

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana glauca*

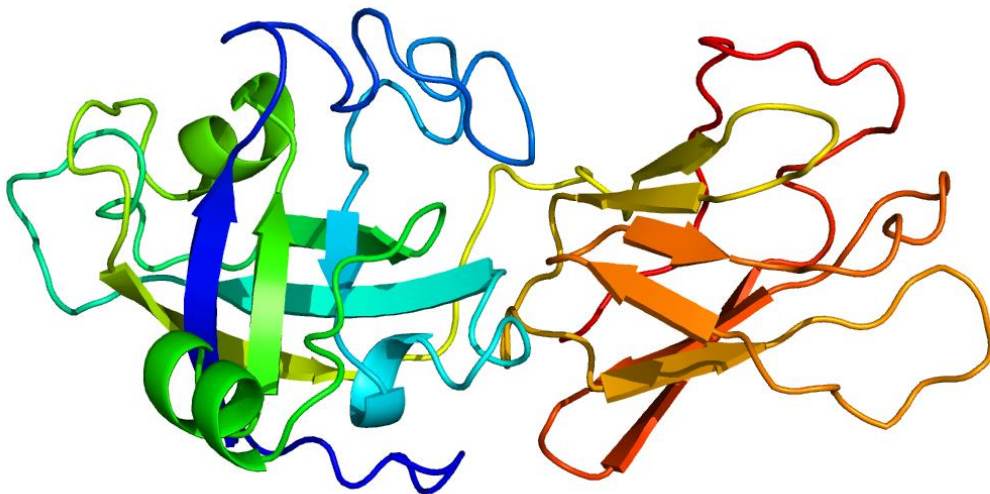
Locus: XP_009789502

Gene Model: XP_009789502.1

Description: NsEXPA-28

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

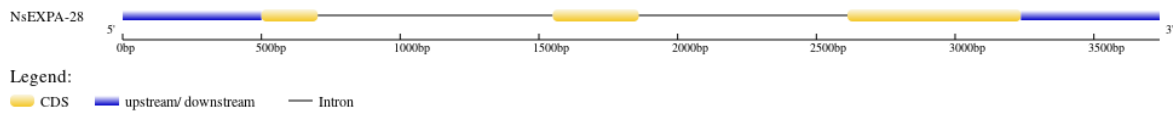
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20glauca>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

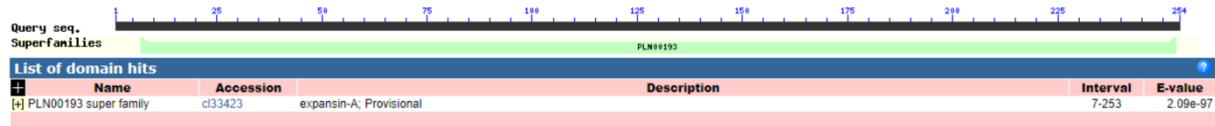
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-28

MEKLVPCLSICGFVLLFTCLFIEEINGQNLNNGRATFYGVNQDPSTFGGACGYDNPY
HAGFGVNTAALSSALFRNGEACGACYTVRCNRKLDKRWCLPHGAVTVTATNFCPPN
NHGGWCDAPRQHFDMSMPAFLRIARQGNIGVPILYKRVSCRRRGGVRFTLKGQAN
FNMVMISNIGGSGDIKSVWIRGSRTKSWLAMRYRNWGVNWQSRIDLRSQLSFRLTLV
DGKTMEFLSVVPSSWKFGQTFASRRQFY

