

## IDENTIFICATION

**Species:** *Nicotiana sylvestris*

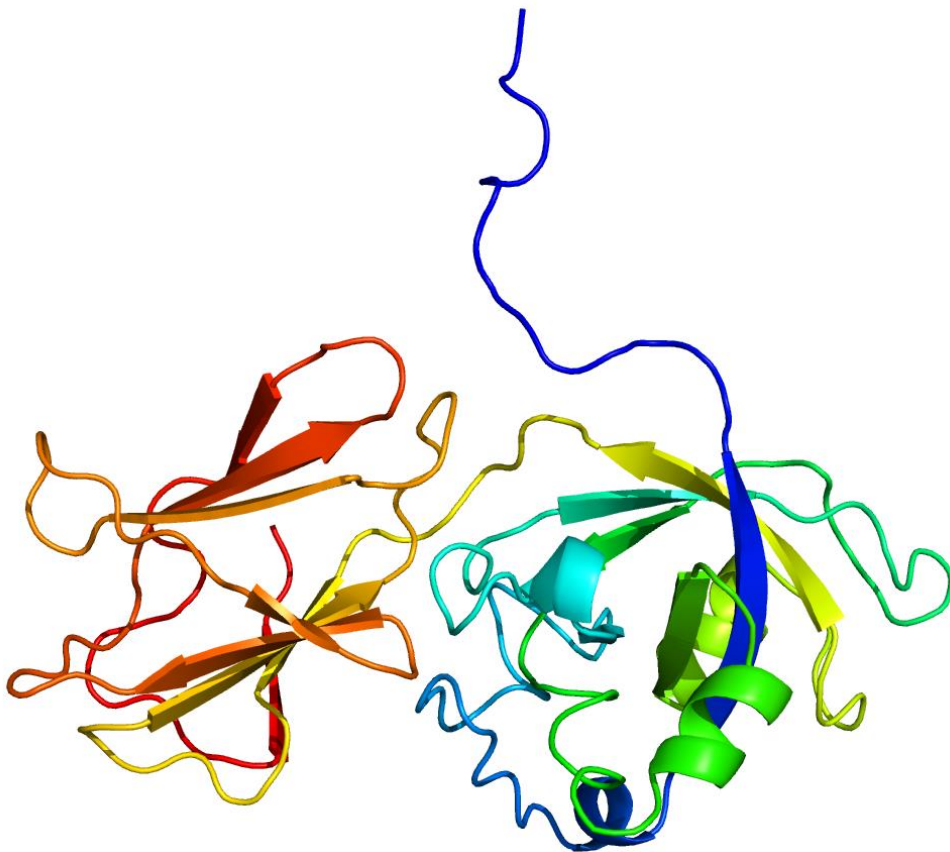
**Locus:** XP\_009800065

**Gene Model:** XP\_009800065.1

**Description:** NsEXPA-24

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

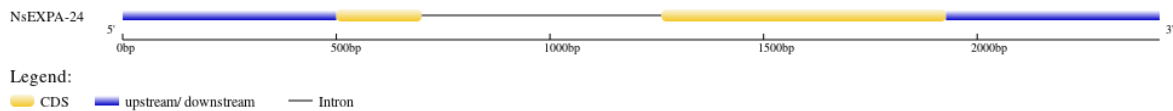
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

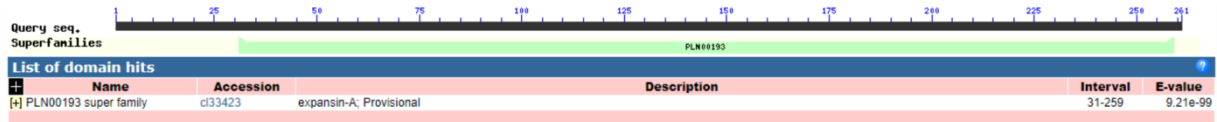
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>NsEXPA-24

