

## IDENTIFICATION

**Species:** *Asparagus officinalis*

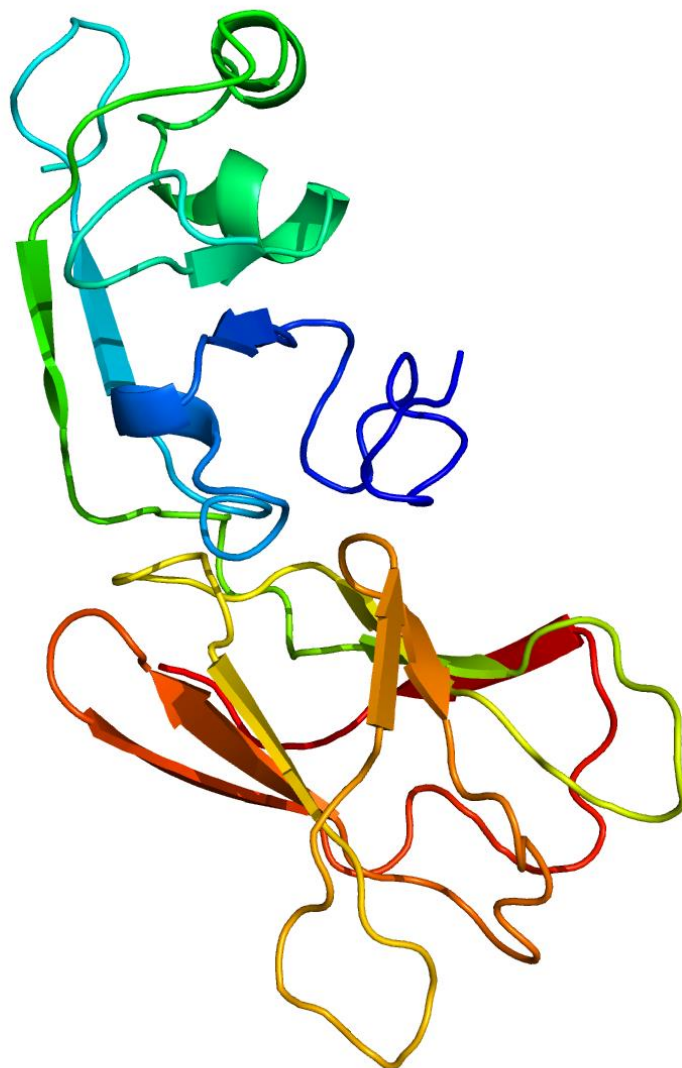
**Locus:** evm.model.AsparagusV1\_04.3450

**Gene Model:** evm.model.AsparagusV1\_04.3450

**Description:** AofEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

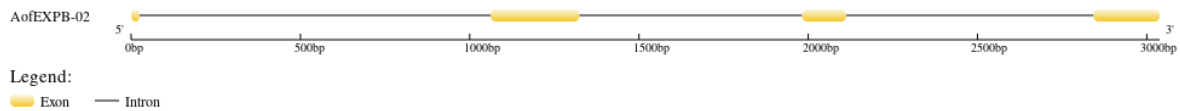
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis\\_V1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis_V1_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05243>

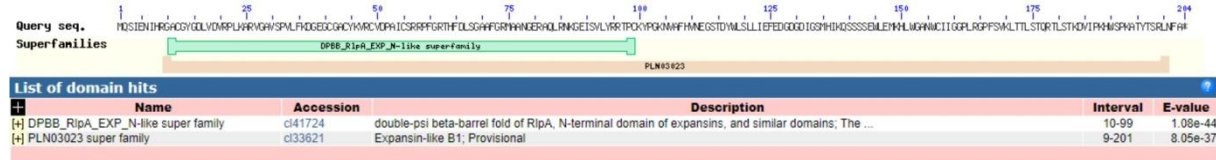
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AofEXPB-02

MQSIENIHRGACGYGDLVDVRPLKARVGAVSPVLFKDGEGCGACYKVRCVDPAICSRRPFGRTHFDLSGAAFGRMAANGERAQLRNKGEISVLYRRTPCCKYPGKNVAFHVNEGSTDYWLSLLIEFEDGDGDIGSMHIKQSSSSEWLEMKHLWGANWCIIGGPLRGPFVSVKLTTLSTQRTLSTKDVIPKHWSPKATYTSRLNFA\*

