

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

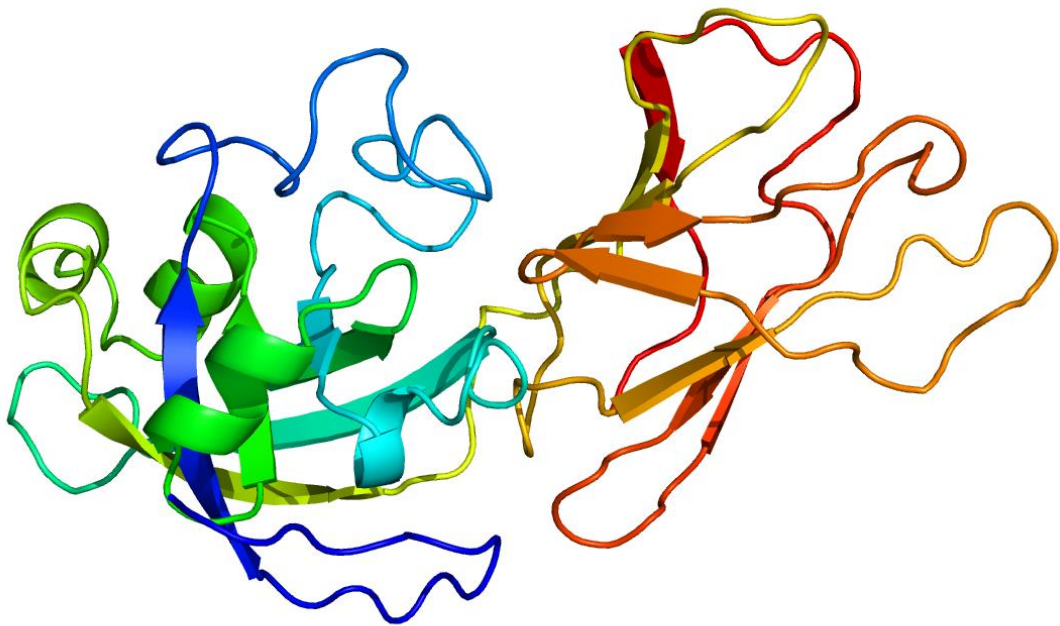
Locus: CsGy3G007410

Gene Model: CsGy3G007410.1

Description: CsEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

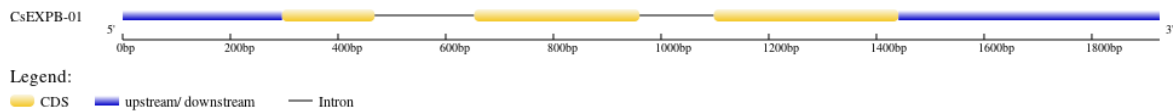
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

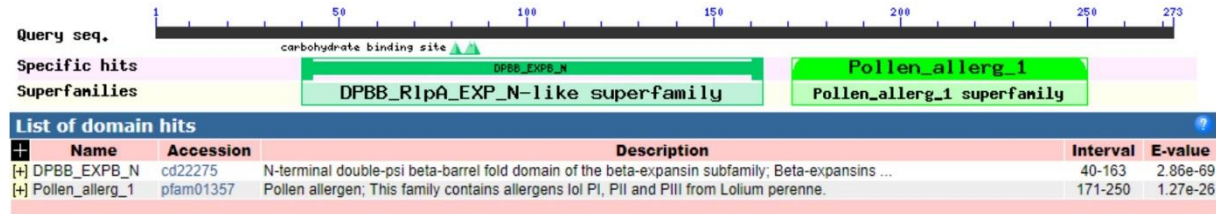
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXPB-01

MTHFLFFAALIISLSLAPPSFCFHPKSFNVSKYQSDSDWSPA V ATWYGPDPGAGSDG
GSCGYGKAVEQPPFSSFIAAGGPSLYKYGQACGACYQVKCSGEGACSGNPVTVVITD
SCPGGSCASDSVHFDLSGTAFGAMAATGRAEELRSLGLVLIHQHKRVECNYPGTSINFI
VDSGSNSNYFAALIEYEDGDGELGSVELKQGA V DSNVWIPMKQSWGAVWKLDSGSA
LQAPFSLRLTALDSGKT V VANNVIPAGWQAGKSYRSV V NFDPLK

CDS (coding sequence)

