

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

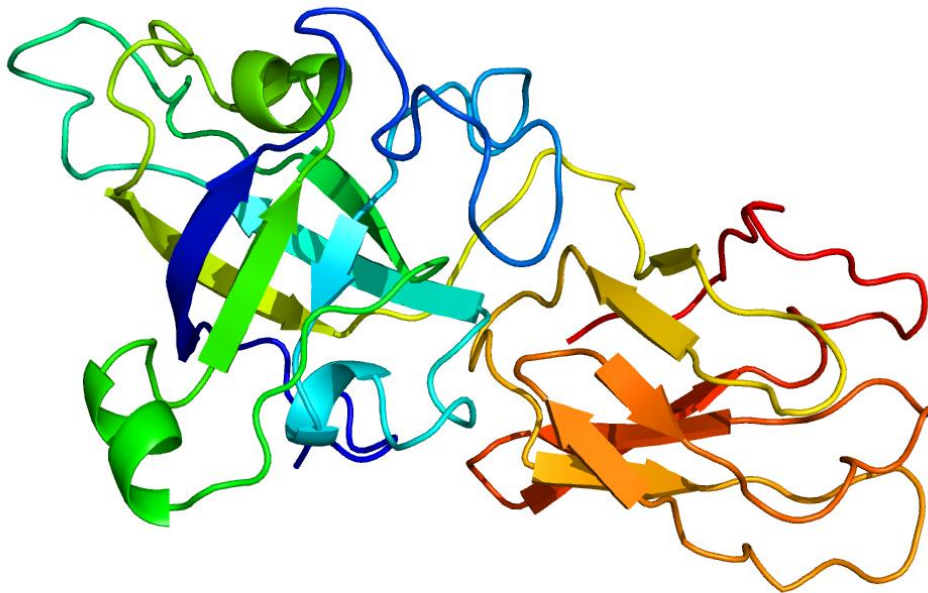
**Locus:** Migut.M00818

**Gene Model:** Migut.M00818.1.p

**Description:** MgEXPA-19

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

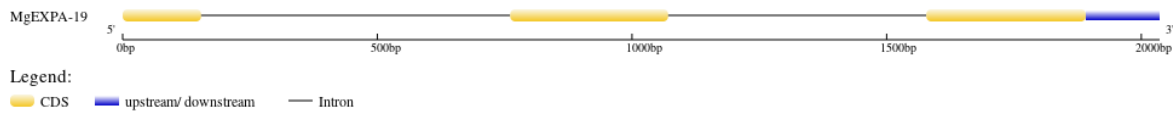
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

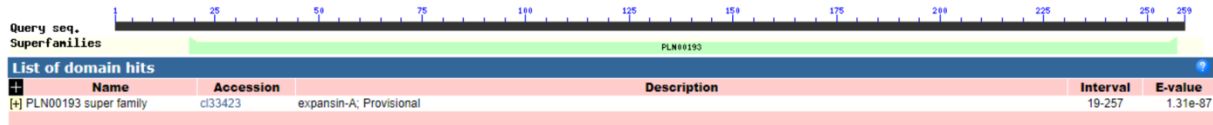
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPA-19

MAIVGYTYKR VFILNVVLVICVFLKGINCQSNWINARATFYGGNQNPSTLGGACGY  
ENSYAAGFGVNTAALSGALYRGGEACGACYQVLCNRQLDSKWCLRRASVTVTATN  
FCPSNNQGGWCDPPRHHFDMSTPAFFRIARQNEGVPVLYRRVGGGRISGGVRFTLK  
GHPNFMKMRTNVGGSGDRKRAWIPGSRSPWSPMRRNWGANWQTHFDVRTQTL  
FRITLLDGKTTEFLNVVPSSWKFGQTFSSSKQFS\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPA-19

ATGGCGATTGTGGGTTATACTTATAAGCGTGTTTTTCATTTTGAATGTCGTTTTGGT  
AATTTGTGTGTTCTTGAAGGGGATTAATTGTCAGAGTAATGGTTGGATTAATGCTC  
GTGCCACTTTCTATGGCGGGAATCAAATCCCAGCACCCCTTGGTGGAGCTTGTGG  
GTACGAGAACAGCTATGCAGCTGGATTTGGTGTAAACACGGCGGCGTTGAGCGG  
TGCTCTATATAGGGGCGGGGAGGCTTGCGGGGCATGCTATCAGGTACTTTGCAAC  
CGCCAGCTCGACTCGAAGTGGTGCCTCCGGCGAGCCTCGGTCACAGTAACCGCCA  
CAAATTCTGCCCGTCTAACAACCAAGGCGGGTGGTGCATCCGCCACGTCACCA  
CTTCGACATGTCCACACCCGCCTTCTTTTCGCATCGCCAGACAGGGTAATGAAGGC  
GTGGTTCCTGTGCTCTACAGAAGGGTGGGAGGCAGAATAAGTGGGGGAGTCCGA  
TTCACATTAAGGGTCACCCCAATTTCAACATGAAAATGAGAACAAACGTGGGGT  
GAAGCGGTGACAGAAAACGCGCATGGATAACGGGCTCCAGATCCCCAATATGGA  
GCCCCATGCGCCGTA ACTGGGGCGCCA ACTGGCAAACCCACTTTGACGTCCGCAC  
CCAAACGCTGTCGTTTAGGATCACTCTGCTCGACGGCAAGACTACTGAATTCCTC  
AACGTTGTTCCCTTCTCCTGGAAATTCGGACAGACTTTTTCTTCCAGCAAACAGTT  
CTCTTAG

