

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

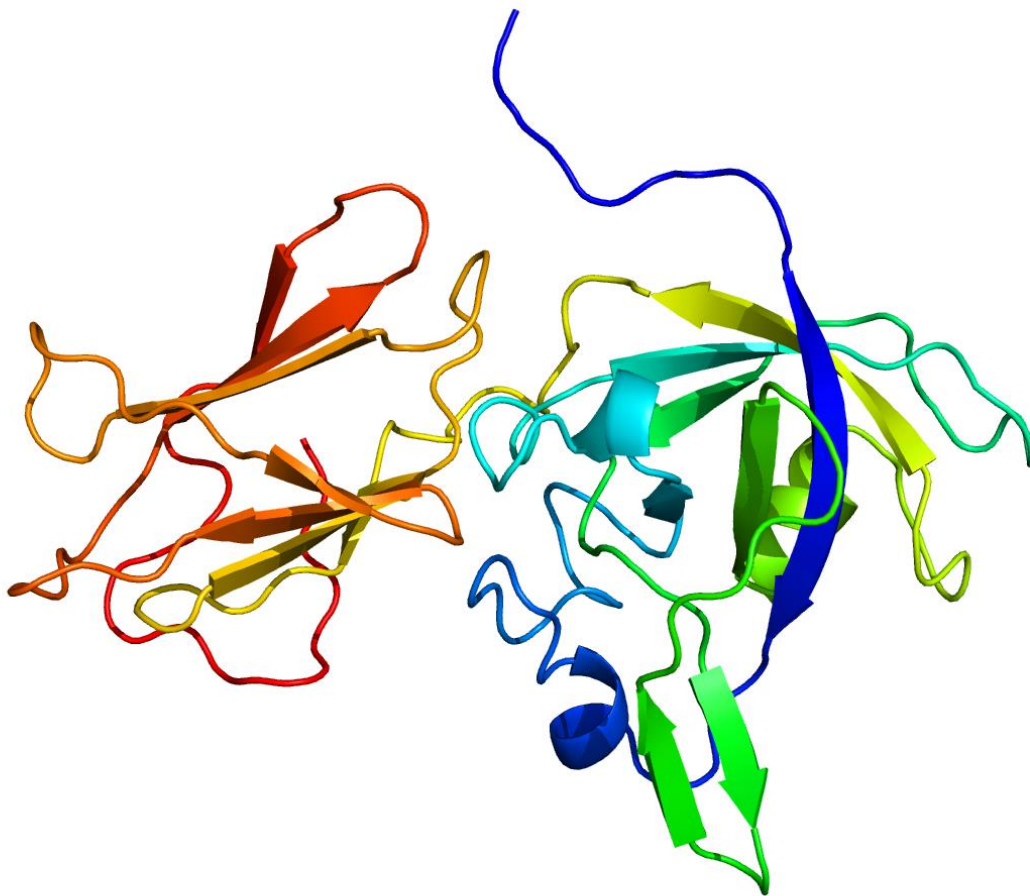
Locus: Ca_18084

Gene Model: Ca_18084

Description: CarEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

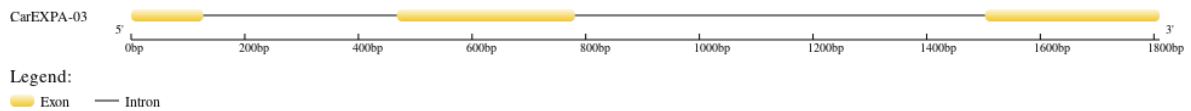
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

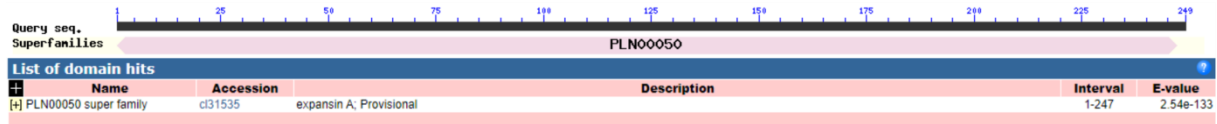
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-03

MALIGLLL VVFHTMFSSAYGYGGGWVNAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQG
YGTNTAALSTALFNGLSCGSCFEIRCANDHRWCLPGSILVTATNFCPPNNALPNNNG
GWCNPLHHFDLAQPVFLRIAQYKAGIVPVS YRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLV
TNVGGAGDVHSVAVKGSKTGWMPMSRNWQNWQSNNYLNGQTL SFKVTTSDGQT
VVSNNVAPSGWSFGQTYSGAQFR*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-03

