

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cucumis sativus*

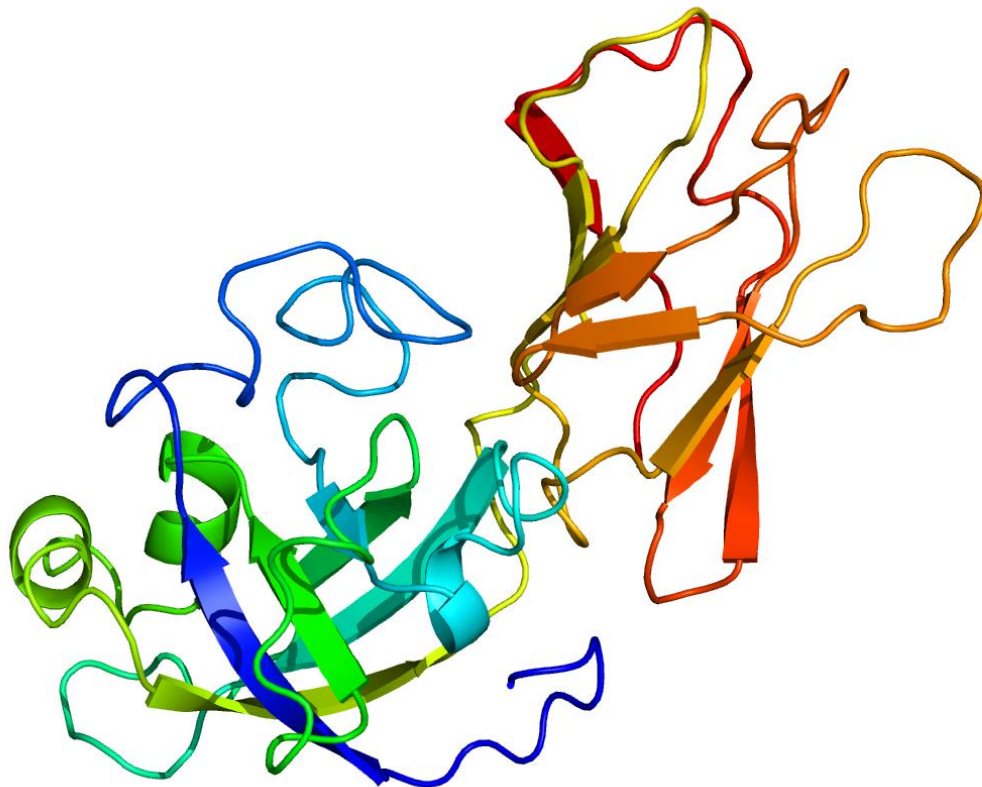
**Locus:** CsGy7G004140

**Gene Model:** CsGy7G004140.1

**Description:** CsEXPB-03

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

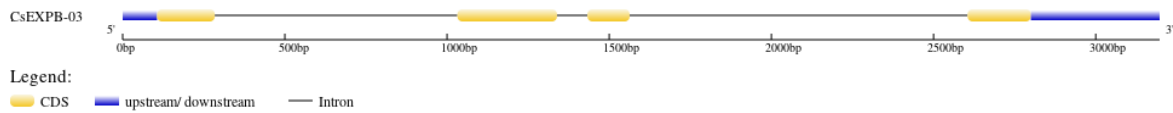
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

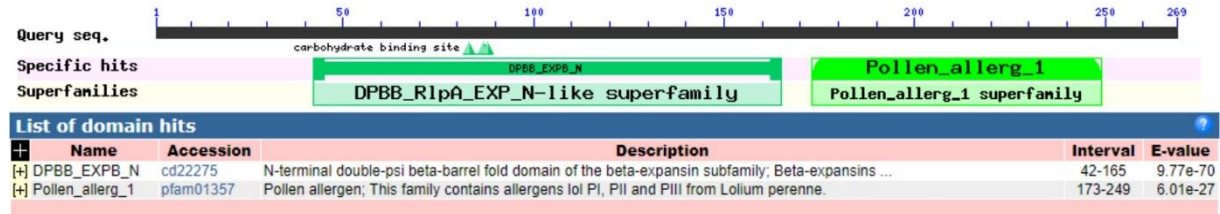
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CsEXPB-03

MHLRPRYLWNVIMLVNFKVLDSTQQLPNRTTAASHWLPATATWYGSPEG  
DGSDDGACGYGSLVDVKPFKARVGA VSPILFKDGEGCGACYKVRCLDRAICARRAV  
TIIVTDECPGGYCANGRTHFDLSGAAFGRMAVAGAGSRLRDRGELTVAYRRTPCRYR  
GKNIAFHVNEGSTDHWLSLLVEFEDGDGDLGSMQIRQANSKEWMEMAHVWGATW  
CINGGPLKGPFSVKVTTLSTAKTLSARDVIPRNWSPKATYTSRLNFS

