

IDENTIFICATION

Species: *Populus trichocarpa*

Locus: Potri.016G135200

Gene Model: Potri.016G135200.1.p

Description: PtEXPA-25

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

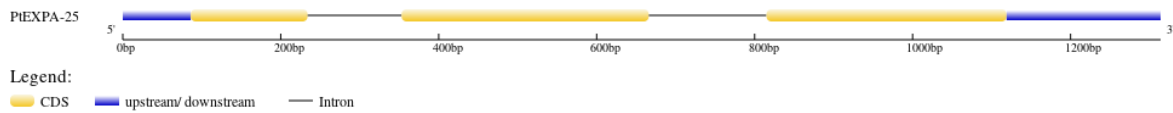
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ptrichocarpa_v4_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T01077>

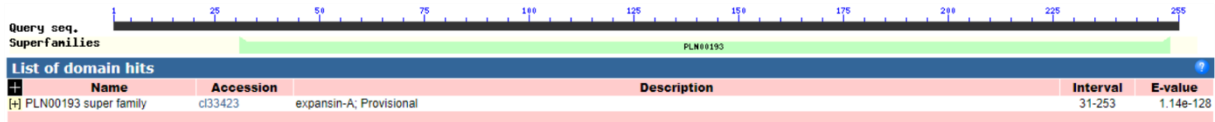
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PtEXPA-25

MAIKAMQDFVQVQLYLVLVLSFLLHGIYGDYGGWQVGHATFYGGSDASGTMGGACGY
GNLYSQGYGTSTAALSTALFNGLSCGACFQIRCNNDPKWCHSGTITVTATNFCPPN
YALSNDNGGWCNPPLKHFDLAQPAFLQIAQYRAGIVPVLFRRVPCVKKGGIRFTING
HSYFNLVLITNVAGAGDVHAVSIKGSRTGWQTM SRNWGQNWQSN SYLNGQRLSFR
VTSDGKTVT WYNVVPANWQFGQTFAGGQL*

CDS (coding sequence)

>PtEXPA-25

ATGGCAATTAAGCAATGCAAGATTTTGTATTTGTTTCAGCTGTATCTTGTATTGAG
CTTTCTTCTCCATGGCATTATGGAGATTATGGTGGATGGCAGGTTGGTCATGCCA
CATTCTACGGCGGTAGCGACGCGTCTGGCACAATGGGGGGTGCTTGTGGATATGG
AAACCTGTATAGCCAAGGGTACGGGACAAGCACTGCAGCTCTAAGCACTGCCCTT
TTCAATAATGGCTTGAGCTGTGGTGCATGCTTCCAGATACGCTGCAACAATGATC
CTAAATGGTGCCATTCCGGTACCATTACTGTGACAGCCACCAACTTTTGCCCTCCT
AATTATGCGTTGTCTAATGACAATGGTGGCTGGTGCATCCCCCTCTCAAACATTT
TGATTTGGCACAGCCTGCTTTCTTGCAAATTGCACAATATCGAGCTGGAATTGTTT
CTGTACTCTTCAGAAGGGTCCCATGTGTGAAGAAAGGAGGCATAAGGTTACCCAT
TAATGGTCATTCTTACTTCAACTTGGTCTTGATAACCAATGTTGCAGGTGCAGGGG
ATGTTTCATGCTGTGTCTATCAAAGGATCTAGGACTGGTTGGCAAACCATGTCAAG
AAATTGGGGCCAAAATTGGCAGAGCAACTCATATCTCAATGGCCAAAGACTCTCC
TTCAGAGTCACAACCAGCGATGGCAAGACAGTTACCTGGTACAATGTTGTGCCTG
CAAATTGGCAATTTGGACAAACTTTTGCGGGAGGGGCAACTCTAG

Nucleotide

>PtEXPA-25

ACTAACACTCAAGCCTTTTGCTCTGATCAGGCCAGCTACCCCGATATCTTCTACTA
CTTGTCTTCTAGTAACGACACAAGAACGTAATGGCAATTAAGCAATGCAAGATT
TTGTATTTGTTTCAGCTGTATCTTGTATTGAGCTTTCTTCTCCATGGCATTATGGAG
ATTATGGTGGATGGCAGGTTGGTCATGCCACATTCTACGGCGGTAGCGACGCGTC
TGGCACAATGGGTAAGCTAAAACAATAGAGTGTGTTATCGTGTAATTTAGTT
GTACGTGTATGACAAGTATAAAGTCTTGAATGCTTTAGGTCTAGTGTTTCTTACAA

GATGTGGCGATGGTTGCAGGGGGTGCTTGTGGATATGGAAACCTGTATAGCCAAG
GGTACGGGACAAGCACTGCAGCTCTAAGCACTGCCCTTTTCAATAATGGCTTGAG
CTGTGGTGCATGCTTCCAGATACGCTGCAACAATGATCCTAAATGGTGCCATTCC
GGTACCATTACTGTGACAGCCACCAACTTTTGCCTCCTAATTATGCGTTGTCTAA
TGACAATGGTGGCTGGTGCAATCCCCCTCTCAAACATTTTGATTTGGCACAGCCT
GCTTTCTTGCAAATTGCACAATATCGAGCTGGAATTGTTCCCTGTA CTCTTCAGAAG
GTAATTTCAAACGTCCTTGGTGACATGGTCATGGTATCAGCCATGACTGTACCTT
AGTCTAGACCACCCAGAAGCTCTACTACTGTAATTACTTAATGCTTGACTAGCTG
GAACAGCATCATTTTAGTTTGTGGTTTTTTTACAGGGTCCCATGTGTGAAGAA
AGGAGGCATAAGGTTCCACCATTAATGGTCATTCTTACTTCAACTTGGTCTTGATAA
CCAATGTTGCAGGTGCAGGGGATGTTTCATGCTGTGTCTATCAAAGGATCTAGGAC
TGGTTGGCAAACCATGTCAAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAGAGCAACTCATA
TCTCAATGGCCAAAGACTCTCCTTCAGAGTCACAACCAGCGATGGCAAGACAGTT
ACCTGGTACAATGTTGTGCCTGCAAATTGGCAATTTGGACAACTTTTGCGGGAG
GGCAACTCTAGTAAAGCTAAATTAATGTCCCTGGAGATTTGTTTCAAGTTGGAAA
AAATCTGTAGTTATATATATGTGTGTGTGGCCGGTTATGCTGAGGTAGCCGCCCA
AGGCACCGAGGCTTCAAGTGCTAGTATGTTTGTGTTAGTTCCCAACTTTGTCAGCA
ACAAATGGCATGGGATGGAATAAGAGCACCTTTTCTACCC