGGTGTATGTTGTTATGTCATTATGTATCTAAGGGCATG
TGTTGTGGTTAACTTGTATACGCTCGAATCAGAAAAATGTATTTTGTGGTTTGTG
TTTCATTCTACTACATGCAATTATGTTGTTTTCTTTT

Nucleotide

>AipEXPA-23

CAATTTCTAGCTACTTCAACATTTTCGCATTCCAAGAGCCTACTTATAATAAACTAA
AGTTAGTGTGACAAATTACTCATTAGTGAATATTATAGTGTCTAAAGTCTCAAGTT
GAAGTTATATACGCTAATAATAGTACTTTGGTTTGGTTACGGTAACTATAACCTCG
TAATTTATATTAGTTCGATTCTGTGGGCTCTTATGTCCATGGACTTAATTGGATAT
TGAATTGAATTCGTCGAAACTGTACGTCCTTTTCACATTATCTGTTATTGTGGCC
ACGTATTCAGTTGATGGGAGAATGGTGTCCCTCACTATCTCAACGACAAAAATCA
AAATAATTAGAGAGAGAAATCAGAAATGTAATATATTTGTGGAGCCCACAATGA
AACGGAGTAGGGTGTGAAATGAAACACAATTGGAAAGTGTAATGTGAAAATTCC
AGATGGTGCCCCGTATCACTGTAGAGTGTGTTAAAGTGTGTAECTATAACTAAC
CCCAAACCCCAATCCGTTACCATAAGTATTTACACACTGCTCCACATTTTTC
TCCATCCACCTCTCGGTATCAAACATAATAATAAGTTAATAACATTGTAAACAAG
AAAAATAGGGGGTATGGCCAGCAATGTGGTCAACATTATTGGATCTCTCATCATC
TCTCTAATGTGGATGGTGGAGGCTAGAATCCCAGGAGTGTACTCCGGTGGTGCTT
GGCAAACCTGCTCACGCCACATTCTACGGAGGATCTGACGCTTCGGGAACCATGGG
TATGTAACTTTTTTTTTTTATTAAGATAGGAGACTCGAACCCGCAACCTTTTAAT
TGAGTAGTGGGAGATTATGCCGTTTGAGCTATTACTTATTGGCCATGGGTATGTA
ACATTATTCTCTACTTAATTTTGAGTTTGATAGTTTATAAGTGTATGTATGTGTGG
GTGTGTAGGGGGAGCATGTGGGTACGGAAACCTGTATAGCCAAGGATATGGAGT
GAACACGGCGGCGCTGAGCACGGCGCTCTTCAATAGCGGTCTAAGCTGCGGTGCC
TGCTTTGAGATCAAGTGTGCCAACGACAGGCAGTGGTGCCACTCCGGCAGCCCTT
CCATATTCATAACCGCAACAACTTCTGCCCCCAAACTACGCACTCCCAAGTGA
CAATGGCGGTTGGTGCAACCCTCCCAGACCTCACTTCGATCTTGCCATGCCAATG
TTCCTCAAGATCGCTGAGTACCGTGCCGGCATCGTCCCCGTTGCCTATCGCCGGTA
CCATTACTTCTATATTTCTTTAAAACCTGAAACCTCATGTGCAAATAACTTCTGGTA
AAGTTAATAATTTAGACTCAGTTAAATGATTTGATAGCTTTGACTAACGATTTTCA
ACTATTAACCTCACGTTAAGCTTAGCTTCCACATTTTTTAAAACCTATGCAGTGAAA
GATAAAGGCTATTTGCTACTGCATTTTCCTTTCCAACATTAACATTTTACTAATTA
AAATGAGCGAAAATAAAAATAACACTAGTCATAGGTAGGTCTTAATAAAAAGTAGA
TAAAAGTAAAGCATAGGCACGAGACCGGGTGTTCATGAAAAAAGGAGGAATCT
CGGCACTGTGTGTGTAAGGTCTTTTTGACTTTTAGTAGCAGATTTGGTGGGGGTGA
AGTGGACCCTATTTATTGCTTTTTTTTTTATTTATTTTCTGTAGGTGAAAACCTTATA
TAATTTGATAAATTTGAAGTTAATCACAACCTATCAATTTTACGTCAAAACAAATG
CACATGATTTTTTCCCAACGTGATTAGTAATAGTGATGAATTGGTAATTGCGCA
GGGTGCCATGTAGAAAGCACGGTGGGATCAGGTTACAATTAACGGATTCCGTTA
CTTCAATTTGGTATTGATCAGCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATAGTGAGGACG
TACGTGAAGGGTTCAAGAACCGGGTGGATGCCAATGAGCAGGAACTGGGGCCAG
AACTGGCAGTCAAACGCGGTCTTAGTGGGTCAAGCCTTGTCTTCCGTGTCACCG
CCAGTGACCGTCGCACCTCCACCTCTTGGAACATTGCTCCCTCCAACCTGGCAGTTC

GGTCAAACCTTTTACCGGAAAGAATTTCCGGGTTTAAACCTTATTAAGTCGCTAATC
ACTCACACCCAATCATAATTATATAGTGTTATATTTTTTTTACCCCATCATTATCA
CTATGATTATGATTATGCTCATGATTATATGAAATGGACAAGGCTATTATTTTTTT
TGGCTTCCAACCAATTGTCTAATGTCAGTTTTTTTATTATATTTTTTTTTTACCCCCCTT
CTGGCGCCCATTTTTGATAGCGATTAGAATGCTGGATTTTTATTTTTTGACTGAATGTT
TTGGAGACTGTGAAAGGGGGAGTGAGTGAGTGACAGCAGGTTGTGACTTGTTGA
CTTTTGTGTCCTTTTTGGGTGGGTGGGTTTGATATGATATTGCTATATAATTTAAT
TTGGGGTGCGTGCATGAGTTTGTACTCTTTTATCAGTTTGTGTGTTAGATTTTAGA
GTGAAGAGGAGGGAACCGGAAGAGGAGTAAGGAATGCTGAAGCGGCTAAGCAAA
GTAGTAGCCCGCGGCAAAATTAGAAATGGGATGGTGTTATGTTGTTATGTCATTA
TGTATCTAAGGGCATGTGTTGTGGTTAACTTGTATACGCTCGAATCAGAAAAATG
TATTTTGTGGTTTGTGTTTCATTCATTCTACTACATGCAATTATGTTGTTTTCTTTT
GGTAGGGATGTGTAATGATTTAAATTGCAGTTAGTGCAAACTACTACCCACAA
ATGATAGATGATCTTTGAAGTAATGTTTATTTTGATATATGACATAAACTTAGTCA
TTAACTTTTTAAAATAACTAAATATTTGTTAGTGTAGTGCTAATATAAGTCCTTAA
AGTTATTTGATCAATATAATACCTGACAATAATTCATAAGACTACACCAATGACT
GTAAAAGAGAAGTTTATAGAGATCTGAAGCGGCGAGGTTTCGAATCCCATCCAGTT
ATTTGAGCCAATGAGAAAGCAAAATTTTATAAATGCATATGGTGTTGGCAAATAA
GATTTGGACCTAGTCATGTAATATCCAAAGCTGACTGAACAATCTGCTGTTTTCC
ACGTTACATGCAATTCGTTGGGACTGAATGTTTTGTGGTCAAACCTCAAATGTGTG
ACCCACTATTCTTGACAAATACACTTATTCGCCTGTACAAATGACCCATGAATGA
AG