### CDS (coding sequence)

>AofEXPB-02

ATGCAGTCAATCGAAAATATCCACAGGGGGGCCTGCGGCTACGGCGATCTCGTG  
GACGTTGCCCCCTAAAGGCTCGCGTGGGCGCAGTGAGCCCGGTGCTGTTCAAGG  
ACGGGGAAGGCTGTGGGGCCTGCTACAAGGTCAGGTGTGTGGACCCCGCAATCT  
GCTCACGGCGGCCGTTTGGTAGGACCCACTTCGATCTAAGTGGGGCCGCTTCGG  
GCGGATGGCCGCTAACGGCGAACGGGCCAGCTCCGTAACAAAGGGGAGATCTC  
CGTTCTGTACCGAAGGACACCCTGCAAATATCCTGGAAAGAATGTTGCTTTTCAT  
GTGAACGAAGGTCGACAGACTACTGGCTTTCACTTTTGATCGAGTTTGAGGATG  
GTGATGGAGACATTGGATCTATGCACATCAAACAATCAAGTTCTAGTGAATGGCT  
AGAGATGAAGCATCTATGGGGAGCAAATTGGTGCATAATTGGGGGACCCCTCAG  
GGGTCCCTTCTCGGTGAAGCTCACCACGTTGTCCACGCAAAGGACTCTCTCCACA  
AAAGATGTGATCCCAAAGCATTGGTCTCCAAAAGCCACCTACACCTCTCGCCTCA  
ACTTCGCATGA

### Nucleotide

>AofEXPB-02

ATGCAGTCAATCGAAAATATCCACAGTATCCCTGCCAAAACGCCCCCTCACCAA  
ACACCAGCACCACCGCGCTCGGGGCCATTTTCGTCCGGCAAACCTCCCGTT  
AGAATTGACCGCCCAACGAACCTAACCGTTGTCTCTCGTATACCCGTTTATACCTT  
AAATACATCATCTCAAACAATCATCAACAAATAAGAATTTGTTATTACTCAAACA  
AGAGATATTGTAAGATCAATGTACTAACAAGAACAACCAGAACAAGTGCAGGTT  
TTAAGCTTTAGGATAAAATAATTCTTTAATTGCTTGAAACAATTTGTAATGGGTT  
GTATCAAGAATGAATCATTACAATGTTCTTCTGCGATCCTGCAACTTGAAGCAAG  
ATGGCAAACCTGGATAATCTCCCATAGCATAATGACACAAATAGACACCATCATT

