

IDENTIFICATION

Species: *Sphagnum fallax*

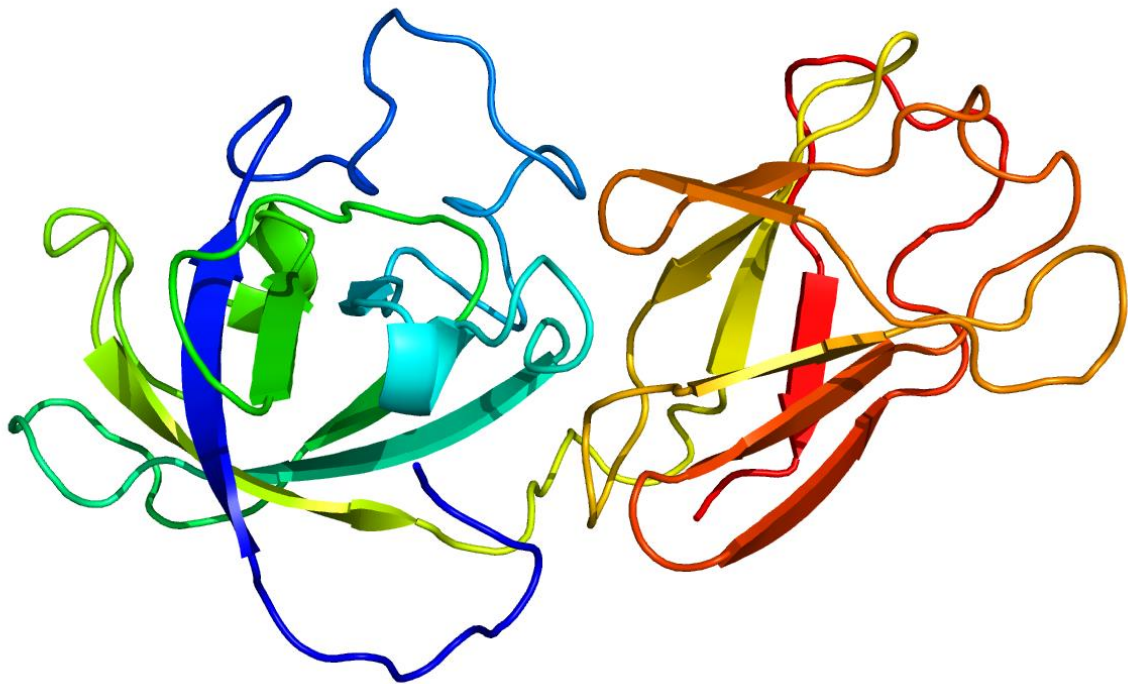
Locus: Sphfalx0086s0081

Gene Model: Sphfalx0086s0081.1.p

Description: SfEXPA-20

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

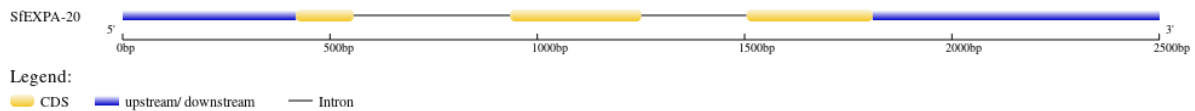
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Sfallax_v0_5

KEGG:-

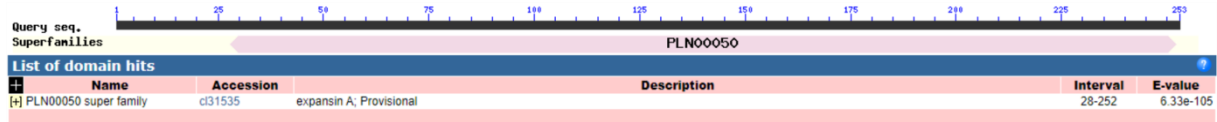
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SfEXPA-20