### Nucleotide

>MgEXPA-19

ATGGCGATTGTGGGTTATACTTATAAGCGTGTTTTTCATTTTGAATGTCGTTTTGGT  
AATTTGTGTGTTCTTGAAGGGGATTAATTGTCAGAGTAATGGTTGGATTAATGCTC  
GTGCCACTTTCTATGGCGGGAATCAAATCCCAGCACCCCTTGGTAAGAACTAATT  
TATTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTGTATATATATATATATTTTATTTTATG  
AAAAGAATACTGTTTTTATTCAACTCTATTATGGTTATTATGTGCAAGAAGAAAG  
TTAATTATTTGAAATTCATAAAATAGACAATTATTTCCATAAAATAGGACAAAT  
ATTTACATTTTCTAAAAGTAAGCATATATATTAATTTGTTAATTAATTAAGATCAA

TATAGTAACCTTCTTAATTTTTTTTTTAAATAATTTGTGTTCCAATGAACCAAGCTCT  
TCTTGAATTGAAGGTATTATAAAGTTTAAACATAAGAATATATAACGAACTATTA  
AAACTTTTTGGATGAGTTGCTTTAATTAATTTCAATTATTGTAGTGGATTTTTTTAA  
AATATATTTAATTAGTTGATACATGAAATTCCTCCCCAAACAATTTTCTCTAATT  
CAAAAATACCATGCATCAATTCATCAAATACAAGTGCATGCACAATCAATTTAT  
AAAATAAAATTGATCCTTGACTTTCTCATGCAACAATACATACATACATAGTTAAT  
TTTGA CTGTCTAAAATGTTGATTTGTGATCTCAGGTGGAGCTTGTGGGTACGAGA  
ACAGCTATGCAGCTGGATTTGGTGTAAACACGGCGGCGTTGAGCGGTGCTCTATA  
TAGGGGCGGGGAGGCTTGCGGGGCATGCTATCAGGTACTTTGCAACCGCCAGCTC  
GACTCGAAGTGGTGCCTCCGGCGAGCCTCGGTACAGTAACCGCCACAACTTCT  
GCCCGTCTAACAACCAAGGCGGGTGGTGCATCCGCCACGTCACCACTTCGACAT  
GTCCACACCCGCCTTCTTTTCGCATCGCCAGACAGGGTAATGAAGGCGTGGTTCT  
GTGCTCTACAGAAGGTGACCATGCCTGAATCCTTTTTATTTATTCAAATATCTTA  
GGTTTTTCTTTTCTATCTTCTAATTTTTTCAAAAACAATACTGAAAAACAATTT  
CGGGGGCGTGCCACAAACCCCGAAAATTTAAATTCACCGTATAACCTTATCAT  
AGACTATTGAAACAATAACCGTTGTCATTAATTTCTTTACGCTATTTTTTAATGAA  
TATTCAGTCACAGTAAAAAATCCTGGCTTCTCCACTGAACACATACATGTTTGA  
TTTGGCCAGCGATGAGTATATATATATATATATATATATATATATATATATATA  
TATATATATATAAAAATACTAACACAAATTGCAATCACGTTGTAGCATTATTTTG  
TGCCCCCTTTTTACCAACAAAAAAAAAAAAAATGAATATCAAGATATATTTGTATT  
TCCATTTCTAATTAAGTGTTTGGTTAAATGTACAATGATTAATTAATTGTGAAGAA  
AAATATATAACAATTAACAGGGTGGGAGGCAGAATAAGTGGGGGAGTCCGATTC  
ACATTAAGGGTCACCCCAATTTCAACATGAAAATGAGAACAACGTGGGTGGA  
AGCGGTGACAGAAAACGCGCATGGATACCGGGCTCCAGATCCCCAATATGGAGC  
CCCATGCGCCGTA ACTGGGGCGCCA ACTGGCAAACCCACTTTGACGTCCGCACCC  
AAACGCTGTCGTTTAGGATCACTCTGCTCGACGGCAAGACTACTGAATTCCTCAA  
CGTTGTTCTTCTTCTGGAATTCGGACAGACTTTTTCTTCCAGCAAACAGTTCT  
CTTAGTAAATTATTACTACCAACTTAATTAATTTATAATTAATGGAGATTATATT  
ACTCCAGATTAATTAATTTATTAATATTTATTTTTCCATGAACGATCACTTTTTTTT  
TGGATGGTCCATGGATATATATAACGTTTCAATATT