

IDENTIFICATION

Species: *Asparagus officinalis*

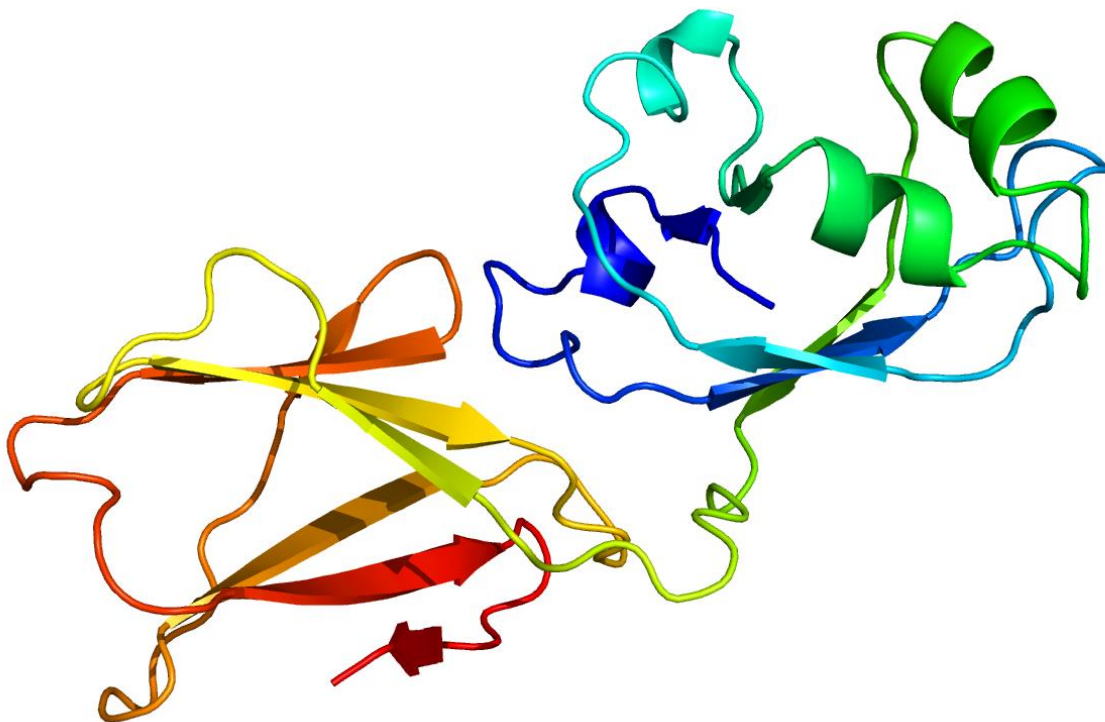
Locus: evm.model.AsparagusV1_10.622

Gene Model: evm.model.AsparagusV1_10.622

Description: AofEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

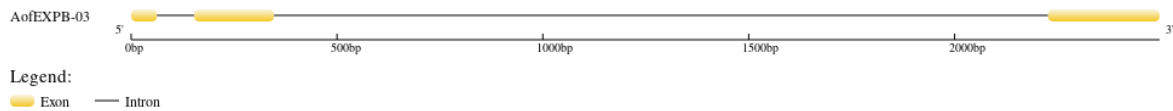
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis_V1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05243>

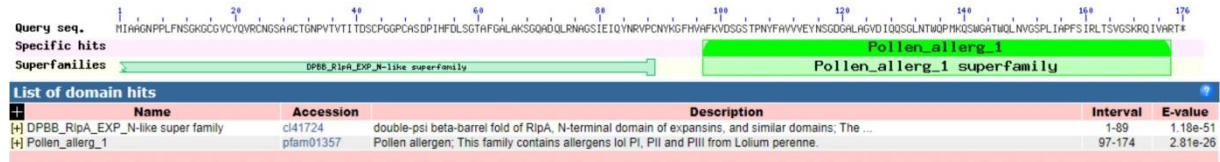
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AofEXPB-03

MIAAGNPPLFNSGKGCVCYQVRCNGSAACTGNPVTVTITDSCPGGPCASDPIHFDLS
 GTAFGALAKSGQADQLRNAGSIEIQYNRVPCNYKGFHVAFKVDSGSTPNYFAVVVE
 YNSGDGALAGVDIQSGLNTWQPMKQSWGATWQLNVGSPLIAPFSIRLTSVGSKRQI
 VART*

CDS (coding sequence)

>AofEXPB-03

ATGATTGCTGCGGGAAACCCTCCTCTATTCAACTCAGGCAAAGGATGTGGTGTTT
 GTTATCAGGTTAGGTGTAACGGGAGCGCAGCATGTACGGGTAATCCCGTTACGGT
 CACGATAACGGATAGTTGCCCGGGTGGCCCGTGCGCATCCGACCCCATCCATTTC
 GATCTGAGCGGGACTGCTTTTGGGGCATTGGCTAAGTCTGGTCAAGCTGATCAAC
 TTCGTAATGCAGGATCAATTGAGATTCAATACAACCGGGTTCCTGTCAACTACAA
 AGGTTTCCATGTGGCCTTCAAAGTGGACTCCGGCTCGACCCCAAACACTTTCGCT
 GTGGTTGTGAATATAACTCAGGTGATGGAGCCCTCGCTGGTGTGACATTCAGC
 AATCGGGTTTGAACACATGGCAGCCGATGAAGCAATCGTGGGGAGCCACGTGGC
 AGTTGAACGTCGGTTCACCGCTCATAGCGCCCTTCTCAATTCGACTAACTTCGGTC
 GGATCCAAAAGACAGATTGTGGCTCGTACGTGA

