

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

Locus: Medtr5g011210

Gene Model: Medtr5g011210.1

Description: MtrEXPA-15

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

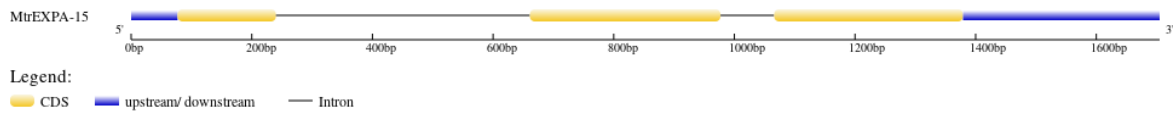
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

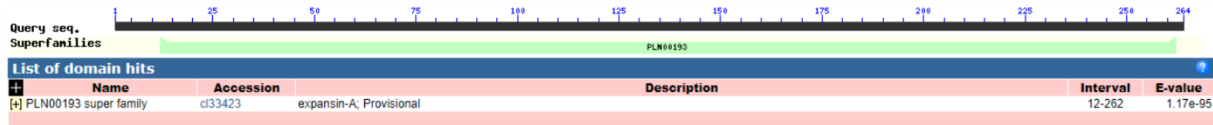
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-15

MTSILQGRCFILIA Y AMLFTLMGEQTV AV AIFRPSKWSLAHATFYGDETA SETMGGACGYGNLFQNGYGTDTVALSSTLFNNGYACGTCFQIKCYQSSACYRNVAF TTVTATNLCPPNWSKPSDNGGWCNPPRVHFDMAKPAFMKIAQWKAGIVPVMYRRVPCQRKGGIRFSFQNGYWLLVYVMNVGGGDMSSMMVKGSRTGWIKMSHNWGASYQAFATLGGQALSFR LTSYTTKETIIAWNVAPSNWNVGLTYSSRVNFH*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-15

ATGACATCCATTCTTCAAGGTCGTTGCTTCATATTGATTGCTTATGCAATGTTGTTCACTTTGATGGGAGAACAAACAGTAGCTGTGGCAATATTTAGACCCAGTAAATGGTCTCTTGCTCATGCCACCTTTTATGGAGATGAAACTGCTTCTGAAACCATGGGAGGAGCATGTGGATATGGAACTTGTTTCAGAATGGTTACGGGACAGATACGGTGGCTTTAAGCTCGACATTGTTCAACAATGGTTATGCGTGCGGGACATGTTTCCAGATTA AATGCTACCAATCAAGTGCATGTTATAGAAATGTGGCCTTCACCACTGTCCTGTCACCAATCTTTGCCCTCCTAATTGGTCCAACCCCTCTGATAATGGTGGATGGTGTAACCCACCACGAGTTCATTTTGACATGGCCAAGCCTGCTTTCATGAAAATTGCACAGTGGAAGCTGGTATCGTCCCTGTCATGTACCGCAGGGTGCCATGCCAAAGAAAGGGAGGGATTTCGATTTTCTTTCCAAGGAAACGGGTA CTGGCTATTGGTGTATGTGATGAACGTCGGAGGTGGAGGAGATATGTCGAGCATGATGGTGAAAGGAAGCAGAACAGGATGGATTAAGATGAGCCATAACTGGGGTGCTTCTACCAAGCATTGCAACACTAGGTGGTCAAGCTCTTTCTTTCAAGGCTTACTTCATACACCACTAAGGAGACTATTATTGCATGGAATGTTGCTCCTTCCAATTGGAACGTGGGACTCACTTATTCTAGTAGGGTCAACTTCCACTGA

Nucleotide

>MtrEXPA-15

CTCAATGAGCATCGAATTGCAATCTTTGTAATACAAAGATAACTAATTAAGCTATTAGTTGTGAAAAGAAATTGACCATGACATCCATTCTTCAAGGTCGTTGCTTCATATGATTGCTTATGCAATGTTGTTCACTTTGATGGGAGAACAAACAGTAGCTGTGGCAATATTTAGACCCAGTAAATGGTCTCTTGCTCATGCCACCTTTTATGGAGATGAAACTGCTTCTGAAACCATGGGTATATACATACATTTATATGTTATCTCAATTATCAT

TACTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGGACTCAATTATCATTACTTCTCACTTTGCTTAAA
CCATTTCAATATTAATTCAGCTTAAAAAGTTCAACATTAATTCATATTAGTGTTGA
ATTTTAATTAATATGCACTGTCTGTAAAGGTTTATCATGTTATCATAACTAGCTTA
AGAGTCACGTTATTTTCAACTAAAAAATAAAACTTAAGAGTCACACATATTATA
TGATTAGCTGCGATTGTTTCAAAGTTTAAAAACATGTACACCTATGATCATGATAT
GTCAAATTAAACTCTATTAATGTTAAATTAAACTAGTTTTACTTAGTATCAATAT
TTGATATATGTTTTTTTTTTGTTATGAATATGTGTGGTTAAAACTATAGGAGGAGCA
TGTGGATATGGAACTTGTTTCAGAATGGTTACGGGACAGATACGGTGGCTTTAA
GCTCGACATTGTTCAACAATGGTTATGCGTGCGGGACATGTTTCCAGATTAAATG
CTACCAATCAAGTGCATGTTATAGAAATGTGGCCTTCACCACTGTCCTGCCACC
AATCTTTGCCCTCCTAATTGGTCCAAACCCTCTGATAATGGTGGATGGTGTAAACC
ACCACGAGTTCATTTTGACATGGCCAAGCCTGCTTTCATGAAAATTGCACAGTGG
AAAGCTGGTATCGTCCCTGTCATGTACCGCAGGTAAATTCACAATGCTCGTTTAA
ACTTTCCTTAGTATAAAATAATCAGCATTTTACTTAAAATAACGGTTCCTTGATGGT
TAATTTATAGGGTGCCATGCCAAAGAAAGGGAGGGATTTCGATTTTCTTTCCAAGG
AAACGGGTACTGGCTATTGGTGTATGTGATGAACGTCGGAGGTGGAGGAGATAT
GTCGAGCATGATGGTGAAAGGAAGCAGAACAGGATGGATTAAGATGAGCCATAA
CTGGGGTGCTTCCTACCAAGCATTTGCAACACTAGGTGGTCAAGCTCTTTCTTTCA
GGCTTACTTCATACACCACTAAGGAGACTATTATTGCATGGAATGTTGCTCCTTCC
AATTGGAACGTGGGACTCACTTATTCTAGTAGGGTCAACTTCCACTGAAGAATTC
ATGGCATGCCACAACTTTGTGACCGGCCAATCTGTTTTATAATACTACCAACT
ACAACACTTTTGTATTAGCCTTCTAGGTTTTATAAGTAAATAAGTACTGCATCTGC
ATGAAACTTTCACAAGCTCAGTAGGTGCTTATTGCTAATGCAAAGAACTGCCAC
CTTTTTGTTGGTATAGCAAACCTTTAAATGTAACGCGTACCCCTGTAGTCAACTTG
ATATTTCCACAAGGTTGACACTTTTCAAATTTGAGTTTATACTATAAATCAAAGTA
CTTATCACAAAAGAAAATTCTAAGTGTTATTATTGCTACA