

IDENTIFICATION

Species: *Aquilegia coerulea*

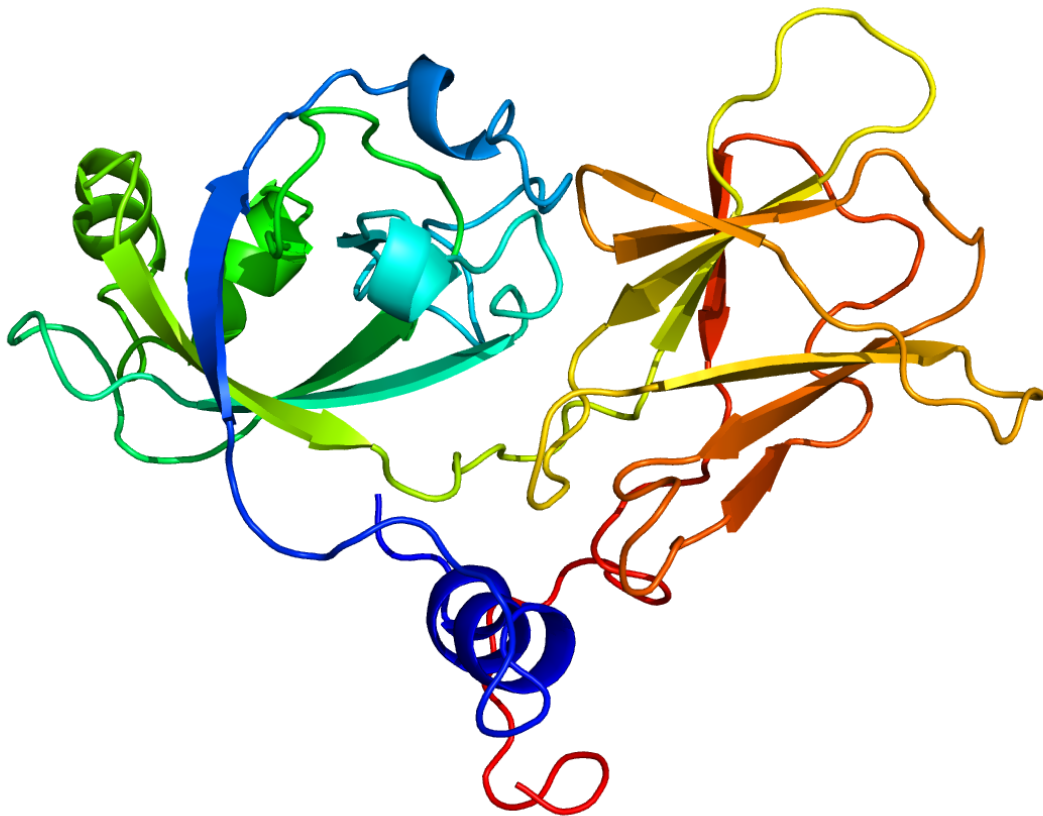
Locus: Aqcoe6G195100

Gene Model: Aqcoe6G195100.1.p

Description: AcEXLA-01

Family: Expansin Like A

3D structure:

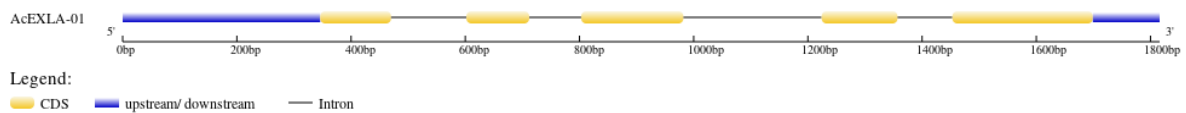


GENOME DATABASES

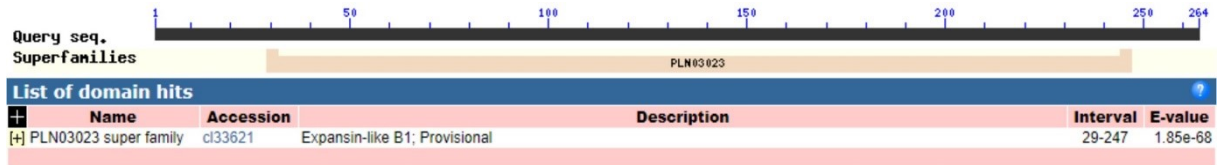
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea_v3_1

EXTERNAL RESOURCES

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AcEXLA-01

MAIYLLLLCFFFLVISSSVLGCDCRVHQSKAAYFSSNAALSSGACGYKSLALGFNNGY
LAAGASSLFRDGVGCGACFQIRCKNQKICKAGTKVILTDLNKSNETDFVLSNKAFFG
MAQKGMGQNMLKQGVVDVEYKRIPCDYKKQNLSVRVEESSQKPHYLAIKFLYQGG
QTDIAGVDVAQVGRSNMYLTRNHGAIWDTSRFPMGPLQFRIVVTGGYDGKMWVA
PNVLPADWKTGVIYDANVQIDDIAQEGCSSCDDQEWK*

CDS (coding sequence)

