

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

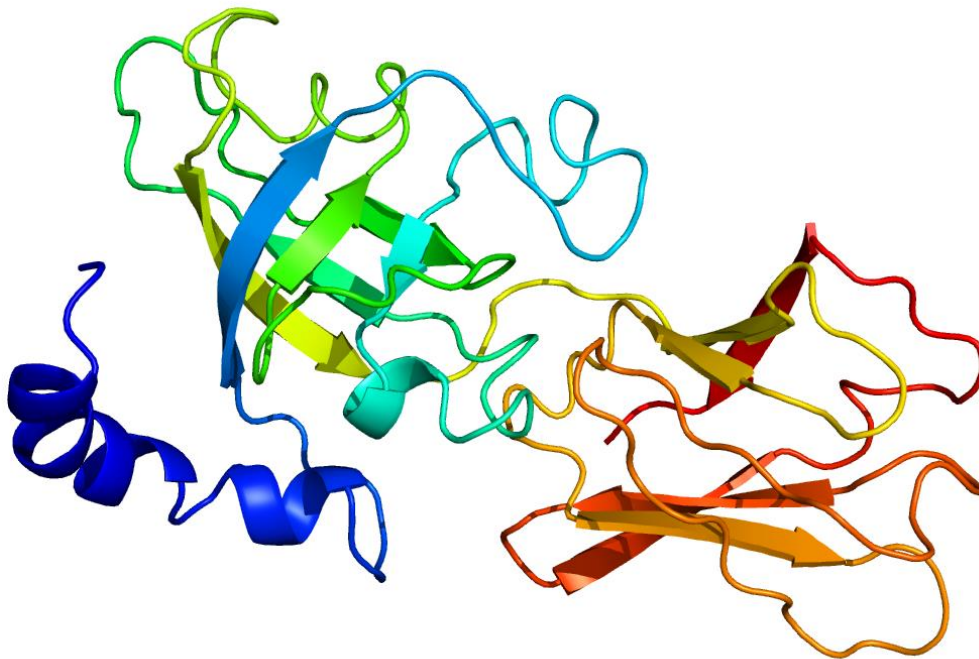
Locus: AH019277

Gene Model: AH019277-RA

Description: AhyEXPA-16

Family: Alpha Expansin

3D structure:



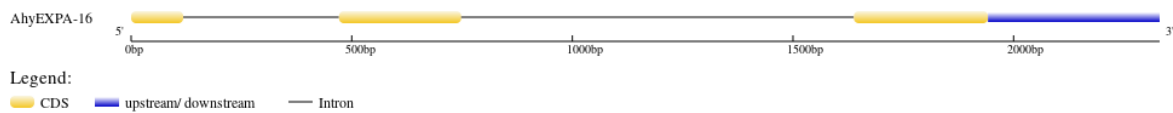
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

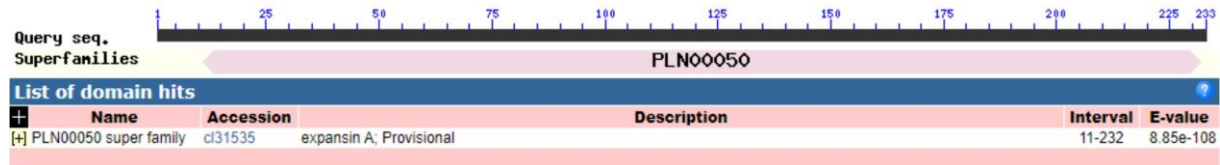
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-16

MGSLTIQASFFLLIAINLCLRVAYGDYGGGWVNAHATFYGGACGYGNLYSQGYGTS
TAALSTALFNGLSCGACFELRCND DPKWCLPGSIIITATNFCPPNPALPNNNGGCW
PPLQHFDMAQPSFLKIAQVPCVRKGGIRFTINGHSYFNLVLTNVAGAGDVHSVSIK
SKTGWQSMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSFQVTSSDGR TVTSNNVAPAGWQFGQTF
EGRQF*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-16

ATGGGCTCTTTAACCATTCAGGCATCTTTTTTCTCCTCATTGCCATCAATCTATGC
CTCCGAGTCGCTTACGGCGACTACGGTGGCGGTTGGGTTAATGCCCATGCCACAT
TTTATGGAGGAGCATGTGGATACGGAAATTTATACAGTCAAGGATACGGTACTAG
CACTGCTGCTTTAAGTACAGCTCTGTTCAACAATGGGTTGAGTTGTGGAGCTTGT
TTGAGCTTCGCTGCAACGACGACCCAAAATGGTGTCTTCCGGGTAGTATAATAAT
CACAGCTACTAATTTCTGTCCACCAAACCCAGCTCTGCCAAACAACAATGGGGGA
TGGTGAATCCTCCATTGCAACACTTTGATATGGCTCAGCCTTCTTTCTTGAAGAT
TGCTCAGGTACCTTGTGTAAGGAAAGGAGGAATTAGGTTACAATCAATGGACAC
TCTTACTTCAACTTGGTACTCATCAACCGTTGCTGGAGCCGGTGACGTCCATTC
GGTGTGATCAAGGGTTCGAAGACTGGATGGCAGTCCATGTGCGAGAAATTGGGG
CCAAAATTGGCAAAGTAACTCGTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCATTTCAGTT
ACTTCTAGTGATGGAAGAACGGTACTAGTAACAATGTTGCTCCTGCTGGTTGGC
AATTTGGCCAACTTTTGAGGGTTCGTC AATTTTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-16