### CDS (coding sequence)

>CsEXPB-03

ATGCACCTCCGCCCTCGGTACTTATGGAATGTTATAATGTTGGTGAATTTTGTACT  
GGTGGGGAAGTTTGTCTCGTTGATTCAACTCAGCAGCTTCCAAACCGTACTACC  
GCAGCTTCGCATTGGCTCCCCGCCACCGCCACTTGGTATGGCAGCCCAGAAGGCG  
ACGGCAGCGACGGTGGGGCATGTGGGTACGGTAGTTTGGTGGACGTGAAGCCAT  
TCAAAGCAAGAGTAGGGGCAGTGAGTCCAATCCTGTTCAAGGACGGGGAAGGGT  
GTGGTGCCTGCTACAAAGTTCGGTGCTTGGATCGAGCCATATGCGCTAGACGGGC  
AGTTACCATCATAGTAACTGACGAGTGTCAGGTGGGTACTGTGCAAATGGCCGG  
ACTCACTTTGATCTGAGTGGTGCCGCTTTGGACGTATGGCGGTGGCTGGTGCGG  
GCAGCCGTCTCCGAGACCGAGGGGAATTGACTGTAGCGTACAGAAGGACTCCAT  
GTAGGTACAGAGGAAAGAATATAGCGTTCCATGTGAATGAAGGTTCTACAGATC  
ATTGGCTTTCGCTTTTGGTGGAGTTTGAGGATGGAGATGGAGATCTTGGTTCTATG  
CAAATCAGACAAGCAAATTCAAAGAGTGGATGGAGATGGCACATGTGTGGGGT  
GCAACATGGTGCATAAATGGAGGGCCTTTAAAGGGTCCATTTTCAGTGAAGGTAA  
CAACATTATCCACAGCTAAACTCTCTCAGCCAGAGATGTTATTCCAAGGAATTG  
GTCTCAAAGGCAACTTACACTTCTCGCTTGAAGTTCTCCTAA

