

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

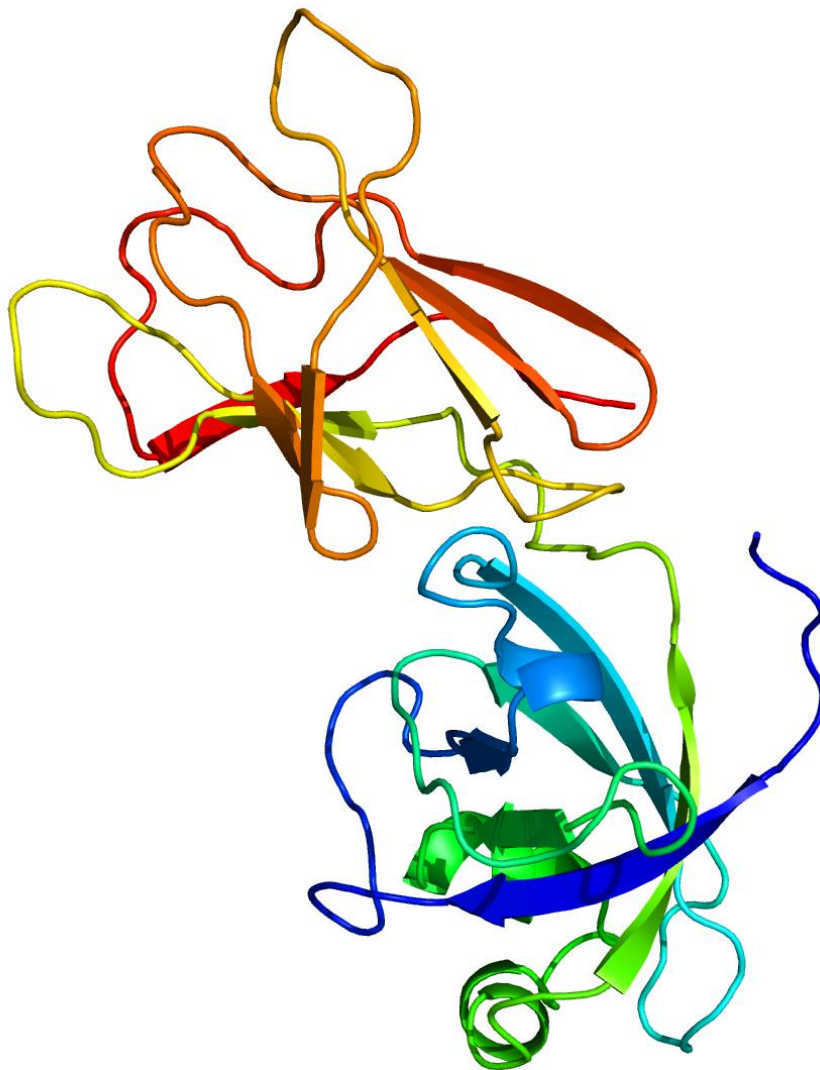
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA22494

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA22494

Description: TprEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

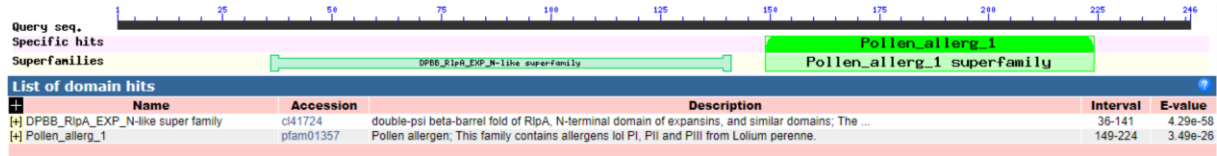
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPB-01

MLLQFSNLFFFALSLKL VLLQTTVGQLQHHTLDQHWYPGTATWYGDPEGDGSTARV
GAVGSVLFMKGEGCGACYKVKCLDNSICSRRAVTVIITDECPGCPTDQTHFDLSGAA
FGHMAISGENGQLRNRGQIHVIYRRTPCKYPGKKIAFHVNEGSTPFWLSLLVEFEDAE
GDIGTMHIREHGSSEWLQMNHLWGANWCIIGGPLRGPFSVKLSSSTGRTLSARDVVP
TNWVPKATYTSRLNFYP*