ATGGGCTCTTTAACCATTCAGGCATCTTTTTTCTCCTCATTGCCATCAATCTATGC
CTCCGAGTCGCTTACGGCGACTACGGTGGCGGTTGGGTTAATGCCCATGCCACAT
TTTATGGTGGAGGTGATGCTTCCGGCACAATGGGTAAGTACATTTACCATTATA
ATTGTTTAATATTTCTCATTGCGCAAACTAAAATTATAAAAAGTTGATGGGTA
AGTACATTTCCGCCATCATTTTTAATTTGCATTTTACTCTTAATTTATAAGTTGAAA

TATAGTCACGTGGAATCTTGTTTGATTTCGTCTCAATACAAGGATTATTCATATCAA
ATTTTTATAATTTTTAATTAATAATAATTTGAGATATTAACATAAATAAGAGATATT
TAGGTTGAATAAGAGGGAATATTATTAACATAATGAGATACTAAAATTAAGTATT
GTAAATTTGGAATTGTATGATGCAGGAGGAGCATGTGGATACGGAAATTTATACA
GTCAAGGATACGGTACTAGCACTGCTGCTTTAAGTACAGCTCTGTTCAACAATGG
GTTGAGTTGTGGAGCTTGTTTTGAGCTTCGCTGCAACGACGCCAAAATGGTGT
CTTCCGGGTAGTATAATAATCACAGCTACTAATTTCTGTCCACCAAACCCAGCTCT
GCCAAACAACAATGGGGGATGGTGTAAATCCTCCATTGCAACACTTTGATATGGCT
CAGCCTTCTTTCTTGAAGATTGCTCAGTACCGTGCTGGGATTGTCCCTGTTTCTTA
CAGAAGGTATTTTTCTCATTACTTTCTCTGGTTAGTAATAAGAAAGACATATAGTA
TAAAATTTTATGAAAAGTTTTACCACCACCTATTTACAGAGAATGTGATATTTGTT
TTTTGATACTATTCATCATTACTCTTAATTTGTATTTTATTCTTAATCTATAGATT
AAAATATAGTCAAGTGAGATCTTGTTTGATTTCGTCTCAATACAAGATTATTAAT
ATTCATTTTTATAATATTTGTTATGTATAATAAGATATATTAACATTGAATAA
GTGCATTGAATAGTGTGGAAAATCAAATGTCTCATTCTCTATGAATAGGAGGGAG
TATATCATTTTTGTTTACAATATTCATTATCACCTAATAACACATCTTCTAATGGT
AATTCATTGGAATAAATTTTTATGAAATGAAATGATTAGATTTGGACAAGTATAA
CTAAGAGATTTTTTTCAACTAAAATTACATTAATTCTTATTACAATCGTTTATTAC
TACCTTTGACAGTTTATTACCAAAAAAAAAAAGAAGTTTATAGTAAATAAAGTAGT
TCAATTTTGACTGTTTCGTATTGGAAACAGTTTGTGTTGACCTATGTATGTAAAGACT
TAAGAGTATTAATTAACCTATTTAATCAATTTATTTAAGGGTATTCTCTTAAATAT
GAGAGCATTTTTTCAAACTATATTAACATAATGTTAGTTATAAAAAACAGAATATTT
AAAGAATCCTTTTAATTATGAATTATGGATTTTAAATGAGATAATTAATTTCTTTTT
GACTTATATCTATGTGGGGTAGATTGTTGTGTTATAAATACTTGAGTTTTCTAAAG
CAGTACAAATTGATCAATTGGCAGGGTACCTTGTGTAAGGAAAGGAGGAATTAG
GTTCACAATCAATGGACACTCTTACTTCAACTTGGTACTCATCACCAACGTTGCTG
GAGCCGGTGACGTCCATTCGGTGTTCGATCAAGGGTTCGAAGACTGGATGGCAGTC
CATGTTCGAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGTAACTCGTACCTCAATGGACA
AAGCCTCTCATTTCAAGTACTTCTAGTGATGGAAGAACGGTACTAGTAACAAT
GTTGCTCCTGCTGGTTGGCAATTTGGCCAAACTTTTGAGGGTTCGTCATTTTAACT
TCAGTCTACAATTTTCTTAAGGAAATAATTCTTTAAGAAATTTCTAGAATTATAGA
AAATTAGTAGCATGAAAAATTGTATATGGGTATCAGTACGAAATTGGTAATTCGT
AAGAAAGGGTCCGTTAGAAAATGTGCCCTATATATAAATATGTTGCAGTGGTGCC
TAGAATAGCGCCCGCTAAAGGCCATTTTTCTTTATAATAGAGATGCATAGGCAAA
ATTTGGTTTTAGAGAGTGTGCTAAGAAATGGTGTCTTTTGCCTGGTTTTTATA
GGCAAGAGTAAGCGTTATTTCTTTTTTTACTTGGATGATCTAATTTTGTCCGGGGTG
GTGTAATCCTGCATTTATTATATTCATGTATTATGAACTTTTATCATTGTAATC