

IDENTIFICATION

Species: *Boechera stricta*

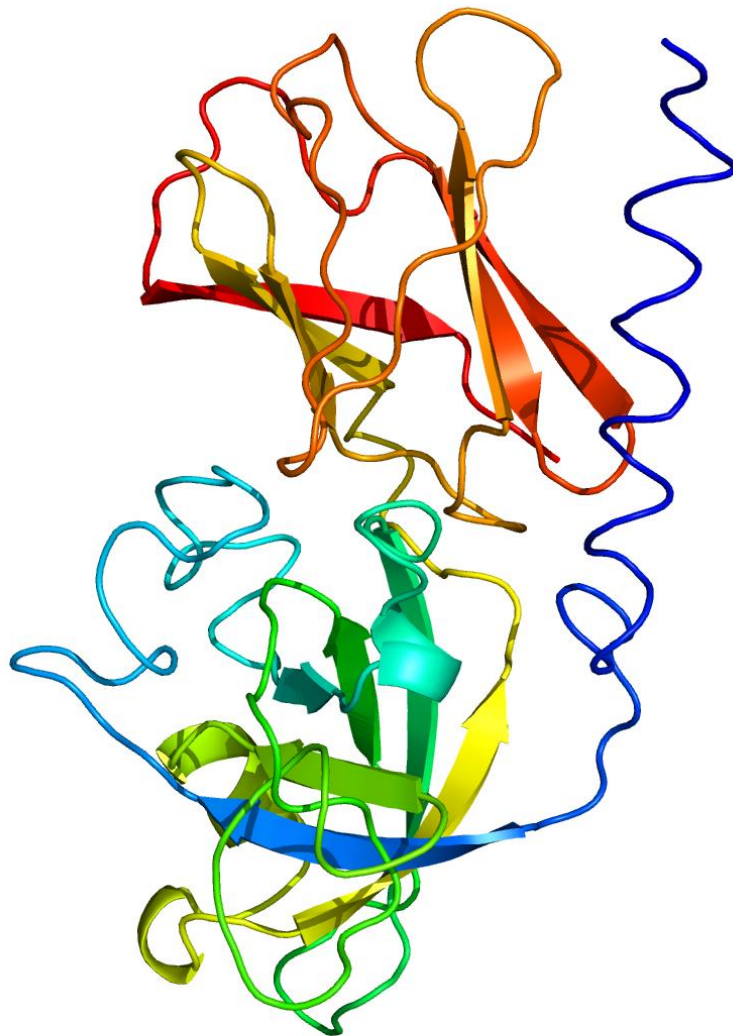
Locus: Bostr.0556s0121

Gene Model: Bostr.0556s0121.1.p

Description: BosEXPA-01

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

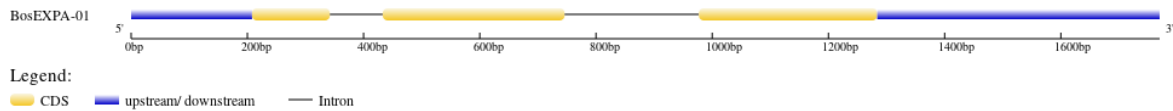
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Bstricta_v1_2

KEGG:-

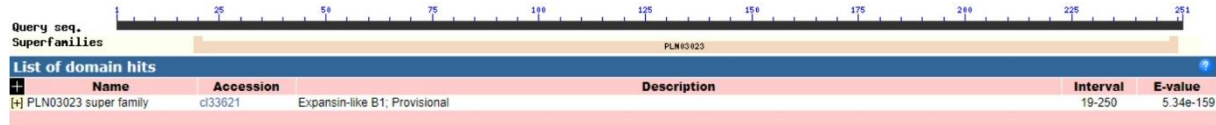
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>BosEXPA-01

MLMGKMGLLGILLLVFAAMLCVHGYDAGWVNAHATFYGGSDASGTMGGACGYG
NLYSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGACFEIKCQSDGAWCLPGAIIVTATNFCPPNNA
LPNNAGGWCNPLHFDLSQPIFQRIAHYKAGVVPVSYRRVPCQRRGGIRFTINGHSY
FNLVLVTNVGGAGDVHSVAVKGSRTRWQQMSRNWQNWQSNLLNGQALSFKVT
ASDGRITVSNNIAPASWSFGQTFTGRQFR*

CDS (coding sequence)