>AcEXLA-01

ATGGCTATCTACTTGTTATTGTTATGCTTCTTTTTCTTGTTATATCTTCTTCTGTTT
TGGGTTGTGATCGTTGTGTTCAATCTAAAGCTGCTTATTTCTCTTCAAATGCA
GCTCTTTCATCTGGTGCTTGTGGATATAAATCCTTAGCTTTAGGCTTTAATGGTGG
ATATCTTGCTGCTGGTGCTTCTTCTCTATTTAGAGATGGTGTTGGTTGTGGTGCTT
GCTTTCAGATAAGATGCAAGAACCAGAAGATTTGTAGCAAAGCAGGAACATAAAG
TGATCTTAACTGATCTAAATAAAAGTAATGAAACAGATTTTGTCTTAGTAACAA
AGCTTTCTTTGGTATGGCTCAAAGGGCATGGGCCAAAACATGTTGAAGCAAGGA
GTTGTTGATGTGGAGTATAAGAGAATACCCTGTGATTATAAAAAGCAAAATTTGT
CAGTTAGAGTTGAAGAATCAAGCCAGAAGCCACATTATTTAGCAATTAAGTTCTT
ATACCAAGGTGGTCAAACAGATATTGCTGGTGTGATGTAGCTCAGGTTGGTAGA
TCAAATTATATGTAATAACAAGAAATCATGGCGCAATTTGGGATACAAGTCGAT
TTCCAATGGGGCCATTGCAGTTCAGGATAGTAGTAACAGGAGGGTATGATGGAA
AGATGGTATGGGCACCTAATGTTCTTCTGCTGATTGGAAGACTGGTGTGATATA
TGATGCTAATGTTTCAGATTGATGATATTGCACAAGAGGGTTGTTCAAGTTGTGAC
GATCAAGAATGGAAATGA

Nucleotide

>AcEXLA-01

CTATGGTTTCTCACTACTAGTCAGTAGTCACTAACTACACAGCTGTGTTTTGTACG
CGTGCTACAATAAAAATCAAGTCGGTGAAAACAGAAAGCAGAGCAACACAACAC
CAACACGTACAGCAAATCTGTTTAGCTTTTTTTCTCTGCCGCGTAAGTTTCAAAT

ACAGAAATGCTTGTCTCTTTCTTCATCACTTTCCATCTCTATCTTTAATACTAAACA
ATTTACAACACTAGTCACTCACACTCTACTCAGCAGCTAGTATTAATAAGTCTTCCTT
CCCAGTTCTCACACTATAAATACACCAATCACTCTTCTCTTCTCTTTCACTTTTCAC
CAAACAAAACATGGCTATCTACTTGTTATTGTTATGCTTCTTTTTCCCTTGTTATATC
TTCTTCTGTTTTGGGTTGTGATCGTTGTGTTCAATCTAAAGCTGCTTATTTCTC
TTCAAATGCAGCTCTTTCATGTAAGTTTGATTAATTTAATTTGTTGATACCCATAT
ATGAATTTGATTGAATTAAGCTAAATGGAAACATAACCCATTTTCATATTTTGTAGA
AATAATTAAGGGTAGTTTTTGTGTTTGATGATTTATTGCAGCTGGTGCTTGTGGAT
ATAAATCCTTAGCTTTAGGCTTTAATGGTGGATATCTTGCTGCTGGTGCTTCTTCT
CTATTTAGAGATGGTGTGTTGGTTGTGGTGCTTGCTTTCAGGTATATATAGACATAAA
CATAAGATTGAATGATTGATTTTTTTAAATTTGTTATGTATATATTAATGTTTGT
TGGTTGTAATTTGATAGATAAGATGCAAGAACCAGAAGATTTGTAGCAAAGCAG
GAACTAAAGTGATCTTAACTGATCTAAATAAAAGTAATGAAACAGATTTTGTCT
TAGTAACAAAGCTTTCTTTGGTATGGCTCAAAGGGCATGGGCCAAAACATGTTG
AAGCAAGGAGTTGTTGATGTGGAGTATAAGAGGTATACATAAACTTTCACTTTG
TACCAAGCCAATTGGCTTTACCATGAAGGGGACCAATGCCTTCGAAATGCTATTT
CTTGATAGTGGTTTGGTTACACCTAACACCAATAGAAATGAGTGTTTTTAAAGAA
ATTGCAGGTCACATTTATTGTTTGTGGAGAATAATGTGATTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTCTATAGTAATAATATTTAATGGTTATTTTTTGAATGTTATGGAAACAGAATA
CCCTGTGATTATAAAAAGCAAATTTGTCAGTTAGAGTTGAAGAATCAAGCCAGA
AGCCACATTATTTAGCAATTAAGTTCTTATACCAAGGTGGTCAAACAGATATTGC
TGGTGTTGATGTAGCTCAGGTAATTAATTTAATGATCAATATTTAATCAAACAT
ATTACCTACAATAGATAGATAGATTACTAACTGTTATCATTTTGATCTTGATTTGG
CAGGTTGGTAGATCAAATTATATGTACTTAACAAGAAATCATGGCGCAATTTGGG
ATACAAGTCGATTTCCAATGGGGCCATTGCAGTTCAGGATAGTAGTAACAGGAGG
GTATGATGGAAAGATGGTATGGGCACCTAATGTTCTTCTGCTGATTGGAAGACT
GGTGTGATATATGATGCTAATGTTTCAAGATTGATGATATTGCACAAGAGGGTTGTT
CAAGTTGTGACGATCAAGAATGGAAATGATCACAGAATAATACTACATTCTAATC
TATGTATACAGCAGGATAGTTTGATCACACAGTCTTAATCATTTGTTTTTTTCGTTA
ATGTAAGATTATGAACCAAATAACAAAAGCTTTT