

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

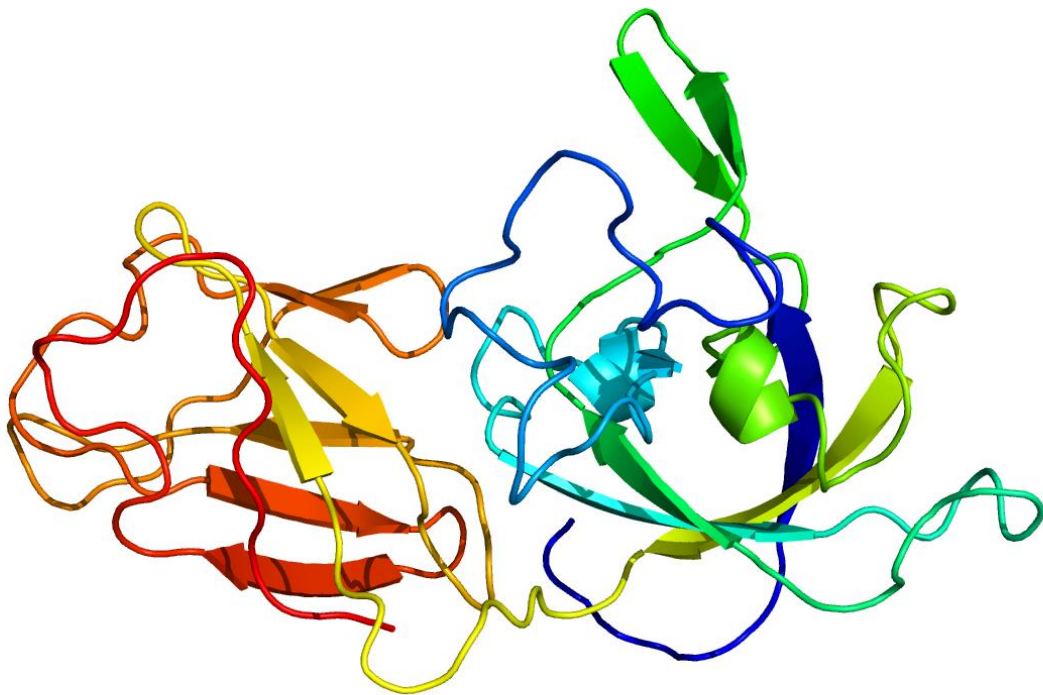
Locus: Medtr3g094040

Gene Model: Medtr3g094040.1

Description: MtrEXPA-09

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

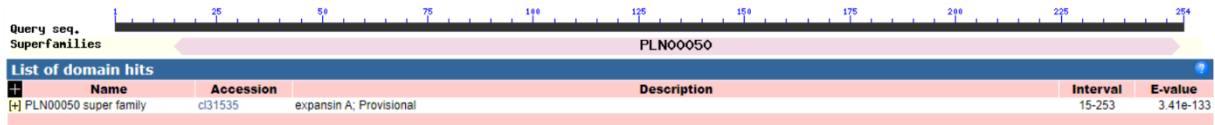
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-09

MAIVATSFISILFFVLSLCLRGTFGDYGGGWENAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMKCNNDPKWCLPGSILVTATNFCPPNFAE
SNTNGGWCNPPLQHFDLAEP AFLQIAQYKAGIVPISFRRVPCMKKGGIRFTINGHSYF
NLVLVTNVGGAGDVHVSIVSIKGSKTGWQAMSRNWGQNWQSNNYLNQSLSFQVTT
DGR TITSNNV VPGNWQFGQTF TGGQF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-09

ATGGCAATAGTAGCAACCTCATT CATCTCTATTCTTTTCTTTGTTCTTAGCTTATGC
CTTAGAGGCACTTTTGGTGACTATGGAGGTGGATGGGAAAATGCCCATGCCACAT
TTTATGGTGGAGGAGATGCATCAGGCACAATGGGAGGGGCTTGTGGTTATGGAA
ATTTGTATAGCCAAGGCTATGGAACCAACACTGCTGCACTAAGCACTGCTCTTTT
CAACAATGGATTGAGTTGTGGGTCTTGCTACGAGATGAAATGTAACAGTGACCCT
AAATGGTGCCTTCCTGGTAGCATATTGGTACTGCTACAAACTTCTGCCCCCAA
CTTTGCAGAGTCTAATACCAATGGTGGATGGTGCAACCCTCCCCTTCAGCACTTG
ATCTTGCTGAGCCTGCTTTCTTACAAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCT
ATTTCTTCAGAAGAGTCCCCTGTATGAAGAAAGGAGGAATCAGATTCACAATAA
ATGGACACTCATACTTCAACTTGGTTTTGGTCACAAATGTTGGTGGAGCTGGAGA
TGTACATTCTGTGTCCATCAAGGGATCAAAGACTGGATGGCAAGCTATGTCTAGG
AACTGGGGGCAGAACTGGCAAAGCAATAACTATCTCAATGGTCAAAGCCTCTCAT
TCCAAGTCACTACAAGTGATGGTAGAACTATCACTAGCAACAACGTTGTGCCTGG
CAATTGGCAATTTGGACAGACATTTACAGGGGGACAATTTTAG