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-28

ATCATCACTTCGATTCCAAGAAATCTTCACATTCTTGTATCTTTTTGAGATTTTCA
AGGTTATGGAGAACTTGTTCCCTTGTCTTTTCGATTTGTGGGTTTGTTTTGTGTTTA
CTTGTTTGTTTATTGAGGAGATCAACGGTCAAATTGGCTTAATGGTCGCGCAAC
TTTTTATGGTGTTAATCAAGATCCTAGCACCTTTGGTGGAGCTTGCGGTTACGATA
ACCCTTATCACGCCGATTTGGAGTAAACACAGCGGCATTGAGTAGCGCACTGTT
CAGAAATGGAGAAGCTTGTGGAGCTTGCTACACAGTAAGATGCAACCGCAAAC
CGATCGTAAGTGGTGCCTCCACATGGGGCCGTCCTGTGACGGCCACCAATTTT
TGCCCTCCGAACAACCACGGAGGGTGGTGTGATGCACCACGACAACACTTTGACA
TGTCATGCCCGCTTTCCCTTCGCATTGCTCGACAAGGCAATGAAGGCATTGTTCCCT
ATTCTCTACAAAAGGGTGTTCATGTAGGAGAAGAGGAGGAGTACGTTTCACATTAA
AAGGACAAGCAAATTTAACATGGTGTGATGATATCTAATATAGGAGGTAGTGGTG
ATATAAAGAGTGTATGGATCAGAGGGTCAAGAACAAAAGCTGGCTTGCTATGT
ATAGAACTGGGGTGTCAATTGGCAAAGTCGTATTGACCTTCGATCACAAACGCT
GTCGTTTAGACTCACTTTAGTTGATGGCAAGACTATGGAGTTCCTCAGCGTTGTAC
CTTCTTCATGGAAATTTGGACAGACTTTTGCCTCACGCAGACAGTTCTATTAATAT
AAATACCAATTCTTGAAGTCTAGATATATATATTTAACCTACATTATGTTTCATGAC
CTGAGCTTTTTTAGATGGTTCATGGACATGCTTTGTAAGTTATTATGAAAGTTGTA
TCATTTTTCTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTGGCATGACAATTCATTGTTGTTGGAA
GTCAAGAATAATGTGCATGGTTTTAACGAATTAATGCCTCATGTATTGTCGGCCTC
GAGAATTTGAGAGCGTGACAAGCTGCTTATATTTTACTAATTCCATTCAATTAATGT
ACTCTTAAATCTCATGAATGAGGAAGA

Nucleotide

>NsEXPA-28

GTACTAAGTTAAATGGATATATCGAGTTGTATCGACGACGACTAAGATAACCTAA
ATTCATTGGTGTGAATATATGAAATTGCTGCTCGTATAATTAGCAGCAGACCAAA
GAATCACCGACGATTACTCTAAAACAGATTTTGCATAAACTGTCACATGCACTTG
TTTTCTTCTTGTCTCTTTTCAACTTTTATTTAACAAACTCTTACGTACATTTCCGTA
TCTCCGGGGATTGCCAAAACAACGCGCATAATTTATATATATCTTTCTCAAACG
AAAAATAATAATAATATGAAAGACAAATCATACATGCTAATTCTTATTATTTGGA
AGATGATATAAGTTTCTATTATAAGTAATCACCGACAACCGCGTATTACTATACT
GCTGCATGCTACTCTGTAGTAAGCATTGATGAATTATTCGAATTTGAGAATCCCA
AGTCTATAAAAAGAAGAAATAGGCACGTCCATTTATGCAATAGTCGAGTCATTAA
TATATCATCACTTCGATTCCAAGAAATCTTCACATTCTTGTATCTTTTTGAGATTTT
CAAGGTTATGGAGAAACTTGTTCCCTTGTCTTTTCGATTTGTGGGTTTGTTTTGTGTT
TACTTGTTTGTTTATTGAGGAGATCAACGGTCAAATTTGGCTTAATGGTCGCGCA
ACTTTTTATGGTGTTAATCAAGATCCTAGCACCTTTGGTAAGTCTCGTTAAATTAG
TAACATGGGTACTGTAAATGTTTTGTTATAATGAATTTATTACAATAATTAACA
CACGTATGTTCTAGAAAACCAACATGCATTATGCATATACTTTTTCTAGATGGGT
TGAGTAAAATTTGAGACGGTCAAAGCAAGTCATATTTCAATGCTCTTTTGCTTTAT
ATCATAATGTGTGTTATTGGCAGGAGAAGCTACATTCCGATAACTGTGGCCAATT
GATCATTCTTAATCAAAAAATTATACTGAATACATAGATAAAAATATTAGATTTTA
AAGGTATATAACATATATTGAATATTCTTTATCGGAGTTTTATTACTTTGCTCAA
TTTAAACATCCTTGAGAAAATTCCATCACTGCATATTGGTTCAAGATCGGTAAAT
AACGAGTCATAACCAAGTCCGCTTAACATGACCAAACTTTCCCTTCTTTTTTGTGT
TGATTTTTGAAAATACATTACTACTAATGTATTTTTTTAAACTCTTAGCTTAAATA
TATAATTCTTCAAATTTTTCATGATTTTTAATCTCCGAATTTAATTATATATATTCG
GGTTTATATATGTTGCATTTTGACTGATGGATTACACTGTTTGATCCATTTTCGATT
AATTAATTAGTTTAAATGAATCACTTCAAGTTCAAAGTCTAGTCGATAATGGGATT
ACAATCCAATAAGCTTAAATTTGAGCAAGTTGGATGTGTTGCTAAAAGTGAGTTA
TATCTTGCTACCTATAATACTATCCGTTATTTATACTATAAGATAACTTATAAGAC
GTACAAAAGAAATACAACCTAATTTTTAACTCCTACTTGATTGGTCAGGTGGAGC
TTGCGGTTACGATAACCCTTATCACGCCGGATTTGGAGTAAACACAGCGGCATTG
AGTAGCGCACTGTTTCAAGAAATGGAGAAGCTTGTGGAGCTTGCTACACAGTAAGAT
GCAACCGCAAACCTCGATCGTAAGTGGTGCCTCCACATGGGGCCGTCCTGTGAC
GGCCACCAATTTTTGCCCTCCGAACAACCACGGAGGGTGGTGTGATGCACCACGA
CAACTTTGACATGTCCATGCCCGCTTTCCCTTCGCATTGCTCGACAAGGCAATGA
AGGCATTGTTCCCTATTCTCTACAAAAGGTAATATGCTATACCGTTTAAAGTTTCTAT
ATTATTCATGAACCTTTTATGTCGTATTATAACTAGTGGCTATTTTGTGCAAACAAC
GTCAGTCTAATATTGTTACTACTCAGTTTGTATTTATATATCTGAGTGTGGGGTTG
TAGAGGTTCTAAAGCTTTACTTTTTGTTTCAGAATATATTTTTTATAAACTTTTTCA
GCGAAATAGTATCGGCTGACACCCATATATCTTCGCCACTGTTATACATATATTTA
CTTCTTTTCCAGTTTAAAGTTTAAAGTAGATGCATTATTTAAATATTATAAGTTCAAT
ATTTAAACTTCTTAGTATTGAACCTATTATATTTTAAATTTATGGGTTTCAGACCTA
GTAATGTGTGTAATTTTAAATGAATTTTTATACTAAATTTATACCTCACGTTGAAAA
TATTGGATTCATATGAACCCGGTAATATAACACTGCATAGCATACGCCTCTGTTA
ATTAAGATCTACACGTCCTAGCGATGCTATGTTTATAGACGTTTGTTAATAAAAAGT
CAAACCTCGATTCTTTATCATATGCACAACCTATAGATATATTAGAGAATAATTCCC
ATGTGAGCAACTTGCTTTCTGTTCAAGAATAAAGCTTACATTCCAACCTACTAGAC

