

## IDENTIFICATION

**Species:** *Solanum tuberosum*

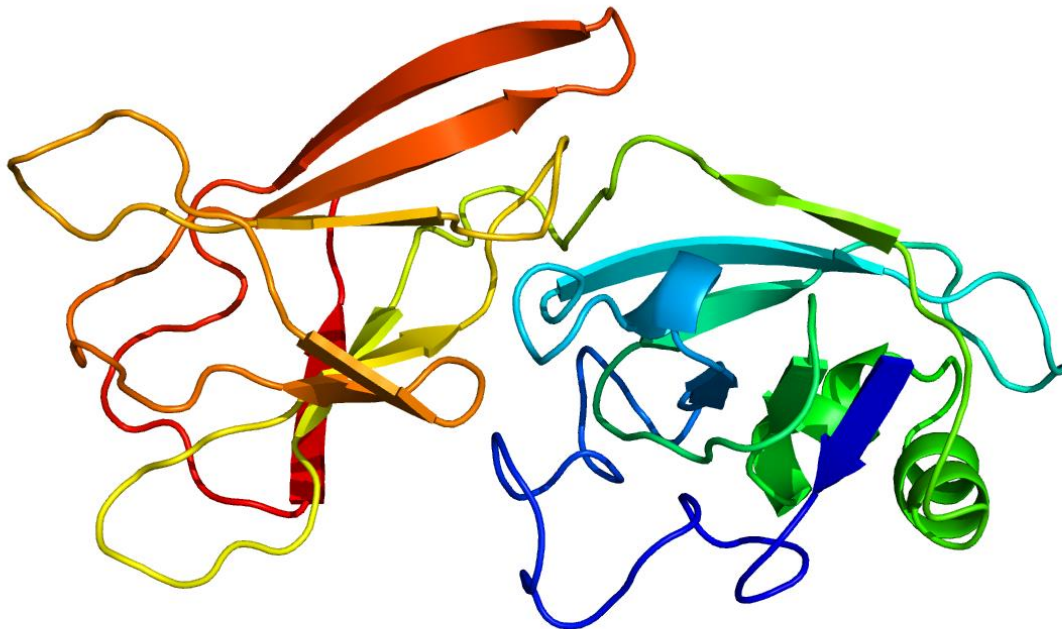
**Locus:** PGSC0003DMP400046206

**Gene Model:** PGSC0003DMP400046206

**Description:** StEXLB-01

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum\\_v4\\_03](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

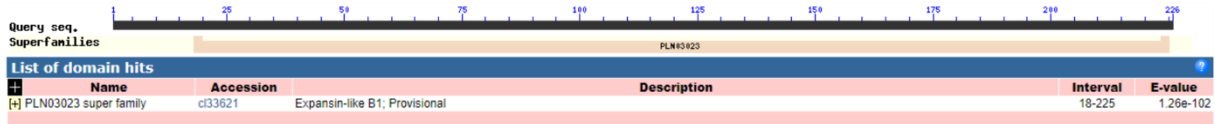
## EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>StEXLB-01

MQLRQTIIRPLFRGSCRSGACGYGDYGKDVNSGDVCTASKRLYKNGAACGTCYQVR  
CKDKDLCSDEGTKVVVTDNNEGEGHTDFILSSRGYAKMAKQPNAQHLFAKGVVEV  
EYRRVSCKYGGGNLMVKVQEHSKHPNYLAILVMNQGGATDILSVEVFQEETKEWIS  
MRRAYGAIFDLNPPSGELKVRFLTSAGAETKWVESDKAVIPA EWKAGITIEDIQLS\*

### CDS (coding sequence)

>StEXLB-01

ATGCAACTCAGACAGACGATAATTCGTCCTTTGTTTAGAGGTTTCATGCAGAAGTG  
GAGCATGTGGCTACGGAGACTATGGCAAAGATGTGAATAGTGGCGATGTTTGCA  
CAGCCTCCAAGCGCCTTTACAAAATGGAGCTGCCTGTGGAAGTTGCTACCAGGT  
AAGGTGCAAGGACAAGGATTTGTGCAGTGATGAGGGCACAAAAGTAGTTGTGAC  
TGATAATGGAGAAGGGCATGGAACAGACTTCATTCTAAGCTCCCGTGGCTATGCT  
AAAATGGCAAAGCAGCCTAATATGGCTCAGCACTTGTTTGCTAAAGGAGTGGTTG  
AAGTAGAATATCGTAGAGTTTCTTGCAAATATGGTGGAGGAAATCTCATGGTTAA  
AGTCCAAGAACATAGCAAGCACCTAACTACCTTGCTATTCTTGTTATGAACCAA  
GGTGGTGCCACTGACATTCTCTGTGCGAAGTCTTCCAGGAGGAAACAAAAGAAT  
GGATATCAATGAGGAGAGCTTATGGAGCTATATTCGACCTATCGAACCCACCAAG  
TGGTGAAGTTAAAGTGAGGTTCCCTCACAAGTGCTGGTGCTGAAACCAAATGGGTG  
GAGTCTGATAAGGCTGTAATCCCTGCTGAATGGAAAGCTGGGATCACTATTGAGA  
CAGATATTCAGCTCTCTTAA

