

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

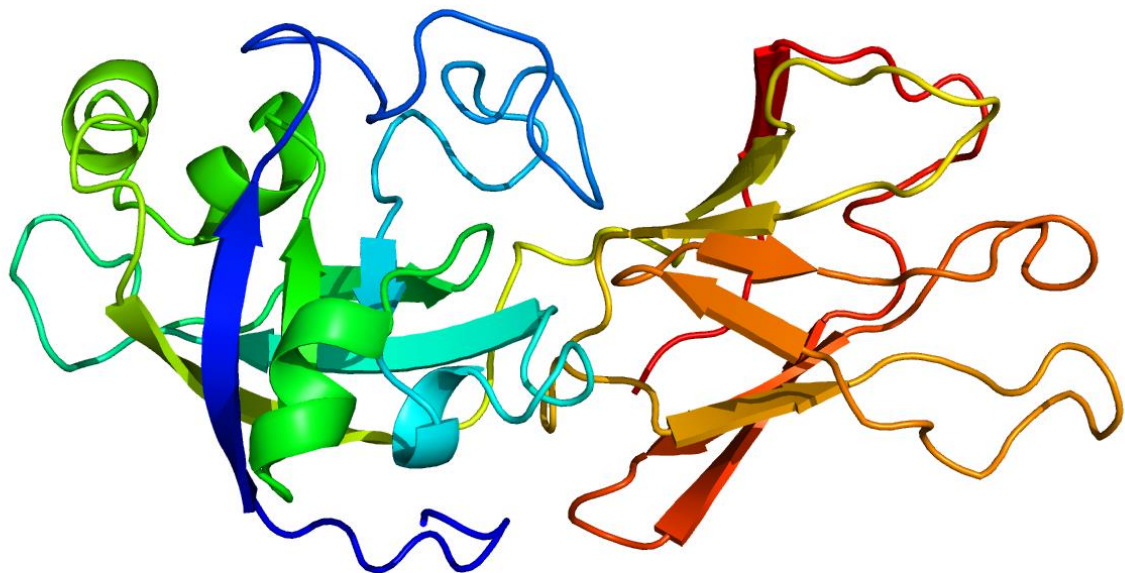
**Locus:** Ca\_25510

**Gene Model:** Ca\_25510

**Description:** CarEXPB-04

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

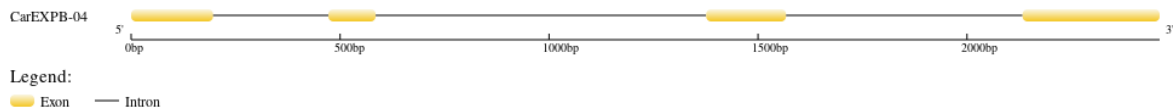
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

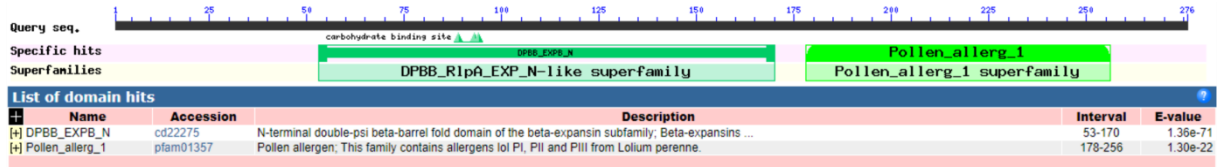
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPB-04

MTYTLGRAFSHILILIGSLILFLVTPSSCFNPRKLVNVSSYSSSDSDWSPSMATWYGPP  
NGDGSEGGACGYGNAVVGQPPFSSMISAGSPLIYDSGKGCSCYEVKCTGNYACSGNP  
VNVVITDECGGCGSDAQYHFDMSGSAFGSMAISGQDEELRNAGKIVIEHRRVECNYP  
GMSLAFNVDSGSNQEYFATMIKYENGDGDLKVEIQEGIDSSSWDTMQQSWGAVV  
KFDKGSPLRAPFSIRLTTLKSGKTVAKNVIPAGWKPGHTYRSIVNF\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPB-04

ATGACTTATACTTGGACGTGCATTCTCTCATATTCTCATCCTTATAGGTTCACT  
CTTAATATTTCTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTCAATCCAAGGAAGCTTGTTAATG  
TTTCTTCATACTCCTCATCTGATTGAGATTGGTCACCTTCAATGGCCACTTGGTAT  
GGACCTCCCAACGGTGATGGAAGTGAAGGTGGTGCTTGTGGATATGGAAATGCT  
GTTGGGCAACCACCATTCTCTTCAATGATATCCGCCGGAAGCCCTCTCATCTATGA  
CTCGGGTAAAGGCTGTGGTTCATGCTATGAGGTGAAGTGCACAGGAAATTATGCC  
TGCTCTGGAAATCCTGTAAATGTAGTTATCACTGATGAGTGTGGTGGCTGTGGCT  
CAGATGCCCAATATCATTTTGATATGAGTGGTAGTGCTTTTGGTTCCATGGCAATT  
TCAGGTCAAGATGAAGAGCTACGAAACGCTGGGAAAATAGTCATTGAACATAGA  
AGAGTAGAATGCAACTACCCTGGTATGTCATTAGCTTTCAATGTGGACTCTGGAT  
CCAACCAAGAATATTTTGCTACCATGATTAATATGAGAATGGGGATGGTGTATCT  
TGACAAAGTTGAAATCCAGGAAGGAATTGACTCATCCTCTTGGGATAACAATGCAA  
CAATCATGGGGTGCTGTTTGGAAATTTGATAAAGGGTCACCACTTAGAGCACCAT  
TTTCTATTAGGCTAACCACACTTAAGTCTGGGAAGACAGTTGTGGCAAAGAATGT  
GATCCCTGCAGGTTGGAAGCCTGGTCACACTTATAGATCAATTGTGAATTTCTAA

