

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana tomentosiformis*

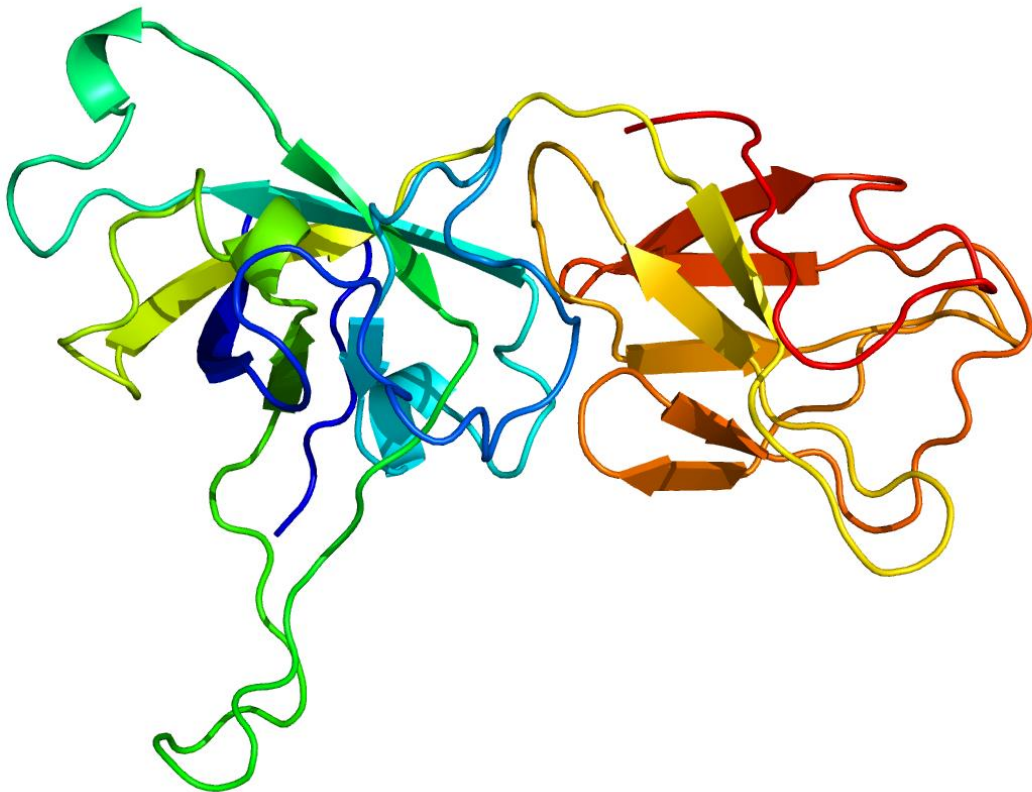
Locus: XP_009597793

Gene Model: XP_009597793.1

Description: NtmEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana+tomentosiformis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05025>

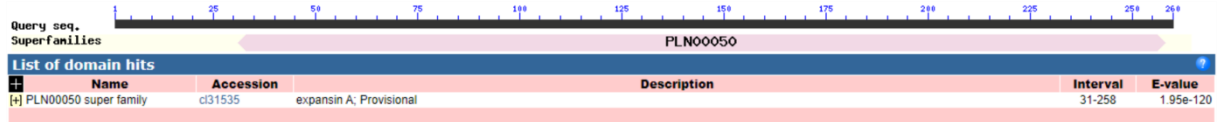
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NtmEXPA-13

MVFLNVAFIACVFLMLVVAVESRIPGVYSGGAWQSAHATFYGGSDASGTMGGACG
YGNLYSQGYGVNNGALSTALFNGLSCGACFEIKCDKDPQWCHSGSPSIFITATNFCP
PNFALPNDNGGWCNPPRSHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVVYRRVPCRKKGGIRFTI
NGFRYFNLVLVTNVAGAGDIVRVYVKGSKTNWITMSRNWGQNYQTNSVLIGQSLSF
RVTASDRRSSTSWNIAPAHWQFGQTFSGKNFRV

CDS (coding sequence)