### Nucleotide

>StEXLB-01

ATGCAACTCAGACAGACGATAATTCGTCCTTTGTTTAGAGGTTTCATGCAGAAGTA  
AGTTAATTTCTTTTTATGGTTCTCTAGATTACAACATGTTTAATTATAAGAGGTGA  
CCAAATATATCTATACACATAATTGAAATCGAGGTTTTTATTGTTGAATATTCATG  
AGTACAAATAATAACAATTGTGTTATTTCTTAGATTCTTCTCTTTGGATTTTTTTC  
GTAATTTGAGAGCTATTAGTAGCATGTTATCGAATGTAAGATGATTTGGACCTCC  
TTATATTTGATCATTAGGAATGTCAGACAATGACTTTTCTTTATATCTCTTGATGA  
AAAATCTGGAAGGAATAAACATCATATATTTGGTTCTTTCCAGGTTTAATTATTA  
GGATGTTCAATGAATGATTAGTGTAATTGTGTGTCATCAAGTTAATTTTGTTACTA

ACTTTTCTTTTCGTTTACATCTGGTTTCCACTATCCATAGTGGAAGTAGAAATGTGG  
CAGAAAACGTCGATATTACTATTTAGCGCACACCTATAAATTCATAGAAATTCCT  
CGTACAATATCACATTCACTACTTTTCTCATTGTAATATATATAATTCTATAACAC  
AAAAAAAATGGTTTTTCTCAAAAACACTTTTCTTTTCATTGTTTTGCTCTTGCCTTC  
ACTATGCTACAGCAATAATTATGTTTCAAGAGTTTCCTATTACAGCACCCCAGAT  
GGCATGGGGACACCAAGTATGCTCTTTTTTCACACCTTCCAAAATGTCAAATTTTAT  
TTAAATTTATGTGTTTTTTTTTTAATTTTCTCCCGTGTCTGAAGCCTACATTAGATC  
CCGGCTAAAGTTGGATTGCACACTACAAAGCCAATTTGGAAGTGACGCTTCCAAT  
AAGATTTTCTTCATACTCAGGACTCAAACCTCGAAATTCCTGATTAAGTCAATTTA  
AATTTATGTGTCATGATCTCCTAATTTTGTACATATATAGTTCCCTGCTTTTAACT  
AAAAGAATTAGATTACGTTGATCTCAAATTACATATATTAAGTTTTTCATGTGACT  
TCTCACTCCTCCAAGCCAAAACCTTTATTTCTAAATATTATCAACTTGATTAATATC  
ATGACTACTTTTCGAAACGACTCGTGTAACGTAATAAATAAAAAGTGTAGCTAA  
ATTCATGAATATATACTTTTTTTTTTTGTATACAATGGGTGTGCCAAGCCTGGGGCT  
GTACTAGTGCAATGCCTAAGCAACGCGCAAAGGCCGGATAGCAAGCTACCCTAA  
CGGACATTCTCCTTAAAAAAATGAGTTAATATAGTGCGTTCTGATAGTTTACATAT  
CAAATATTAACCTGATAAGAATATATGACATGTGTAATATCTAATTTTAAACATTT  
AACTGCTTATAATTTAAATCAGGTGGAGCATGTGGCTACGGAGACTATGGCAAAG  
ATGTGAATAGTGGCGATGTTTGCACAGCCTCCAAGCGCCTTTACAAAAATGGAGC  
TGCCTGTGGAACCTTGCTACCAGGTATTCTAGATCCTTGTTTCCTTCATAATTTGCA  
CCCAAAGAAAAGTCATATGTCATCAAGTCAAATGCACTTGAATTTAACTTATAT  
ATATATATATTATAGAAGTGTAATTAATTTGTTTACACTAAATATATATTTGTAGG  
GTATGTGAACAAAGTTTCATATTGATAGCTGAAAAAATTGAAAACTACATATAA  
CTGTAGGATCTTTTAATGGTGTGGACCTTTTGAGGAAAACCTGTGCAGACTTGACC  
CAAAATGGATAATATCACACCATGTTAAGACTTAAGAGTATCTTTTTTATTTAACC  
CAACATAACTTTTATAAAACTCAAATAAAAACAAATTATCTGATAGTGTAAAAAC  
TCATTACACCTTTAATGAAAATTAGTTAAAGTAGTCAAATACTGATTAACAAAA  
GTAAAATTTACAGGTAAGGTGCAAGGACAAGGATTTGTGCAGTGATGAGGGCAC  
AAAAGTAGTTGTGACTGATAATGGAGAAGGGCATGGAACAGACTTCATTCTAAG  
CTCCCGTGGCTATGCTAAAATGGCAAAGCAGCCTAATATGGCTCAGCACTTGTTT  
GCTAAAGGAGTGGTTGAAGTAGAATATCGTAGAGTTTCTTGCAAATATGGTGGAG  
GAAATCTCATGGTTAAAGTCCAAGAACATAGCAAGCACCCCTAACTACCTTGCTAT  
TCTTGTTATGAACCAAGGTGGTGCCACTGACATTCTCTCTGTCGAAGTCTTCCAGG  
TTCGTCTAAAAATACCCGAAGAAGTTAAATGAATTCACATCTACTGTAAACTAA  
AAATCCTGACGTCGCCTACTTTAAATATTTTGTGATGTTGGAAGCCTATCTTGGCA  
AACATGATTTACCACTATATGTTGATGCAGGAGGAAACAAAAGAATGGATATCA  
ATGAGGAGAGCTTATGGAGCTATATTCGACCTATCGAACCCACCAAGTGGTGAAC  
TTAAAGTGAGGTTCCCTACAAGTGTGGTGTGAAACCAAATGGGTGGAGTCTGA  
TAAGGCTGTAATCCCTGCTGAATGGAAAGCTGGGATCACTATTGAGACAGATATT  
CAGCTCTCTTAA