CDS (coding sequence)

>TprEXPB-01

ATGCAGCTCCAATTTAGCAACCTCTTCTTCTTCGCCTTGTCTTTGAAACTGGTGT
GCTTCAGACGACGGTTGGACAACCTTCAGCACCATACTCTCGACCAACATTGGTAC
CCCGGAACCGCCACCTGGTATGGCGACCCCGAAGGAGACGGCAGTACCGCGAGG
GTAGGGGCGGTGGGTTTCAGTTCTGTTTATGAAAGGGGAAGGATGTGGAGCCTGTT
ACAAAGTGAAGTGCTTAGACAACAGCATATGTTCAAGGAGAGCAGTTACGGTCA
TAATCACCGACGAGTGTCCCGGCTGCCCTACTGACCAGACTCACTTTGACCTCAG
TGGTGCTGCTTTTGGACATATGGCTATCTCCGGCGAGAACGGTCAACTCAGAAAC
CGCGGTCAAATCCATGTCATTTACCGAAGAACACCTTGTAATATCCAGGGAAAA
AAATTGCCTTCCATGTTAACGAAGGTTCCACACCATTTTGGTTATCACTTCTTGTT
GAATTCGAAGATGCAGAGGGAGATATTGGCACTATGCATATACGAGAACATGGT
TCTAGTGAGTGGCTGCAGATGAATCATCTATGGGGAGCAAATTGGTGCATTATTG
GGGACCTTTAAGGGGACCATTTCTCAGTTAAACTCAGCTCTTCCACGGGTAGAAC
CCTATCAGCTAGAGATGTTGTTCTACCAATTGGGTTCCAAAGGCCACTTACACTT
CTCGACTTAATTTCTACCCCTAA

Nucleotide

>TprEXPB-01

CATTTACCTCCAAGCACAATGCAGCTCCAATTTAGCAACCTCTTCTTCTTCGCCT
TGTCTTTGAAACTGGTGTGTTGCTTCAGACGACGGTTGGACAACCTTCAGCACCATA
TCTCGACCAACATTGGTACCCCGGAACCGCCACCTGGTATGGCGACCCCGAAGGA
GACGGCAGTACCGGTAACATATATCTCTTCTTTACATTTCTTTCACTTACCGAT
TAAAATCAATGCTAGTCCAACCCACTTGGATTGGTCTGGTGTCTATTGGCTTGAG