MAKQQSFLCLVITIFVCFIVVAFETKQVEGALNGDGWRNARATFYGDETGGETMQG  
ACGYGNLFHQGYGLETAALSTALFHNGATCGACFEIMCVNAPQWCNAGVKITITAT  
NFCPPNYTKTVDVWCNPPQEHFDLSEPMFLKIAKYKAGVVPVYRRVKCQKGGGIK  
FEIKGNPYWILVLVYNVGGVGDVANVKIKGSKTGWITMSRKWQNWQTSACLIGQS  
LSFQVQTSQGQWVQSDNVVPANWQFGQNFATNNFNS

### CDS (coding sequence)

>NsEXPA-24

GCTAAACTAATTTAGAGAAAGATTGTTAAGCCTAAAATGGCAAACAGCAAAG  
TTTTTATGCTTGGTCATCACCATTTTGTGTTGTTTATAGTTGTAGCATTGAAAC  
TAAACAGGTAGAAGGAGCTTTGAATGGCGATGGATGGAGAAATGCTCGTGCTAC  
ATTTTATGGAGACGAAACCGGTGGCGAAACCATGCAGGGAGCTTGTGGCTATGG  
AAATTTGTTCCACCAAGGGTATGGCCTGGAAACAGCAGCACTAAGCACAGCACTT  
TTCACAATGGGGCAACCTGTGGAGCTTGCTTTGAAATAATGTGCGTAAATGCTC  
CTCAATGGTGCAATGCAGGGGTAAAAATTACAATAACAGCCACCAATTTCTGCCC  
TCAAATTACACAAAACCTGTAGATGTTTGGTGTAATCCTCCCAAGAACAATTT  
GATTTATCAGAGCCAATGTTTTTAAAAATAGCCAAATATAAAGCAGGGGTTGTCC  
CTGTAGTTTATAGGAGAGTCAAGTGCCAGAAAAAAGGAGGGATTAAGTTTGAGA  
TTAAAGGAATCCTTATTGGATTCTTGTTCTTGTTTACAATGTGGGAGGTGTTGGA  
GATGTGGCCAATGTCAAATTAAGGATCTAAACTGGTTGGATTACTATGTGCGA  
GAAAATGGGGCCAAAATTGGCAAACCTTCTGCACAATTGATAGGACAGAGCTTGT  
CTTTCCAAGTACAACTAGTGATGGCCAATGGGTTCAATCTGATAATGTTGTTCCCT  
GCTAACTGGCAATTTGGTCAGAATTTTGAGGGCGACGAATAATTTAACTCTTGAT  
ATATTGAGGAAATGATTAATCGTTTTTAATCAATAGAGTTTA

### Nucleotide

>NsEXPA-24

TTTTAATACAGTGGACAAGTAAAGCCAAATGGATGGAGTAATTAGTAGTAACCAC  
ATTACTATAAGTAATCTGATTACTGTAATGTATAATAAATTACATTAAGACCCAA  
TATTAGAAAAGAAAGAAAAGCTCTTCCTTACGTTTTAGTGCTAACCGATTTCTA  
TTTTTCTCATTAAAATATAAGACAAATGAAGTAACTTAACCCCATTTATTTTTAGC