### Nucleotide

>CarEXPB-04

ATGACTTATACTTGGACGTGCATTCTCTCATATTCTCATCCTTATAGGTTCACT  
CTTAATATTTCTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTCAATCCAAGGAAGCTTGTTAATG  
TTTCTTCATACTCCTCATCTGATTGAGATTGGTCACCTTCAATGGCCACTTGGTAT

GGACCTCCCAACGGTGATGGAAGTGAAGGTATATATTAATTTGAATATTAATTTTC  
ATGTAGTATTAATTTCCATGGTAAGGATTGTCTAATATAGACTAGCTTCAAACGTC  
ACCCACTATTCTTAATAAAAATATATATTTTTTTTTTTACTCACTATAAAAATATATTAT  
AAACATCACTCACACTATTTTTATGTCTAAGGGTCCACCTTAGATATGAGAGGTT  
TATATTACACAGACCCATCAAATAAAACCTTACTACTTAAATTATTGTGGAAAAA  
GTTGAATGACTATAATTATGTATAGGTGGTGGCTTGTGGATATGGAAATGCTGTTG  
GGCAACCACCATTCTCTTCAATGATATCCGCCGGAAGCCCTCTCATCTATGACTCG  
GGTAAAGGCTGTGGTTCATGCTATGAGGTGCTAACAACTTACTACCTTCATCTCTA  
ATATGACTCCAATATAACTCTCAAGACTAAATTACGAAAAATAAAAATAATGTATT  
GTAAATTAATTTGTTTACAATTTTGAAGTATTTTATTAGTTTTAGCTTTGCAGAG  
AGAGAGAGAGAGAATTTGCTTATATTTTTATGGTAATATTTATTAATATTTTAGA  
AAAAAGATGTATAATAATTAGAAGTATATTAAAAAATAAATAATTAATGTCTTTG  
AAAAATTAATGAATTTTCAATTAAGAGATAAGGAATTTTTTATTATAAGTTC  
TTATATTTAACATATGTTTACTTTAGAGACATCCGTTATAATACATTGTATTAACA  
TATAATGTGTTACATTTTTATTAATGGTAGTAACAGTATTGCCTTAATAATATAGT  
TATATATACTGCACAAGAGTTGAGTCAAAAAATAACATTCTACGCATGAGTTCTA  
AAATTACCACAATCCCTCTCTTTTTAAATATTATTATACAAAAGTCTTAGTTTT  
ATTTGTTGTTTTTAAAGTTAACTAGTATCAACTTATTTTCGTTACAAATATCTCTCAT  
TATTTATTGTATAGAGAGAAATAAATTGGTTGTGATATTAATAGTTAAAAATAT  
ATATATTATAAGCAAAAAATAAATAATTTTATCAAAAATAGAAAAATTTAATTAT  
TTATTTAGTATGTGTAAATAATCATAAAATGACAATTAAGAACCTATGTAATA  
TTAATTAATGCAAATTTGAATTTTATTTTGTTCAAATTCAGGTGAAGTGCACAGGA  
AATTATGCCTGCTCTGGAAATCCTGTAAATGTAGTTATCACTGATGAGTGTGGTG  
GCTGTGGCTCAGATGCCCAATATCATTTTGATATGAGTGGTAGTGCTTTTGGTTC  
ATGGCAATTTTCAGGTCAAGATGAAGAGCTACGAAACGCTGGGAAAATAGTCATT  
GAACATAGAAGGTGGGTTCTAAGCAATATTTCTAATTAATTCTACTATGTTGTCA  
AGTAAATGCTATTCCTTTGAGAGAAAAATTCTTTAATTTTGAATTAAGATATTG  
AAATATTTTAAAAAATTTGACAATTCAAATGTTTTAATTAAACTCATTTAATTTAT  
AATTTTTTTTTGTTTCGATTACGGTAATTAATAATTTTACGTTTTTAAATTTTTATATGT  
TTGGATAAAGTAACTAAATAAAAATTTATGTTGAGTTGGGATATTTTTATGAATTT  
CACAAGTTGAGGTAAAAGTACATATAGCAAACAAAAGTGATCCAAATTTCTTTTA  
AGATATAGCCAAGTTTAAAATTTTGAATGTTTATGACCAATCTACAAACATTGA  
AAAACACAAATGTTTATGACCTTATAAAATTTCTCCCATGTAAACATATTAAGAAA  
GTTTTCAACTTATTTGACTTTTAATCTATGGATTTTTGACCGATGTGGTTTTTACGT  
TTTTTATCCATATTTTAAACATATTATTTACATTATTGCAATTATTAATAATGCAAGA  
GATTTTTTTTTTTTATGTAGAGTAGAATGCAACTACCCTGGTATGTCATTAGCTTTC  
AATGTGGACTCTGGATCCAACCAAGAATATTTTGTACCATGATTAATATGAGA  
ATGGGGATGGTGATCTTGACAAAGTTGAAATCCAGGAAGGAATTGACTCATCCTC  
TTGGGATACAATGCAACAATCATGGGGTGTGTTTGGAAATTTGATAAAGGGTCA  
CCACTTAGAGCACCATTTTCTATTAGGCTAACCACTTAAGTCTGGGAAGACAG  
TTGTGGCAAAGAATGTGATCCCTGCAGGTTGGAAGCCTGGTCACACTTATAGATC  
AATTGTGAATTTCTAA