

## IDENTIFICATION

**Species:** *Carica papaya*

**Locus:** evm.model.supercontig\_80.51

**Gene Model:** evm.model.supercontig\_80.51

**Description:** CpEXPA-11

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cpapaya\\_ASGPBv0\\_4](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cpapaya_ASGPBv0_4)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05151>

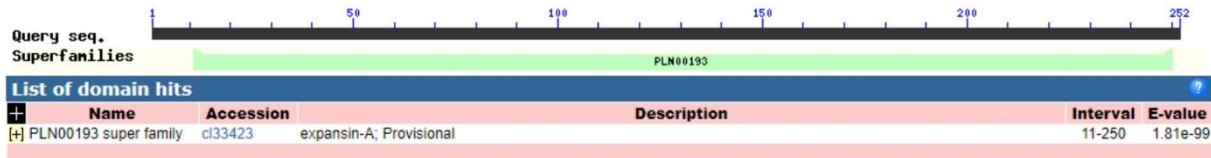
## EXTERNAL RESOURCES

<http://asgpb.mhpc.hawaii.edu/papaya/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CpEXPA-11

MVPAAINIFPFCLIIISLLAEGINGWINAHATFYGVNDNPTTLGGACGYDNTMHAGFG  
VNTAALSGALFENGGACGGCYQVMCNREDPKWCLPGRIVTVTATNFCPSNNGG  
WCDPPRHFDMSFPAFLRIARRGNEGIVPVLVYRRVSCRRRGVVRFTMRGQSSFNMV  
MISNVGGSGDVKEAWIRGSRTRTWVAMRRNWGANWQSSVDLRNQRLSFKLTLGDT  
KTISFINVVPSSWQFGQTFASHLQFS\*

### CDS (coding sequence)

>CpEXPA-11

ATGGTACCAGCTGCTATTAATATCTTTCCTTCTGCTTAATTATTATTATTAGTTTG  
CTTGCAGAGGGGATTAATGGTTGGATTAATGCTCATGCTACTTTCTATGGAGTTA  
ACGATAACCCACCACCCTTGGTACGTTGGTTTCCATTATTAATTTAATTCTTG  
TTTTGCATAAGTAATTACTTACTAATCATTTTTTTAATTGGATGATATGTAATTTT  
TATCTTATGAATGTATAAATTTAAGTGCTATATATATATATATATATGGGTTTATA  
TATATATATATGCATTTTTATGTGTTTTTATTATAAAATTATATTATATCTAATTA  
TTATTATGATTTATGATTTTGACCTATGCAATATGACGATGTTTTCTCATATGTAT  
GTTCATCTGAACTTGATTGGGATTTAATGAATTGATCATATATAAATATATATAT  
ATATATATAGGGGGAGCATGTGGGTATGATAATAACAATGCATGCGGGATTTGGA  
GTGAACACGGCGGCTTTAAGCGGCGCACTATTCGAAAACGGCGGAGCCTGCGGC  
GGTTGCTACCAAGTGATGTGCAACTACAGGGAAGATCCCAAGTGGTGCCTTCCCG  
GCCGTATCGTCACTGCTCACTGCTACCAACTTCTGTCCATCCAACAACAATGGCGG  
CTGGTGCGACCCTCCTCGCCACCCTTCGACATGTCCTTCCCGGCCTTCTCCTCGCA  
TCGCCCGCCGCGGCAACGAAGGCATCGTCCCTGTGCTATACAGGAGGGTGAGTTG  
CAGGAGGAGGGGCGGAGTGCGGTTACCATGAGAGGTCAGTCGAGCTTCAACAT  
GGTGATGATCTCGAACGTGGGAGGCAGCGGCGACGTGAAGGAAGCGTGGATAAG  
GGGGTCAAGGACAAGGACATGGGTGGCTATGCGGCGGAACTGGGGAGCAAAC  
GCAGAGCTCCGTGGATCTCCGAAACCAGAGATTGTCTTTCAAGCTCACTCTTGGC  
GACACCAAGACAATATCGTTTATCAACGTTGTTCCATCTTCATGGCAGTTCGGCC  
AGACATTTGCTTCTCATCTTCAGTTCTCTTAA

## Nucleotide

>CpEXPA-11

ATGGTACCAGCTGCTATTAATATCTTTCCTTCTGCTTAATTATTATTATTAGTTTG  
CTTGCAGAGGGGATTAATGGTTGGATTAATGCTCATGCTACTTTCTATGGAGTTA  
ACGATAACCCACCACCCTTGGTACGTTGGTTTCCATTATTAATTTAATTCTTG  
TTTTGCATAAGTAATTACTTACTAATCATTTTTTTAATTGGATGATATGTAATTTT  
TATCTTATGAATGTATAAATTTAAGTGCTATATATATATATATATGTTTATATA  
TATATATATATGCATTTTTATGTGTTTTTTATTATAAAATTATATTATATCTAATTA  
TTATTATGATTTATGATTTTGACCTATGCAATATGACGATGTTTTCTCATATGTAT  
GTTTATCTGAACTTGATTGGGATTTAATGAATTGATCATATATAAATATATATAT  
ATATATATAGGGGGAGCATGTGGGTATGATAATAACAATGCATGCGGGATTTGGA  
GTGAACACGGCGGCTTTAAGCGGCGCACTATTCGAAAACGGCGGAGCCTGCGGC  
GGTTGCTACCAAGTGATGTGCAACTACAGGGAAGATCCCAAGTGGTGCCTTCCCG  
GCCGTATCGTCACTGTCACTGCTACCAACTTCTGTCCATCCAACAACAATGGCGG  
CTGGTGCACCCCTCCTCGCCACCACTTCGACATGTCCTTCCCGGCCTTCCCTCCGCA  
TCGCCC GCCCGGCAACGAAGGCATCGTCCCTGTGCTATACAGGAGGGTGAGTTG  
CAGGAGGAGGGGCGGAGTGCGGTTACCATGAGAGGTCAGTCGAGCTTCAACAT  
GGTGATGATCTCGAACGTGGGAGGCAGCGGCGACGTGAAGGAAGCGTGGATAAG  
GGGGTCAAGGACAAGGACATGGGTGGCTATGCGGCGGAACTGGGGAGCAAACCTG  
GCAGAGCTCCGTGGATCTCCGAAACCAGAGATTGTCTTTCAAGCTCACTCTTGGC  
GACACCAAGACAATATCGTTTATCAACGTTGTTCCATCTTCATGGCAGTTCGGCC  
AGACATTTGCTTCTCATCTTCAGTTCTCTTAA