ACCTGGGAGTGTGCTTCTCAAGTCTTAGGTTTCGATATAAATNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNAGCGAGGGTAGGGGCGGTGGGTTTCAGTTCTGTTT
ATGAAAGGGGAAGGATGTGGAGCCTGTTACAAAGTGAAGTGCTTAGACAACAGC
ATATGTTCAAGGAGAGCAGTTACGGTCATAATCACCGACGAGTGTCCCGGCTGCC
CTACTGACCAGACTCACTTTGACCTCAGTGGTGTGCTTTTTGGACATATGGCTATC
TCCGGCGAGAACGGTCAACTCAGAAACCGCGGTCAAATCCATGTCATTTACCGAA
GGTAACTAACTAATTACTGTCTTTTATCACTAAACAAAATGTTAAGAAACCCGGT
TTCAATTACTTGTGGAACAATTTTTGGACAACTTTACTTAATTTGTGGCTGAAT
TTCGGTTTACTGGGTTCGCTTTTCGTTGGTACTGAAGGGTTAACACCAAAAAAATA
AATATTGAGAATCTATTTTTCATTTCAATTCAAAATGTTGTGTTATACTCTTTCTT
ATTATTTGATTGATTTTGAGGTTACATTACATATAAATTCTGTAAAACATTTTTTA
ATAATGTAGTTATTTTTGGGTATGTATAACACTTAATTGATGTTGATATACTGAT
GAAAAAAGTATCACTGGTTAATTTCTTGGTGGGGCTGCTTTCTGAACTTTACCTT
TGTTGTATTGACTCTTTGACGAGTTCTGTTCTTTTCTCCTTTTATGTAGTGTAACA
TTGACTTTAATTATTTTTTTTTATGTAATTTACTTTTATTTTTTTGTACTTTGGTTT
CTTATTTATTAGCTCAGCTCAATTTCCTTTTAAGGAAAATTGATTTATCTCTATTTT
CCCTACCATGTTTGTTCCTATACATTGAGGTAATATTGCAATGAATCATATGATT
GATTGATGCACCCTTTTGTTTTGTGATTAAGGAAAGAAGTGTTTTAATTTTTAA
ACGAATTTTCTAATAAATGAAATTTGTTGATCTCTGTGTGAAATGCAGAACACCTT
GTAAATATCCAGGGAAAAAATTGCCTTCCATGTTAACGAAGGTTCCACACCATT
TTGGTTATCACTTCTTGTGTAATTCGAAGATGCAGAGGGGAGATATTGGCACTATG
CATATACGAGAAGTACGCATTTTCTTTTTTCTGTTTTTGCCTTATAATTTGAGACG
GAGAAAGTATTTGGTTCATTAATATTTTTTTTTCCGATTTTTCTGAATGAGTATAGT
AATTTATTATATAACTGAAACAGAGAAATAAAATAAAGGGGCACAAGAGAAGAA
TCCTGAACTTTGATCTATCAGAGAATCAGATGCAATTACAGCTAATTAACGGTCT
CTAAAATATTAAGGAACTTAAGCATATATTTTTATTGCTAATGTTCACTTGATAT
ATTTAACTTAGAAGAATAAATAAACTTATAAAGTGCAACAGATAGTAGTAATATA
CTATTGCATATTGCATGTTTGGAAAGCTGCATCTTGAAAACCTGTTGCTGATTTTGA
CTGGAAGTAGTTGTCTAAACGTGAATTAAGCATTACATTACATTTCTCTTATTC
ATTTTCCTTGATAATAAAAACATACTTTAGTGTACGTTTAGTATCACATTGAGTAT
GTCAGAATTACAGTTATTCACGTGATTTTGCAGAAGCTACAAAACGTAGTTTTTTA
AAAACACTACGATAGATCACCATTAATTCTAAATACTTCGTGATATCATGATGGCCTT
ACTTGATTTGATACCAAGAATTCAAAATCTTAAATCACGTGTCTCTGTCTCACTCT
TTCACCATATTTTGAATTTGGGAGAACTCTTTTCTCTCCAATTAATATATTATC
AATGTGCTTTCTTCTTATATTATATTGCCAACTTCATCTTAGTGCTTTTAGTGAT
TACTATTGCTACTATTTTCTGCACTCAAAGCATGTGATATGGGACCTACATCTTTA
ACCAACATTCCTCATTTACCCCCACTCCACTCAATGAAAGGACCTCTTTTTCTTT
TTTATATAAACTCTATCAAAGTACTTCAAACCTAACGGATCCGGATTGAGTGCGG
TCGCTGTCCTAAATTGTATGCAGTCAGCGAGATCAAAACTGTCTAACAAAGTTTA
AAGTTAGAATTTAATTTGCAATTTGAACAATGAACCAACTTTATTATTATTTTTTT
TTAATGTTCTCATAATCTCATTGTATTTTTGTTGACAGCATGGTTCTAGTGAGTGG
CTGCAGATGAATCATCTATGGGGAGCAAATTGGTGCATTATTGGGGGACCTTTAA
GGGGACCATTCTCAGTTAACTCAGCTCTTCCACGGGTAGAACCCTATCAGCTAG
AGATGTTGTTCCCTACCAATTGGGTTCCAAAGGCCACTTACACTTCTCGACTTAATT
TCTACCCCTAAAACACAATCTTTGCCTTTGGTACAAAAGAAACCAACCAAGCTC
ATTCATTCCATAGTGGAAAATTAATAACCACTTTTTACCTAGTTAATTAATTA
GTTTGGTCAGGGGTCCCATAATGCAAATTAGTCTTCATGGGTTCCCAACTCTCAT

TCCCTTAGTTTGCTATATATATACGTGGATCCGGATCATCTCTTGCTATTCTCCTC
ATATTTCTCGTCCTGCGTTGATCTGAACCGTCCATCCATCATTTTGTGTTGTTGACC
GTTACAATAAATTGAAATCAATAGCTGAGATTGC