AACTTCTCTATATTTTAATGTTAACGTTGCACCTTTCGGCACGTTTATTTAATATAT
CCATTGTGCTGATATATATATATATATATATATATATATATATGAGATTTCTGCAGGGTG
TCATGTAGGAGAAGAGGAGGAGTACGTTTCACATTAAGGACAAGCAAATTTT
AACATGGTGATGATATCTAATATAGGAGGTAGTGGTGATATAAAGAGTGTATGG
ATCAGAGGGTCAAGAACAAAAAGCTGGCTTGCTATGTATAGAACTGGGGTGTC
AATTGGCAAAGTCGTATTGACCTTCGATCACAAACGCTGTCGTTTAGACTCACTTT
AGTTGATGGCAAGACTATGGAGTTCCTCAGCGTTGTACCTTCTTCATGGAAATTTG
GACAGACTTTTGCCTCACGCAGACAGTTCTATTAATATAAATACCAATTCTTGAA
GTCTAGATATATATATTTAACCTACATTATGTTTCATGACCTGAGCTTTTTTAGATG
GTTTCATGGACATGCTTTGTAAGTTATTATGAAAGTTGTATCATTTCCTTTTTTTTT
TTCCTTTTTTTTTGGCATGACAATTCATTGTTGTTGGAAGTCAAGAATAATGTGC
ATGGTTTTAACGAATTAATGCCTCATGTATTGTCGGCCTCGAGAATTTGAGAGCG
TGACAAGCTGCTTATATTTTACTAATTCCATTCATTAATGTACTCTTAAATCTCAT
GAATGAGGAAGAAGAGGAAGTGATGGTGTTAATTTCTTTAATTCGTTTTTATTTG
GATTTCTTTTTCTTTGAGTCCATTACTCATATGGTTATTGAACTACATGAATTATCG
AGTAACGTCACCTTTTTTTTTATTTGTAACAAGAAAATCACTCAACTATCCGTATTG
CACTCTGATGATCACTCAACTGGATTTATTCATTTTTTAGTGGAATAATGTTGCCTT
CGCAATCCACATGAACTTTTGAACCATATAAACTAATTAATACCCGAAAAAAGCA
TATAAACCAACCATACTCACTCACCACCAAAGGATGTAGTGCAGCGGGGGGACTGC
TCTTCCCTTAACCAGAGGTCTCGAGTCCGAGCCCTGGGTATGGAAAAATCCTTGG
TAAGGAGAACTTCTCCCCGAATGGGGTCCACGCAGCGCGAATCCAGATATAATC
GAGCTCAAAGCGGGTATCGGACACTAGGTGGAAAACCAAAAAGAAAAGAAAA
CACCCATACACTCAA