>NtmEXPA-13

ACTACATCCACATTATCTTTCTATTTTACAGAAATGGTGTTTTTGAATGTGGCCTT
TATTGCTTGTGTTTTTTCATTAATGTTAGTAGTAGCAGTTGAAAGCAGAATCCCAG
GTGTTTATAGTGGTGGAGCATGGCAGAGTGCGCATGCTACTTTCTATGGCGGCAG
TGATGCCTCTGGTACTATGGGTGGGGCGTGTGGGTACGGTAATCTATACAGTCAA
GGGTACGGAGTGAACAATGGAGCGTTGAGCACAGCGCTATTCAACAATGGCTTA
AGCTGTGGAGCTTGCTTTGAGATCAAGTGTGACAAGGACCCACAATGGTGCCATT
CCGGTAGTCCTTCCATCTTCATTACTGCTACCAATTTCTGCCCTCCCAACTTTGCA
CTACCCAATGACAATGGCGGATGGTGTAACTCCTCGCTCTCATTTTGACCTCGC
CATGCCTATGTTCCCTAAGATTGCTGAGTACCGTGCCGGAATTGTCCCCGTCGTTT
ACCGCCGGGTGCCATGCAGGAAGAAAGGTGGAATAAGGTTCACAATTAACGGCT
TCCGTTACTTCAACTTGGTTTTGGTTACCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATCGTG
AGGGTTTACGTAAAAGGTTCAAAGACTAATTGGATAACAATGAGCCGTAATTGG
GGTCAAAATTATCAAACAATTCGGTTTTGATTGGTCAGTCACTTTCATTTAGGGT
CACAGCCAGTGATAGACGCAGCTCCACTTCATGGAATATTGCTCCAGCTCATTGG
CAATTTGGTCAAACCTTTCAGTGGGAAGAATTTAGAGTTTAACAAGAAAAAGTAG
CTAAATTCAAGACTTTTTATTATTATGTTTCTGTTTGGTTTACTATTGTGGTTAACG
GGGTTTTGGGGGATTGTAAGGTTCTTTAAAAAACATTGCTTTTTTGGAGTTGGG
ATTAGGGAAAAGTATGGTCTTCTTATTGTGGGGTTATTTGTTTTTTACTTTTTCTT
TTTGGTTGTGGTGGTGAAGGAAAAGGGTTGATGAGTTTTGTGGAGAAATTAGGGA
TTTGAGAAGGGATGAATTGTAGATGACATGAGAAGAGCTGAGGCGGCTGCAAAA
ACATGTAGCCCCGAGCTACTAGTTGGACTATATATTATTAAGTATTGTGGTTT
AATTGAAAATATGTATGTTGTTTTAGGTA