CATTATAATCAAAGTAACAAGGAATTCCAACCTTCTAGACGTGGTACGGGAGCCCC  
GAAGGCGACGGCAGCGACGGTGAGCCAGCTGCATGTGAAAATTATTTAAGTGCC  
TAGCCGGCTAAAACGAAATTATAATCTACGATCAAATTTAGCTTGATTTGCTTGA  
TTCTAGTTGTTCAACTTGTTAAGTAGGCTAATTCCTGGGGAAAAAATATTGGTGT  
TAATATTTTCGTTTATTTATTTATTTATTTATTGCTTTATTATTGTCCTGCTGGCGAT  
TTATGTTTCTTGAATTGTGTAGCGATTTGCTAGCGGGGGGGTGCAGTAAAAGC  
TGCACTGGTTAAGTTTAATAAATCACTCACGCGCGCAATAGATTTTCTAGCCGTTG  
CGGAATTCACCCGATCACATGCTTCGGCGTGAACAGCAAACAGCGAATAACTAA  
CATCCTCGTAGCCCGTGCAGTCTGTTCCGCTGCCACGCGTAATCTGTCACATTGCA  
CAGCACCCTTTACTAAAATCTACGATCAGATTTATGGGAAAATTTCTTCAAATAA  
TAAATTGTTCTGTCGTTTGATAGCTTTTTTCGCATATTAACCCCTGTGGTTTTACAA  
TTTAATTAGGGGGGGCCTGCGGCTACGGCGATCTCGTGGACGTTCCGCCCTAAA  
GGCTCGCGTGGGCGCAGTGAGCCCGGTGCTGTTCAAGGACGGGGAAAGGCTGTGG  
GGCCTGCTACAAGGTCAGGTGTGTGGACCCCGCAATCTGCTCACGGCGGCCGTTT  
GGTAGGACCCACTTCGATCTAAGTGGGGCCGCCTTCGGGCGGATGGCCGCTAACG  
GCGAACGGGCCAGCTCCGTAACAAAGGGGAGATCTCCGTTCTGTACCGAAGGT  
AAATCTCCGTAATAATAATAGTTACTAATTAGTTAATTTTTATCGTCTTAATTAC  
TACTGTCTTATATATGTTTCCATGCATCCTAGCTCTGCTCTTTTTGACCGACACGTC  
CAAATGTTCTTCTAGCTATACAAAAGTATACTATTTTTAATCCCATGCAACCTTT  
TTCTGGTACATGTGAATAATTTATAAATTAAGGATATAATTTACCAAAGAAATAT  
ATAGTAGAATGAGCTATCAAGAGATATAGGCTTCGATGTACGCACCTTCAGATGT  
GAGTAGTAGAACAAGCATAAACAACAGTCTATATCTATATTTAATTATTTCTACTT  
TAATTTGTTGTTTCTACTAGATTACCGCCTTTAAGAATAATATGCAAGCTATATT  
TTATTGTGAATTATTTCTTGAAAAGAGAAATTAATTTGATGTACACATGTAATCGT  
AAAATGAAGGAGTTGTAGCTATAAATACACGAATACAGGTTTTTTATTTATAAAT  
TAAAAATGTAAGTTGAAGCTACAATTTTCCCGCACCAAACAATCATAAGTCATAG  
CATACAAATTGAAGTACAAAAAACTCTGATCTAAGGACATCTTAATTAGCAAATT  
ATAACTAGATTATTTTTGTGAGATACTTTTTCTTTAATTTGCAGGACACCCTGCAA  
ATATCCTGGAAAGAATGTTGCTTTTCATGTGAACGAAGGGTCGACAGACTACTGG  
CTTTCACTTTTGATCGAGTTTGAGGATGGTGTGATGGAGACATTGGATCTATGCACAT  
CAAACAAGTATGCACATATATATTTCTTCAATTTTAATTTTACATTTATTCTTTTTC  
TGCCGCAAGCTGTACGTATAAGTTTCGAATAATTTACCCTTCCTAATATTTTCATA  
TATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCATGCAAGCTGTATTAATAAAAAGCATGCAATAGG  
TAGAGTGATTGATCTTTTATTGCTATGAATTGAACCTTATGACCACAAGTTGGGTG  
GCTAGCAAATGAGAGCTTATTTTATGACCTGTAGTCACATGATATCGGGCCATGT  
TCACGTGCCAACATGCTCAATGCCGCAATATCCTTAATTTCTCATTAAATTAATTAC  
AATTAGAAGAACCACATACATAATATATGCTCAAAAAAGGAAATCCAACATG  
CACTTTTATAGGATTTTTCTTGTCCAAAGGATAAGATATGCACAGTGGCCACATG  
CTTATAAAAGAGCCATATATACACTCCATAGTTTTAGAAATGGGAAAAAAAAGGT  
CAGAATCAAACACTAACATGCAAACCTTTGAATGGGGGTGTGGATGTATACTTCATC  
TGCATGCTTAATTGGTATAGTTACATGATCATGGTTTGAGTATATTGCTCGAAATC  
TCAATAAGCGCTGCTGCGGTACATATAACGAAGAGATCGATAACTTTGTTTCGAG  
ATCGAGTGGCCAGACTCTTAATTAACAGCAAGGTTAATTGTGAAATTATTAATTT  
GTTGAAATTATAATTGCAGTCAAGTTCTAGTGAATGGCTAGAGATGAAGCATCTA  
TGGGGAGCAAATTGGTGCATAATTGGGGGACCCCTCAGGGGTCCCTTCTCGGTGA  
AGCTCACACGTTGTCCACGCAAAGGACTCTCTCCACAAAAGATGTGATCCCAA  
GCATTGGTCTCAAAGGCCACCTACACCTCTCGCCTCAACTTCGCATGA