ATGGCTCTAATTGGTTTACTCTTGGTGGTGTTCACACAATGTTTTCTCTGCTTAT
GGCTATGGTGGAGGTTGGGTTAATGCACATGCTACCTTCTATGGAGGGAGTGATG
CATCTGGAACAATGGGTGGAGCATGTGGATATGGTAACCTTTACAGTCAAGGATA
TGGAAC TAACACAGCTGCTCTAAGCACAGCTCTGTTCAACAATGGTTTGAGCTGT
GGATCTTGT TTTGAAATTAGGTGTGCTAATGATCATAGATGGTGTCTTCCTGGTTC
AATTTTGGTCACTGCTACTAATTTCTGTCCACCAAACAATGCCTTACCTAACATA
ATGGAGGATGGTGTAAACCCTCCTTTGCATCACTTTGATCTTGCTCAGCCTGTTTTT
CTTCGCATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCTTCTTACAGAAGGGTACC
CTGCAGAAGAAGGGGAGGAATTAGGTT CACAATCAATGGTCATTCTACTTCAAT
TTAGTTCTTGTA ACTAATGTTGGTGGTGTGCTGGTGTGTTCAATTCAGTTGCTGTAA
AGGGTCTAAAACAGGGTGGATGCCTATGTCGAGAACTGGGGACAAA ACTGGCA
AAGCAACA ACTACCTTAATGGACAAACCTTGTCCTTCAAGGTTACAACAAGTGAT
GGTCAA ACTGTGGTTTCCAACAATGTTGCCCATCTGGTTGGTCTTTGGTCAAAC
TTATTCCGGTGCTCAATTCCGCTGA

Nucleotide

>CarEXPA-03

ATGGCTCTAATTGGTTTACTCTTGGTGGTGTTCACACAATGTTTTCTCTGCTTAT
GGCTATGGTGGAGGTTGGGTTAATGCACATGCTACCTTCTATGGAGGGAGTGATG
CATCTGGAACAATGGGTATGCAACAACA ACTATAACAAAAGTTCAAATTTTTATT
ACTTATTTAAATTTTCAACAATTTAGAGCAAACCCATCTGACTAATTTGTTTAA
TAATGAAATTTATTTAGGTGGGTATGCAATAACTATGAAAAAGTTCAAATTTTTTT
TATTACTTATTTAATATTTCAACAATTTAGACTAAACCCATTTGACTAATTTGTTT

ATTA ACTAAATTTAATTAGGTGGGTATGCAACATCTATGAAAAAGTTCAAATTTT
TATTACATGTTTGTATTATTTCAACAATATAGAGCAAACCCATTTGACTAATTTGT
TTATTAATGTTATTTGTTTAGGTGGAGCATGTGGATATGGTAACCTTTACAGTCAA
GGATATGGAAC TAACACAGCTGCTCTAAGCACAGCTCTGTTCAACAATGGTTTGA
GCTGTGGATCTTGTTTTGAAATTAGGTGTGCTAATGATCATAGATGGTGTCTTCCT
GGTTCAATTTTGGTCACTGCTACTAATTTCTGTCCACCAAACAATGCCTTACCTAA
CAATAATGGAGGATGGTGTAAACCCTCCTTTGCATCACTTTGATCTTGCTCAGCCTG
TTTTCTTCGCATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCCCTGTTTCTTACAGAAGG
TAACTTTTTTTCTTTCTTTATTTAGCACTTTTTGTTTTTTGCTTTTGATTTTAAATTG
GGATAATGGGTTGGCCCTCCTTGTCACTTTCAACTAGTGAAAGGGGTTTTTCTTAT
TTCTATTTTCGAGTCACATGTATTTGGAAGTTTCCTAACTTTCGTTATCTATGTTTGT
TTTTAGTTATAGTGTAATTTCTTTTAGTTAAAAGATTTGGATTTTATCTATGTGGTT
AAACGAGGTTCCTTTTAGAGGTGGTAATTTCTGCAGTGAAAACACTGTGTTTTTTA
CTAAATGGTTGGTGAATTGTAAC TAAC TTTTTATGTTTTTCGGTTTTAATTTATATTT
TAACTAATAAATAAATTTTAATCAACTAATAAATTTTAAAAAGTATAGATTAAT
TATTTTTCACTATTTTTTACAATTTTTTTTTTAAAAATAGATCTAATATTTTCATAA
ATTTTTAAATATGAAAGCTAATTTAATATATTTTTTTTTTCTTTCTAATAATGCTTTC
TTCATAACTTTATCTTCATTGTTTTTTTTTTGGTTGAGCACTTCCATATTTTTCTAATC
ACAATTTTTTTATTATATGAATCTTGTATCTCCTTAATCCTTATTAGGAATTTAAAA
TAAACACAAATTTAATAAAAATAAAAAATAAGCATATATTTAGAAAATAACAAG
TTCTAGGCGTTATGAAATTTATTGTTTGGTGGATATGTGTAGGGTACCCTGCAGAA
GAAGGGGAGGAATTAGGTTCACAATCAATGGTCATTCCTACTTCAATTTAGTTCT
TGTAAC TAATGTTGGTGGTGCTGGTGATGTTCAATTCAGTTGCTGTTAAAGGGTCTA
AAACAGGGTGGATGCCTATGTTCGAGAACTGGGGACAAA ACTGGCAAAGCAACA
ACTACCTTAATGGACAAACCTTGCCTTCAAGGTTACAACAAGTGATGGTCAAAC
TGTGGTTTCCAACAATGTTGCCCATCTGGTTGGTCCTTTGGTCAAACCTTATTCCG
GTGCTCAATTCGCTGA