AAAAC T GATGCAGATTGCCTATTTATATGCATGTAAAAGCAAATCATGACTAATT  
GGGAAGACCAGCTAAATTGCAGCAATCTACTATAATAGCAAATGACTAAATTATT  
GCATTAATTTACGAAATTAATCATTCCGTTATCTCTAAATTTACGACAACAATTGT  
AATCTCTATTGTGATTATCCTTTTTTTATGGCCTTAGTGTTGTTACCCCTCTAAGAT  
TTTGGCTATAAATTTACGCCAAAGTACTCCATTATCCAGGCAAATCAACCACAG  
AGCTAAAAC TAATTTAGAGAAAGATTGTTAAGCCTAAAATGGCAAACAGCAAA  
GTTTTTTATGCTTGGTCATCACCATTTTTGTTTGTATAGTTGTAGCATTGAAA  
CTAAACAGGTAGAAGGAGCTTTGAATGGCGATGGATGGAGAAATGCTCGTGCTA  
CATTTTATGGAGACGAAACCGGTGGCGAAACCATGCGTAAGTCATACTTGTTTTA  
TACTTATGTTACAATACTTAAACTAAAAATATTAGGTATAGTATGATTATAAAAG  
CCACATGATTTCCAACCATGAGATGAATGGCATGAACGTCAATTTACAATTAT  
AATTTTTTTCTTGAAATGAAATAAATTTCCATCTAAAAAGAAATAAAGAAAC  
ACGGGTGAACCTTGCTCGGTTGATGAAACATCTTTATTAATAATAGGCTAATGGT  
TCTGGTCATACACGAGTATTTAAGATTACTATCGACTCGTCTGACGATTTAAGTAA  
AAGAAAGAAAAGCGAAAGATGGTATTACATGAACATTTTCACTTATGCGTAAAA  
GATATTTGCAATTTTGTAGTATGGGAAGGGCAGGGGCAGAGTAGGCGGAATGAG  
GTTTAGCCGAACCCCTTCGCCGAAAATTATACTGTCTATGTAAGGTTAAATTTTT  
TTCATGAATATATATAAGGTATTGAATTCCTGTAACCTCTTTGCATAGTTTGGTTG  
GTTCACAATATACATACTATTAACGAACATTTGGATTCTATTACAGAGGGGAGCTT  
GTGGCTATGGAAATTTGTTCCACCAAGGGTATGGCCTGGAAACAGCAGCACTAAG  
CACAGCACTTTTTCACAATGGGGCAACCTGTGGAGCTTGCTTTGAAATAATGTGC  
GTAAATGCTCCTCAATGGTGCAATGCAGGGGTAAAATTAACAATAACAGCCACC  
AATTTCTGCCCTCCAAATTACACAAAACTGTAGATGTTTGGTGTAATCCTCCCCA  
AGAACACTTTGATTTATCAGAGCCAATGTTTTTAAAAATAGCCAAATATAAAGCA  
GGGGTTGTCCCTGTAGTTTATAGGAGAGTCAAGTGCCAGAAAAAAGGAGGGATT  
AAGTTTGAGATTAAGGGAATCCTTATTGGATTCTTGTTCTTGTTTACAATGTGGG  
AGGTGTTGGAGATGTGGCCAATGTCAAAATTAAGGATCTAAAACCTGGTTGGATT  
ACTATGTCGAGAAAATGGGGCCAAAATTGGCAAACCTTCTGCACAATTGATAGGA  
CAGAGCTTGCTTTCCAAGTACAAACTAGTGATGGCCAATGGGTTCAATCTGATA  
ATGTTGTTCCCTGCTAACTGGCAATTTGGTCAGAATTTTGAGGCGACGAATAATTTT  
AACTCTTGATATATTGAGGAAATGATTAATCGTTTTTAATCAATAGAGTTTATCGA  
TCTTTTCTTTAAATTTGTGAAATTTTTTCAAAGAGATTTTGACACTATAATTTATGG  
ATGAAGTGAAACTATTTATCTAGGTAAGGTACAAGCTACAAACTAAATTTGACAA  
CAATATTTTTCTAACACCTGCCTTGATGTTTTTAAGCAAATGAATATCCTCCTACT  
CTTTATTGATCTTTTCATTATTGACAGTCATAAAAAATTCATGAATATTATATCAA  
GTATTCTACTTTAATTAATTGCCAATTACTCATTTTGCCCATCGATAATCATTGAT  
ATACATGACTATGAATTTTTGCACTTTTTGTCCCTCAAATATCAACAAACTATTGT  
ATTTACATGCGCTTCGTGCAATCATGAGAAGATAAAAAATATATAATAACTAAAT  
TTTAGGATCATATTTTTTATAAAAGAGAATTTATCTTTACTAATCAAACATCATTT  
CATGATTTAAGCACTTTTAAGCTTCTTCTAACATCTTTTATTTAAAAA