MASPSLLFLFSVLLMCVHGAVAWADNGGWSRAHATFYGGSDALGTMGGSCGYGN
VFNFGYGVKTVALSSALYNGGLSCGACFEVKCYGIGTCVSGNPSAIVTATNFCPPNPS
QANDNGGWCNLPLQHFDMAQPAFQQIAQYSAGIVPVMYRRAPCQRSGGIHFINGH
SYFNLVLITNVGGEGNVQSVSIKGSKTGWQPMLRNWQNWQSNNTNMGDQSLFSMV
TTADGRTTTSMDVAPPNWNFGQTFEGVQF*

CDS (coding sequence)

>SfEXPA-20

ATGGCCAGTCCCTCTCTTCTTTTCCTGTTCTCAGTTTTGCTGATGTGCGTGCACGG
AGCCGTGGCCTGGGCTGACAATGGCGGATGGAGCCGCGCACATGCAACGTTCTAT
GGAGGCAGCGATGCCTTAGGCACCATGGGTGGTTCCTGTGGCTATGGCAATGTCT
TCAATTTTGGATACGGGGTGAAGACGGTGGCATTGAGCTCCGCACTGTACAATGG
CGGGCTCTCCTGCGGAGCTTGCTTCGAAGTAAAGTGTTATGGCATCGGGACTTGC
GTTTCCGGAAATCCTTCTGCCATTGTGACTGCAACCAACTTCTGTCCGCGCAACCC
AAGCCAGGCCAATGACAATGGAGGCTGGTGCAACCTTCCACTGCAGCACTTTGAT
ATGGCGCAGCCTGCTTTCCAGCAGATAGCCCAATACAGTGCAGGCATTGTGCCTG
TAATGTACAGAAGGGCTCCTTGCCAAAGGAGTGGAGGGATCCATTTACCATTAA
TGGCCACTCCTACTTCAACCTTGTCTGATCACCAATGTTGGTGGTGAAGGCAAT
GTGCAGTCTGTTTCTATCAAAGGCTCCAAAACCTGGATGGCAGCCCATGCTTCGTA
ACTGGGGGCAAACTGGCAGAGCAATACTAACATGGGTGACCAGAGTTTGTTCAT
TCATGGTTACTACTGCTGATGGCCGAACCACCACATCAATGGATGTTGCCCTCC
CAACTGGAATTTGGTCAGACTTTTGAAGGAGTACAATTCTGA

Nucleotide

>SfEXPA-20

TTTCCAGCTCGCACTCTCTCGCGGTTTCGATTCTTGCCTTCTACCGCTCTTTCTGT
CCTTCGGTTCCCCCTAAGCCTCCGTTTGTCAAATCTTGCCTTCAATTTTCTTCA
TGCTTATGACTGCAGGCAGCAGTTTATCGTCTTTGGCGTCCCAGCAGTGAGCTTTT
ACCTTTCCCGATTGTTTTACTCACGTAATTTGCAACCATTTCCAACAAGTCAGTAA
TCGTCAGTTCACATCGCTGTGTACCGGAGCATCTTTCGGTACATTTATCCTTTTC
GTGCCCTTGTGGACTTTGATCGCCGGCTTTGATCGGGCTTTGATCGCTTTT