>CsEXPB-01

ATGACACATTTTCTTTTCTTTGCTGCCCTTATCATCTCTCTTTTCACTTGCCCCCCT
TCCTTTTGCTTCCATCCCAAATCCTTTAACGTCTCCAAGTATCAGTCCGATGACTC
TGATTGGTCCCCCGCCGTCGCCACTTGGTACGGTCCTCCTGATGGTGCTGGGAGT
GATGGAGGCTCATGTGGGTATGGAAAAGCGGTGGAGCAACCGCCATTTTCGTCGT
TTATTGCGGCGGGAGGCCCTTCTTTGTACAAATATGGCCAAGCCTGTGGAGCTTG
TTATCAGGTGAAATGCTCTGGAGAAGGCGCATGCTCAGGGAATCCAGTGACAGT
GGTTATAACTGATAGTTGTCCCGGTGGATCCTGTGCTTCCGACTCCGTCCACTTTG
ACCTAAGTGGCACTGCTTTTGGTGCTATGGCTGCTACTGGTCGGGCAGAAGAACT
ACGCAGTCTCGGTGTTTTGCACATTCAACATAAAAGGGTGGAATGCAATTATCCA
GGAACGTCGATCAATTTTCATCGTTGACTCGGGGTCGAACTCGAACTATTTTGCAG
CTCTGATCGAGTATGAGGATGGAGATGGGGAAGTGGTTCAGTGGAGCTGAAAC
AGGGGGCCGTGGACTCAAATCATGGATTCCAATGAAGCAGTCATGGGGTGCAAG
TTTGGAAAGCTGGACTCCGGCTCAGCACTTCAAGCACCCCTTCTCCCTCAGGCTTACT
GCCCTCGACTCCGGCAAGACTGTGGTTGCTAACAACGTAATTCAGCTGGGTGGC
AAGCAGGGAAGAGTTATAGATCAGTAGTCAACTTTGATCCACTTAAATAA

Nucleotide

>CsEXPB-01

TTTTTTTTTTTTTAATAAAAATGATCAAACGGACATCACCCGCCGAAAAGGTTG
GCTTGTATTGTTGCCTAAGAAAATATATATATATACAAACTCCCATGATGCATGG

GCATAAAGTGAAGAAATATATAATAATAAGCAAAGTAATTGATGAGGAAGGTA
TAGTTGGAAAGGGAGGGGATGAGGAAGTCTATAAATAGGCCAAACTCTTAACCC
ATTGAGAACCCACACACATAGTCACATACACTCCACAGACTAATTAAGTTTGCAC
ACACCATATCTTTAAGTAAAATAATGACACATTTTCTTTTCTTTGCTGCCCTTATC
ATCTCTCTTTCACCTTGCCCCCCTTCTTTTGTTCATCCCAAATCCTTTAACGTC
TCCAAGTATCAGTCCGATGACTCTGATTGGTCCCCCGCCGTCGCCACTTGGTACG
GTCCTCCTGATGGTGCTGGGAGTGATGGTACTATACCTAGCTACTATATATATTGC
ACTTAATTACTATATATCATCACTTGTCACTACTTTTATTTTATGCCAACCTTTAAT
TAAAAAATTAATATCATCTTAATTAATCTCACTTCATCCAAGTGCATATATGTGTG
TGTGTGTGTGATTGTTATTGTTATTTTTATTTTTATTTATAGGAGGCTCATGTGGG
TATGGAAAAGCGGTGGAGCAACCGCCATTTTCGTCGTTTATTGCGGCGGGAGGCC
CTTCTTTGTACAAATATGGCCAAGCCTGTGGAGCTTGTATCAGGTGAAATGCTCT
GGAGAAGGCGCATGCTCAGGGAATCCAGTGACAGTGGTTATAACTGATAGTTGCT
CCGGTGGATCCTGTGCTTCCGACTCCGTCCACTTTGACCTAAGTGGCACTGCTTTT
GGTGCTATGGCTGCTACTGGTCGGGCAGAAGAACTACGCAGTCTCGGTGTTTTGC
ACATTCAACATAAAAAGGTAATTAAGTACACAAAAGTTAATTTTATTTAGCAAT
ATTTTATTTTATTGATAAATTAGATTACTTTTTCTGCTTTGGTACTATGTTGTGTT
AAATAAAGTAGTCTTATATATATTTATATATCTGGCTGGTAGGGTGGAAATGCAAT
TATCCAGGAACGTCGATCAATTCATCGTTGACTCGGGGTCGAACTCGAACTATT
TTGCAGCTCTGATCGAGTATGAGGATGGAGATGGGGAACTTGGTTCAGTGGAGCT
GAAACAGGGGGCCGTGGACTCAAACCTCATGGATTCCAATGAAGCAGTCATGGGG
TGCAGTTTGGAAAGCTGGACTCCGGCTCAGCACTTCAAGCACCTTCTCCCTCAGG
CTTACTGCCCTCGACTCCGGCAAGACTGTGGTTGCTAACAACGTAATTCAGCTG
GGTGGCAAGCAGGGAAGAGTTATAGATCAGTAGTCAACTTTGATCCACTTAAATA
ATTAGTTAAAAAAATTAATATAATAATTAATTAAGAGAGTTTTAATTATATAAGT
AATTAATTAGGAGATCGGGTGGAGGTGGAGCTCCGTTGTTACTTGTAGTAACAG
CAGAGAGCAGTACAACCAGTTATAGTAATAGTAGTAATATAGTATATGAGAGTAT
GAGAAAGAGAAGTTAATTAATCTAAATATATAGGATCCATAAGTAATATATATGC
AATGAACCGAAGGTCAACTTAAATCGGTTGAGATTAAGACTTTCTGGGTTTGTG
ACGTTATGGTTGAATTTGCATGCATAATTTTATATCAAATAAATACTCTCCTAAT
GCTATAATTGTTGTGTTATATGTATTTATAATTTATATATTCCATTTACCTTATTA
ACTTTAACAATACACATTTTAATTAGGTTATGTTGTGACCAGCCACATGCCAAA
ATCATAAACCATGTTGCATGTACAACCTATAATTTAATTTGAC