Nucleotide

>MtrEXPA-09

AAACATTTCCATGTGCACATATGAATAAGTTTTTTGTTGTTTTGGCTCTCTCTCTTT
AGACCCTAAGAAATGCTAACATGTCTCTTTCTATATCTTAGTCTTTAGTATCCCCA
ACCTATGCTTAACTATCCTATATAAAGCAAACCAACCTTAGCTAATGTATTAAGC
ACCACCAAGCACTAAAGCTACCTCTCCTATCTTAAAATCCTTTGCTACCCTAAACT
TCTCTAAGTAGTAACACACAATGGCAATAGTAGCAACCTCATTCATCTCTATTCTT
TTCTTTGTTCTTAGCTTATGCCTTAGAGGCACTTTTGGTGACTATGGAGGTGGATG

GGAAAATGCCCATGCCACATTTTATGGTGGAGGAGATGCATCAGGCACAATGGG
TAAGTTCAAATAAATACCTTAACCTTTTCACCTTTACATATAATATGTCTTAAAAGT
TACTCTCCATCTCATTCTATATGTAATTTTAAAAAATATATATTTGTTTCACA
TTTTAAAATTATTTGCAAATTTCTATCACAAGGGAATACAATTTACTACATATTTT
TTCAATAATATATTTATTTAAATTTTATGATCCTACATTTAATTAGTAAGCTTAG
CGCAACAAAACAAAAGACATTTTAGTCCCACCAGACATTTGTGATTCAACTTTTT
GTCGTTTCAATTCGTATAAAGTATATTTTCGGTTTTTGTGCTTTCTATTCGTACAAA
ATACTATTCCACTTATCTGGGTTTCTAATGAGATGTGATTATTTTCAGGAGGGGCTT
GTGGTTATGGAAATTTGTATAGCCAAGGCTATGGAACCAACACTGCTGCACTAAG
CACTGCTCTTTTCAACAATGGATTGAGTTGTGGGTCTTGCTACGAGATGAAATGT
AACAGTGACCCTAAATGGTGCCTTCCTGGTAGCATATTGGTTACTGCTACAACT
TCTGCCCCCAAACCTTTCAGAGTCTAATACCAATGGTGGATGGTGCAACCCTCC
CCTTCAGCACTTTGATCTTGCTGAGCCTGCTTTCTTACAAATTGCTCAATACAAAG
CTGGAATTGTTCTTATTTCTTTCAGAAGGTACATAAACCCCAAAAAAGAACTCA
ACACTACTTTCTGCCGAAGCATTAAACATAGACACGGATACTACTGAACACTATGC
TAACACGTAGATATTTATGATAATTTAAGAAAATATATAAGTAAGTGAATGTGAC
TACATGTATTTATATTAGACACTGATGTGTGTATGTTAGATATCAGACACGTTTTC
AATTTAAAATGTCGGTGGTACATAATTTTCTGTTAATGAAATATAGCAAAATTTA
AATCATATGTTCTCATATTTTTCTTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGTTCTCGT
ATTTTTCTTCTTCATAAGCTACTGCCATGTTCTAACATTTTTTTGTGGTTTTAAAC
AGAGTCCCCTGTATGAAGAAAGGAGGAATCAGATTCACAATAAATGGCACTCA
TACTTCAACTTGGTTTTTGGTCAAAATGTTGGTGGAGCTGGAGATGTACATTCTGT
GTCCATCAAGGGATCAAAGACTGGATGGCAAGCTATGTCTAGGAAGTGGGGGCA
GAACTGGCAAAGCAATAACTATCTCAATGGTCAAAGCCTCTCATTCCAAGTCACT
ACAAGTGATGGTAGAACTATCACTAGCAACAACGTTGTGCCTGGCAATTGGCAAT
TTGGACAGACATTTACAGGGGGACAATTTTAGTAACATAAGTTCCATTTCAAGCT
AAAAAAAAAAAAAAAAACTAGTGTGTGTGTAATATATTGCATTGCATTGTTTCCTTT
GTTTTAGTTGGAAAGTGTGAGGAAAAGAAAGGTAGATTAGGAGGAGTTCTGGCC
AAAATTTGGCCTCTAATGCTGTGGTAGCAATATGGCACCCGCTAGCTAGGCCTAG
TATAATATATAGTTTGTCTTTTGTTCATTAAGTAAAGTAATTAAGGTGATGGTG
ATCTCAACCCCCCTTGTATATTTGATCCCAACAATGGTACAACCAATTTGGGAAA
GTTTATCATATCAATTTGAGGATGAATTTTAATTTCAA