CCTGCGTTATTTTCCGCCAAGAGTTGAAGGCTTTGGCAGCAGTTCTCTCTCGTCGT
TCGTGCTGTCTGCGAATTGCTGCAATGGCCAGTCCCTCTCTTTTCTGTTCTCA
GTTTTGCTGATGTGCGTGCACGGAGCCGTGGCCTGGGCTGACAATGGCGGATGGA
GCCGCGCACATGCAACGTTCTATGGAGGCAGCGATGCCTTAGGCACCATGGGTAA
ACCAACGCTCCCTTCTCTTACTTTTCATACTTAGTCTTGCGTTAAACATGATGCCAT
GTCCTGCCTCACGTGAATTGCCTTTTTTTTTCTTCGAAGATTGCTTCTTCTCGCTT
GAGCTCTCGTGAATTTTTTTCTCTTCAAGACACGATTCGAAGCTCGATGTCTGGCC
CGTGGATAGTCATTGCATGGACGTCCGGGATATTAAGGCAAAGCGCATTGTCATGT
GCTCGAAAAAGACTTGTGACATTGTTTCCGGCACTTGTCCAGTGTAACGCAGTCG
TAATTTCAAGGTTTTCTTCTATTTTCATGTGTGAAGTTTATATCATTGTCTGCCAC
AATGTCTGACTCCTGACTGCTTGTCTGCACTGTGCAGGTGGTTCCTGTGGCTATG
GCAATGTCTTCAATTTTGGATACGGGGTGAAGACGGTGGCATTGAGCTCCGCACT
GTACAATGGCGGGCTCTCCTGCGGAGCTTGTTCGAAGTAAAGTGTTATGGCATC
GGGACTTGC GTTTCCGGAAATCCTTCTGCCATTGTGACTGCAACCAACTTCTGTCC
GCCGAACCCAAGCCAGGCCAATGACAATGGAGGCTGGTGCAACCTTCCACTGCA
GCACTTTGATATGGCGCAGCCTGCTTTCAGCAGATAGCCCAATACAGTGCAGGC
ATTGTGCCTGTAATGTACAGAAGGTAGAGGAGACTAAATAGAACTCTGAGTATC
CCAACCTTGATGCTGTCTGTTTTGTCTTTGTGCTCATGCAAGCATTAAAGCTATTGGA
AGGGTTCCTGGCAACCTTGGAAGCAAGTGGTAGTGTTCATCTGCCTAGATGTT
ACATGCTTGATGCATTATCCAGATGGTTGTATGCTTCTAGATATTTCTGCAAACA
GATCTGTGGGTCTCAATGTCTAATGCTCATTCTTTTCTGAATCTGTGATGGCAGG
GCTCCTTGCCAAAGGAGTGGAGGGATCCATTTACCATTAATGGCCACTCCTACT
TCAACCTTGTCTGATCACCAATGTTGGTGGTGAGGGCAATGTGCAGTCTGTTTCT
ATCAAAGGCTCCAAAACCTGGATGGCAGCCCATGCTTCGTAACCTGGGGGCAAAC
TGGCAGAGCAATACTAACATGGGTGACCAGAGTTTGTTCATTCATGGTTACTACTG
CTGATGGCCGAACCACCATCAATGGATGTTGCCCTCCCAACTGGAATTTTGG
TCAGACTTTTGAAGGAGTACAATTCTGAGGACTGTCAATGTCTCTAAGTTTTGCA
GTTTTGATCCTTTTGTATATGTAAAGTACCTAAATTGAACTCCATGTACATTATCAG
AACAGAGGATTGAGGTTTATATGTTTTGATGGGGGTGTTTAGTGTCAACTGTTCA
GTATGCAAGGTTACTAAAGCCATGCAACTCCAAGGTGGGAACTAGAAGCTGTGT
GATGTGTGACGGTTCCTGTCCCTCCTTTCCACGTGCAGTTTGCAGGATGTCATGCC
CAATGCTGGCTGAAGAGGGTTGGAATCATGCTCACCAGTGGCTGTGGTAGCTGAG
AATGGGCCATTATCTAGTGAAGGGAACATGGAGGTATAGTTTAAAGTGGTTTTGGA
GGGAGAGCTCAAAGGCTTTCAAGTGTGATGGAGAGGTGATTGAAGCAAAGAGCT
CAGGGATCACCCCATCATCAACATGGAGAAAGTACTGTCTCTTGTAGGTAAGA
GGAATGCACTTTAAAAGGACTATAGGATAACCCGCCATCATCATCCACATGGAGA
GAACTACTGCCTCTTAGTATGTAAGAGGATGCACTCTACCAGGATTTTAAAAC
GGGATTATTTTTTTACCATCCTAACTGAAAAAAGTCATAGCATATGTAACCTGTGTT
GAGGCTGATGCTGCTATGTGAGAACTGCAATGCGACTTTGTAATTGTGTAGCAGC
TGTG