>BosEXPA-01

ATGTTAATGGGAAAGATGGGTCTTTTGGGAATTTTGTGTTGGTTTTTGCTGCAAT
GTTGTGCTCTGTTTCATGGCTATGACGCTGGATGGGTCAATGCTCATGCAACCTTCT
ATGGTGGAAAGTGATGCTTCAGGAACAATGGGTGGAGCTTGTGGGTACGGGAATC
TCTACAGTCAAGGATACGGAACCAACACTGCAGCGTTAAGCACCGCACTGTTCAA
CAACGGGCTTAGCTGCGGCGCGTGTTCGAGATCAAGTGCCAGAGCGACGGCGC
GTGGTGCTTACCTGGTGCTATCATAGTCACAGCCACCAATTTCTGTCTCCGAACA
ACGCACTTCCTAACACGCTGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCGCTTACCATTTTGT
CTGTCTCAGCCGATTTTCCAACGCATTGCTCATTACAAAGCAGGTGTTGTCCCTGT
TTCTTACAGAAGGGTTCCTGTCAGAGAAAGGGGAGGCATAAGGTTTACAATCAA
CGGCCACTCTTACTTCAACCTTGTTTTGGTCACCAATGTTGGCGGTGCTGGAGATG
TTCCTCTGTTGCGGTTAAAGGTTCCAGAACAAGGTGGCAACAAATGTCAAGAAA
CTGGGGACAGAACTGGCAAAGCAACAATCTATTAACGGTCAAGCATTGTCCTTT
AAGGTTACTGCTAGTGATGGTTCGAACTATCGTCTCTAACAACATTGCTCCAGCTA
GTTGGTCGTTTCGGACAAACCTTCACAGGCCGTCAATTCCGTTGA

Nucleotide

>BosEXPA-01

AAGCAAAGCAACTATCTCTCTTTCAAATTCATTTTTCTCACTCTCCATAAAGC
TCTGCACTTTCTCAAAGGAGAATGTTAATGTAATCATCTTTCTATTTCACTCCACT
CTCTGTCTATGATTTCAATCTTTAACTGTTTTTTGTTACTTTCTTAATGATAATGTC
CAGAGTTCTAAATTTGTCTGAAAATCTGTTCAATTGTAGGGGAAAGATGGGTCTT
TTGGGAATTTTGTGTTGGTTTTTGTGCAATGTTGTGCTCTGTTTCATGGCTATGAC

GCTGGATGGGTCAATGCTCATGCAACCTTCTATGGTGGAAGTGATGCTTCAGGAA
CAATGGGTATGTGCTCTGTTTCATGGCTATGTTCTCTAAAATGCTTTTTTATGAAAAG
TAAATTTAGAAAGTTTACATTTTTGTTGATGTTGTCTCTAGGTGGAGCTTGTGGGT
ACGGGAATCTCTACAGTCAAGGATACGGAACCAACACTGCAGCGTTAAGCACCG
CACTGTTCAACAACGGGCTTAGCTGCGGCGCGTGTTTCGAGATCAAGTGCCAGAG
CGACGGCGCGTGGTGCTTACCTGGTGCTATCATAGTCACAGCCACCAATTTCTGT
CCTCCGAACAACGCACTTCCTAACAACGCTGGTGGTTGGTGTAACCCTCCGCTTC
ACCATTTTGATCTGTCTCAGCCGATTTTCCAACGCATTGCTCATTACAAAGCAGGT
GTTGTCCCTGTTTCTTACAGAAGGTAACATACTTTTTTACTGTCACAAAGTCTTA
ATCTTCTTTTGTAATCTTAACTGTGTTAAATTTCTTGCTATGGGTCTTCGTAAGTT
TTCTCGTTGCTCTGTGTCTTAAAAGATGCTGTCAATTTATTGTTGAAAGTTTCAAT
CTTTTTTCAATTTTCACTAATCTTGTTAATTCTCTGGTTCGTCTCTGTTATTTAACT
GATAGTTTTTTTTTGGCTTCATATGTAGGGTTCGGTGCCAGAGAAGGGGAGGCAT
AAGGTTTACAATCAACGGCCACTTACTTCAACCTTGTTTTGGTCACCAATGTTG
GCGGTGCTGGAGATGTTCACTCTGTTGCGGTTAAAGGTTCCAGAACAAGGTGGCA
ACAAATGTCAAGAACTGGGGACAGAAGTGGCAAAGCAACAATCTATTAACGG
TCAAGCATTGTCCTTTAAGGTTACTGCTAGTGATGGTCGAACTATCGTCTCTAACA
ACATTGCTCCAGCTAGTTGGTCGTTTCGGACAAACCTTCACAGGCCGTCAATTCCG
TTGAAATTGTTTTTTAATTTCGGTCTTTATATAGTTTAGGGTGTGTGTAGTGGTGAG
GAAAGAGGAGAGATATAGTGAGAGGGTTTAAAGGCTTTTTAGGGTTTTAAGTGGA
GAGCCTTAAAACCTTCTTTGACTCTTGAGAGGGTGAAATGGAGAAAAGGGCTTATT
TTAAAAGGGCTCTTTTTGTCATTTTAAAGGATTAGGGTTTTAGTAAGTGGGTATTGA
GTAGTAGAGTGGTGTGTCTTAAAGGGATCTCCTATGTTTCACCAATGGGTTCCTTTG
TTTTATCACTTTTTATATTTCTTTTTTTGACCTTTTTCTGTCTTGTGGTTTTAAAAG
CAGAAGTGGGTAGGGGCAGAGGAGGAATTTGACCACCCGCCTTGTGTTTTTATTT
TTCTTCTTGGGTCGTTTTTGTTTACGTTATTAAGTTGTAATGTATTTGGTTGTTTTAA
GATCAGCTTTACCTGTGGGTTTGATAAGTGTTTTGTACCAGA