Nucleotide

>AofEXPB-03

ATGATTGCTGCGGGAAACCCTCCTCTATTCAACTCAGGCAAAGGATGTGGTGTTT
 GTTATCAGGTCCTCTTCCCTCCTAATTAATTAATTAACACTGGATCATCTCTGATTAA
 ATTAATAATCAACATTGATGGTGTGAGTAATAAATTAACAGGTTAGGTGTAACG
 GGAGCGCAGCATGTACGGGTAATCCCGTTACGGTCACGATAACGGATAGTTGCC
 GGGTGGCCCGTGCGCATCCGACCCCATCCATTTTCGATCTGAGCGGGACTGCTTTT
 GGGGCATTGGCTAAGTCTGGTCAAGCTGATCAACTTCGTAATGCAGGATCAATTG
 AGATTCAATACAACCGGTGAGATATACTTTATCGTTTATTACAAGCTAAATGTTA
 GAAATTCCTTGACTTTGGACCATTATTAGATAACCTCTCATGGATTTTAAAATAT
 CAAAAACCTATCGTAAATTCAAAGGTTATTAGAAAACCTTTTAAATTGAACTTT

GAGATTGTATCGGGAAGTCGTTTTAGGGGGACTTCCCAATAAAAATCTCAAAGGCA
AAGGGCATTCTGATAATATCCTAAAGCTAAAAGGGGTTCTGATAATCCGTAC
ACCTCTTTAGAGATACGATAATCCCTATACTTAATGGTGGTTTTCTCATATTTGA
AGGTTATGGGAGTTATTTGATAATCATCCAAAATAATGGAGCTTTGCTAATATTT
AGCCTTTATTAATAAAAATTTAGCGATTCAATTTGGGCGATGGATATTGATCAATT
TATTTGTTGATTTATTACTAGTATAATGCGCGTGCTTTGCACGTGAACATAAA
TGTTTTAAGTTTTGATATTTTTATTGAATAGTAAAACACTACGTGTTAATAAATAAAA
TTTTATAATAAGATTGCATAAAAAGAAATTTATGAAGTAATTATTATTATATAGTT
GTTGTAATGAAACACTTTTCTTATAATGATTGACCAATGTTAACCTTTTTTTAAAT
AAGTCCCAAATCTAAAATTAATCTTAAATAAAAACACTGTCACCTTCTATAAACTTTCT
TAAATATGCCCCCTCCAACCTGAACTGTAACTTACTCCTATATTAACCTAACCTGCA
TTAATCTTGTTAAACTTTTCCCTGATGTTCCCTAGGTAGTTACACTTGATACCTACA
ATATATTGTAATAGTTACTTCTCATTATAATTATTTAATAGGATATATGAACTTTT
AGCCCATATGAACTTTAAAATTACACTAAATTCTAATGACTTTTCCATTTCAAAGA
AGATCCCAATAATTTTTTTAATTTTGCAAATAACCCCTAATAATTAACCACA
AAATGGCATAAAAAGGCATTTTGAAAGTTATTTGGGTTTGGTATAATTTATCTA
AAAGATAATGGGGCTTTCTAAAAAGTTATTACGGGTTTAGTATAATTTCGAAAG
TTCATAGGACCTATTTACTATAAAAATGTTGAAAGTTTATAGGTTTTCTGTAATTTA
CCTTATTTAATATGATAATTTTTAGTTCAAGTAATACTATTAAAATAATTATATTT
TCTATATATAATAAAAATTTTTATAATTTTAATTTTTTTATTATGTTATTGACTAAT
TATGTAATGTAAATATTTATAAATATTTATTTTTTTTTGTAAAAGGGTTAGTTTT
CAATCATTACCAAATATAGATTATTTAGTATCGTGTAATAATCTTTCAGAAAACA
CTTTAAAATAATATTTATTTATTTATTTATTTAATAATATAACTAAGTAA
TAGTGTAATAATTCATAATTTATGTGATATTATTAATAAATTGCACTATTTACTTG
ATTCAAAATTTATTTCTATTTATTTATTTCTCATTGAATTATAATATTTTTTTAAT
AGTATTTGATAATATATTATTCTATTTATACTATCATTTTAATAATTTTATTACAAT
TTATAAATAATAATTATAATAATTTAATTGGTTACTACTATTAATTTTGTATATTT
ATTTTATAAATTATTTTAGTTTATTATTTTTAAATAATTAATATTTATAATATTATT
GATAATTATAATTATTTAGGAAGGTGAGGAGTAATGATAGGTTATATTTATTTGA
TAAAAGATTAATTAGATAATGGCATTGTTAGAATTTATCCAAGTTTAAGAGGGTA
AAAAAGAAAATTAAGTTTAAATACCCCAATCCTCTTTTCACCCTTGTAGGGTTC
CGTGCAACTACAAAGGTTTCCATGTGGCCTTCAAAGTGGACTCCGGCTCGACCCC
AACTACTTCGCTGTGGTTGTCGAATATAACTCAGGTGATGGAGCCCTCGCTGGT
GTCGACATTCAGCAATCGGGTTTGAACACATGGCAGCCGATGAAGCAATCGTGG
GGAGCCACGTGGCAGTTGAACGTCGGTTCACCGCTCATAGCGCCCTTCTCAATTC
GACTAACTTCGGTCCGATCCAAAAGACAGATTGTGGCTCGTACGTGA