### Nucleotide

>CsEXPB-03

CTTAACTCCCAACTTCCTTCGCTATCTCAAGAACTGTCGGCAGAACGACTGTTTTTC  
AGTTACTGTTTCTCTTTTTTTTCGGTGCTTCTGTTGTTCCCAACCTCAACAATGCACC

TCCGCCCTCGGTACTTATGGAATGTTATAATGTTGGTGAATTTTGTACTGGTGGGG  
AAGTTTGTTCCTCGTTGATTCAACTCAGCAGCTTCCAAACCGTACTACCGCAGCTTC  
GCATTGGCTCCCCGCCACCGCCACTTGGTATGGCAGCCCAGAAGGCGACGGCAGC  
GACGGTCAGTACAATTAATTTGTTTTTCTTTTAACTTTATTACTAAAACTACAA  
AATTAACCGAAAGAATTTAATCGTTATCATTCCAAAGTTCTTGAAAAAAGTACCA  
TATGTAGTTTAAACATCTAGAGACATTTATTAATTTTTTTTTTTAAGGAGACGTATT  
AACACGAGACCAAACCTGTAGTTTAAATTTATCTTTACAGAAACAAAATTCTTTTAT  
CAGTCGTCTCTACCCTTTTTATTTTTTTGTTATATATATATATACAAGTGGTCCGGCA  
GCAACAAAAAATTCTTGCTCGAGGACAAGTGACGTGAGATTATTAATTTATCTAA  
GTATTGCATTTAATAAGAATAAAAATAAGAAACATCAACAATTAGCATGCAATAT  
ATAATTGTATTGTTATTATTATTTTTGTGTTGAATCGAATGAATGAATAGGATTTT  
AAGATAGATTGATATTGACACCTCAACAACCTGCTTCTTTTTGGATTTTGAGATTCA  
TATATTTCATACTACTATTTAAGCTTCATTTACATCTTAGATTAGATTTAAAGGTA  
AAAAGTTTAAATATTAACTACTTTTCTAACAAATTATAAATTTAATTCAAATTTTTT  
ATAACTAGTTAAACTTGTGAAAAATATCTATAAATATCACAAAATATGGTCTATT  
TTGATATATATGTATTTTTGTAATCTTAATTTTTTTGTGACGTATGCATAAATTAATG  
GTCATGTGGGGAATGAAATGAATCAGGTGGGGCATGTGGGTACGGTAGTTTGGT  
GGACGTGAAGCCATTCAAAGCAAGAGTAGGGGCAGTGAGTCCAATCCTGTTCAA  
GGACGGGGAAGGGTGTGGTGCCTGCTACAAAGTTCGGTGCTTGATCGAGCCAT  
ATGCGCTAGACGGGCAGTTACCATCATAGTAACTGACGAGTGTCCAGGTGGGTAC  
TGTGCAAATGGCCGACTCACTTTGATCTGAGTGGTGCCGCCTTTGGACGTATGG  
CGGTGGCTGGTGCGGGCAGCCGTCTCCGAGACCGAGGGGAATTGACTGTAGCGT  
ACAGAAGGTAATTGGGTGTGCAGTACCAGTGAATGAGTTAAAAGAGATTAATAT  
TAAGGGTATTTAATTGATTTTTATTGTGATTGTACATGTGTATACAGGACTCCATG  
TAGGTACAGAGGAAAGAATATAGCGTTCATGTGAATGAAGGTTCTACAGATCAT  
TGGCTTTCGCTTTTGGTGGAGTTTGAGGATGGAGATGGAGATCTTGGTTCTATGCA  
AATCAGACAAGTAAGCATCTTAAAACCTTAAACAACCTATATAAAGCAAGCATCTTC  
AACTTTAACAACCTATATAACCATCTAAAACCTTTTTATTTGGTGTTTTACAAGAAAA  
AATATGTTATATGCAACTCCAAAGTTATTATAAATGATAAAAACTATGGTAAGTA  
TAGCAAAATTGTAGATTGAATTACTAAATTTTTACAATATTGGTTTATTTTGCTAT  
TTGATGATTTGATCTTTTATCATACAATTTTTTTAATTAGAGAGATTCTTCCTTTAA  
AAAAAATATTTTTTGTGTTTTAATTTTGTCTATATAATTAAAGTGGAGTGTGCAC  
TTTGAAATGCACCTATATATATTAATCATTAAAAGAATAAAAAGTGTTTATTTATA  
AGTCTAATTGAATCTCCTTTTTTTTTTAAAGATATATTTTGAATTTAGTTTTGTCTTT  
TTAAATTGAATTCCTACATAAATTTCAAAAACCTTAAACAAGATTTTAAAAAACAA  
AAATTCTGAGTTTTCTAAACTTAATTGGTTTTAATTTTGAATTCATTTTTGGAGA  
AATATATAACATACAATAATTTAAAATTAACCTTTTTCTGTATATAATTGAATCA  
TAATTTTCAATTGACATGTTGAGATCATTAACCTTTGAAAGTAAACATAGTTAATAT  
AGTTGTAGGTTTATATATTAATCATATTTTCATTAAGCTATAATCAACTAGGAGAT  
CACACACACAACCTCACAGTTTAGATCCACACATTTATCATCCAACCTAAGATA  
TTATAACTTTATATAACTTTCTTGAGGTAGCTCTGTCCATGTGAGAAAGGGGCCAC  
AAAAAAGGATAAAAAAAACCAAGAGACAAGACATAGTGAGCACGTTGAAAAAT  
GATCATGATAATAGTTTTTGTGTTAATTGTTTGCATCTCATTGACACACACA  
CACACATATATATATATATATATATAGTTTAGTTGAAGATTAGTAGTATATATTAT  
ATTGTATTTGCAACAAAACTAATATATATGAATAATGTGTTGTGGTAGGCAAAT  
TCAAAAGAGTGGATGGAGATGGCACATGTGTGGGGTGCAACATGGTGCATAAAT  
GGAGGGCCTTTAAAGGGTCCATTTTCAGTGAAGGTAACAACATTATCCACAGCTA

AAACTCTCTCAGCCAGAGATGTTATTCCAAGGAATTGGTCTCCAAAGGCAACTTA  
CACTTCTCGCTTGAACCTTCTCCTAAAAATCATATATAAACCTCTACTACTTGCTG  
TGATCATATATCTATATATATATATAGTATGTCAAATTATATATGTCCTTAGCTT  
TAGATTTATATCATAATGTAGCCCTCTCCAAAGGGAGAGAGAGCTTTCTTTTTCAT  
TTTTGTA CTTCATGTATCCACTTTGTTAGATCCTATATGTTGCTACCTTGTTTTTCG  
ATTATAAATAATGAATCGAATGTGTTTAGTTTAGTTTCTATCTTTTAAATGTTTATT  
GGATTAATACTTAAATGGTTTAAATTTCTTTTAGTTATAAATATAATCGATATTTA  
ATTAGTTTATCCATCTACGTCGTAAAGAAAATTTATTATATATTGATAAATTTTT  
AAATGATCGAAGGAACTAAATTGTCTAC