Nucleotide

>NtmEXPA-13

AAATAAATTATAAATCATCTCATTATAATAAAAATAATAAAAATAAAAATTATTATAC
TAAATATTA AAAAGGTTACTACTTTTTCTTACATTGCAAAAAATGTAGAGCGAGTAT
AATTTTGCAAAAAAGTTTTTTTTTTTTCTTTCATGTAGATACCACTTGCTCTGTTGA
TGTGTGCATCTCGTGCGAAAAGACTCTGATTAGACAAAAAGTATTTTGTGGACCA
TAAGAAAGAAAACAAATACGGCAGAGTTTTGATGTAAAAAGTAGAAATATGTCA
AAAAAACATTTTTACTGAGTTAAGATACGAATGACACTATCTCGAAATTGTTAA
GCCCTTTAGCGAGCGTGACAGTAGAAAAGTTAATTATCGTTTTGGGACTCCTATTA
AACATAGCTTGTATTTACAAAATGGGACAACCTGATGGCACCATAATTACATGAAG
TGCCACTGATTCACTTTTAGGGCTCCCTCCATAAGTAGTAGTAGTAGCAAGTAGT
AAGCACTACATCCACATTATCTTTCTATTTTACAGAAATGGTGTTTTTGAATGTGG
CCTTTATTGCTTGTGTTTTTTCATTAATGTTAGTAGTAGCAGTTGAAAGCAGAATC
CCAGGTGTTTATAGTGGTGGAGCATGGCAGAGTGCGCATGCTACTTTCTATGGCG
GCAGTGATGCCTCTGGTACTATGGGTACGTCACCATTTTCAGGGGTTTTCTTGCTC
CATTTCTATTCTGTTTTTGTCTCATTGTCAATTGTTTAAATTTAAGACTAATTTTGT
GATTTACACAGGTGGGGCGTGTGGGTACGGTAATCTATACAGTCAAGGGTACGG
AGTGAACAATGGAGCGTTGAGCACAGCGCTATTCAACAATGGCTTAAGCTGTGG
AGCTTGCTTTGAGATCAAGTGTGACAAGGACCCACAATGGTGCCATTCCGGTAGT
CCTTCCATCTTCATTACTGCTACCAATTTCTGCCCTCCCAACTTTGCACTACCCAAT
GACAATGGCGGATGGTGTAACTCCTCCTCGCTCTCATTTTGACCTCGCCATGCCTAT
GTTCCCTAAGATTGCTGAGTACCGTGCCGGAATTGTCCCCGTCGTTTACCGCCGGT
ATGTATTTTGTGCTTTTCCCTCATTCTTTGGTGCCTTGGGTTTGTCTTCTCCTTCTC
GTGGGGTTATCTTTATGTGTTTGGTTTTAATTTATTGCTTTTGTGAGATTTTCTCTT
CTTTCATAGTACCGGTAGAAGGAAAATAACCTGTCACAACGTACATTGGCTGGCA
TGCTTTCTTCTTTTTACACTATTTTTAGTTTGTGCAGTATTATTACATGTAGTTATT
TTTTGGCCAAAGTTTTGTTACACAGAGTTGAACTCTCTGTTTATGTCTCAATTA
CTTATTA ACTGGTTAAATGGTAAAGGTGATATTAAGAAAATCAAACGAAACACA
GTATTCCACAAGAATGTCAAACATCAAACCGTAGGTAGTGGAGCACAGTCTTCTA
TAGCCACCTAATCCTTGCCGTA CTGCGTCCTCATATTTAATTTACTCTCTACGTAG
CACATTAACAAATCTGTCCACATGTTTGTCTCAAATGACCAA ACTAACCTGAG
GTTTTTAAATTTATTTACGCAGGGTGCCATGCAGGAAGAAAGGTGGAATAAGGTT
CACAATTAACGGCTTCCGTTACTTCAACTTGGTTTTGGTTACCAACGTCGCGGGTG
CAGGGGATATCGTGAGGGTTTACGTAAAAGGTTCAAAGACTAATTGGATAACAA
TGAGCCGTAATTGGGGTCAAATTATCAAACAAATTCGGTTTTGATTGGTCAGTC
ACTTTCATTTAGGGTCACAGCCAGTGATAGACGCAGCTCCACTTCATGGAATATT
GCTCCAGCTCATTGGCAATTTGGTCAA ACTTTTCAGTGGGAAGAATTT CAGAGTTT
AACAAAGAAAAGTAGCTAAATTC AAGACTTTTTATTATTATGTTTCTGTTTGTTTG
ACTATTGTGGTTAACGGGGTTTTGGGGGATTGTAAAAGTCTTTAAAAAACATTG
CTTTTTTGGAGTTGGGATTAGGGAAAAGTATGGTCTTCTTATTGTGGGGTTATTTG
TTTTTTTACTTTTTCTTTTTGGTTGTGGTGGTGAAGGAAAAGGGTTGATGAGTTTT
GTGGAGAAATTAGGGATTTGAGAAGGGATGAATTGTAGATGACATGAGAAGAGC
TGAGGCGGCTGCAAAAACATGTAGCCCGCAGCTACTAGTTGGACTATATATTATT
AACTGTATTTGTGGTTTAAATTGAAAATATGTATGTTGTTTTAGGTATCTTACGTGT
TACATATATAGTAGCTGGTGTACCTAAATCGACAATTTGGACTTTGACGATACTA
GTAATTCGGTATTAGTTTAAATAATTGATGTGCACAAATTGGCTTGGGATATTACT
ATTATTATCATTTAGAAATGCTAAACTATTAAGAGGAATTT CATGGACGAAAGCT

TAGGCCATTAAAGGACTTCTCTTTGCAAGTTTTGTTCAACGCTATATTTATTCAAT
GAAGGGTTCCAATTCTATGCCTTTCTTTTTGGTGGGAGTCCCATATCAACTCCTT
GTATAATGTTGTCCCCTCTTCATTTTCTTATGATACAAAAACCAATTAGATTCTTT
AATTCATTGGCTCCGGCATCCCTTGCCGTGTATATCTTCGAACGCAGTTACAAGAT
AGGCAAGCACATCTCAGCATATCTGTTATACCATATAGATTATAGGACTATTGGA
AGGAGGAGCCCAATTACATCGTAACTTCATACCTTTGGAATAAA