

## IDENTIFICATION

**Species:** *Amborella trichopoda*

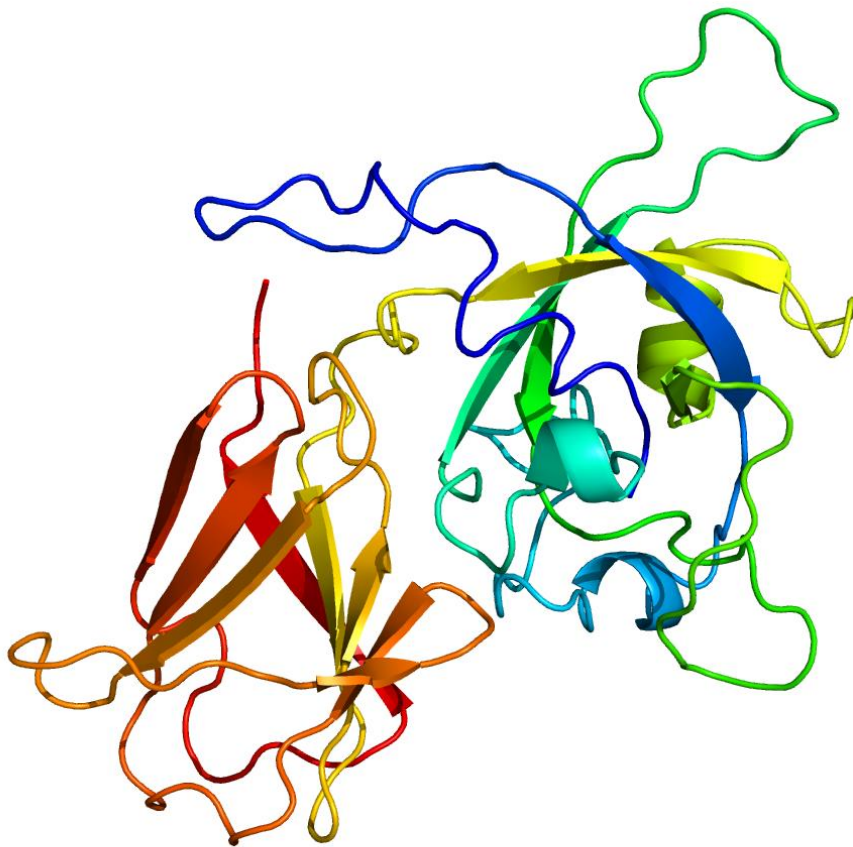
**Locus:** evm\_27.model.AmTr\_v1.0\_scaffold00044

**Gene Model:** evm\_27.model.AmTr\_v1.0\_scaffold00044.32

**Description:** AtrEXPA-04

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

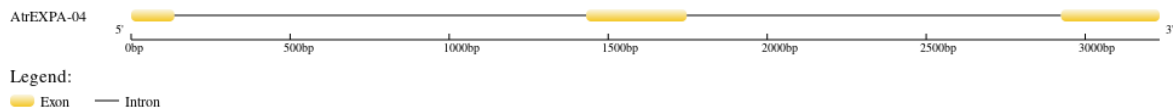
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Atrichopoda\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Atrichopoda_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02990>

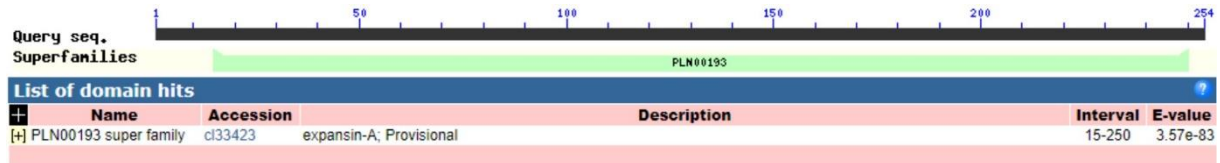
## EXTERNAL RESOURCES

[https://plants.ensembl.org/Amborella\\_trichopoda/Info/Index?db=core](https://plants.ensembl.org/Amborella_trichopoda/Info/Index?db=core)

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AtrEXPA-04

MCGNKLCLLHLLILWGAPFSFSAFDNSWHPARASYALKDPTEATAGACGYGNLMK  
RHYGMSTVALSDALFNKGASCGGCYEVRCVEELRYCIPGTSIIVTATNYCAANYGLP  
GDAGGLCNPPNKHVMPIAAFEKIGIWKAGVMPVQYRRIKCIREGGIRFTVTGLGIFH  
SVLISNAAGPGEVSAVKMKGSRGTGWLPMGRNWGSIWHISADFKNQPLSFEVTGSDGI  
TVTSYNAVQPNWQFGQTFEGKQFPS\*

### CDS (coding sequence)

>AtrEXPA-04

ATGTGTGGAAATAAGCTCTGTTACTTCATCTTCTTATTTTGTGGGGTGCCCCTTC  
TCATTTTCAGCTTTTCGACAATAGTTGGCATCCGGCTCGGGCCTCTTACTATGCCCT  
CAAAGACCCACAGAAGCCACAGCGGGTGCTTGTGGGTATGGGAACCTAATGAA  
GAGGGGTTATGGAATGAGCACCGTGGCTTTGAGTGATGCCCTCTTCAACAAGGGA  
GCCAGTTGTGGGGGTTGCTATGAAGTAAGGTGTGTTGAGGAGCTGAGGTATTGCA  
TTCCGGGCACCTCAATCATCGTCACTGCAACCAATTACTGTGCGGCAAATTATGG  
GTTGCCAGGAGATGCAGGGGGCCTCTGTAACCCGCCGAACAAGCACTTTGTGATG  
CCATTGCTGCATTTGAAAAGATAGGGATTTGGAAGGCTGGTGTCATGCCAGTTC  
AGTACAGAAGGATCAAATGTATCAGAGAAGGGGAATCCGGTTCACAGTGACTG  
GCCTTGGCATCTTTCACTCAGTTTTGATAAGTAATGCGGCAGGACCAGGCGAGGT  
TTCAGCTGTGAAAATGAAGGTTTCGAGAACAGGGTGGCTACCAATGGGCCGGAA  
TTGGGGCTCAATTTGGCACATTAGTGCCGACTTTAAGAATCAACCTCTCTTTTG  
AGGTGACTGGAAGTGATGGAATTACAGTGACTTCTTATAATGTAGCTCCCCAAA  
TTGGCAATTTGGTCAAACCTTTGAAGGCAAGCAGTTCCCTTCATGA

### Nucleotide

>AtrEXPA-04

ATGTGTGGAAATAAGCTCTGTTACTTCATCTTCTTATTTTGTGGGGTGCCCCTTC  
TCATTTTCAGCTTTTCGACAATAGTTGGCATCCGGCTCGGGCCTCTTACTATGCCCT  
CAAAGACCCACAGAAGCCACAGGTAACACATCCTCTTTCTTTGGCATTAAAGC  
CGAAAGCCATTCTTGCCGAAATATCGGCTGATTGCTTTTTTTGTGTGATTAACAGT  
GAGACTGTTTTAGGGTAGGTACATCAGTATTTTTTTGGCTAATTTTTAGGGAAATTT

GGTGATTTTCAGGTCTATTTTGGGAACATTGAAGAGAAAATAATAAAAAATAATAGA  
ACTTGTGGCTTAGGAGAATTGCATAAATGATACGTATCAATTCCTTTTTTCATGGT  
TTTGATTTGTGTTTTTCCTTTCTTGATGGTTAGGGATGGGTTTTGTGGGTTTGCTTG  
CATGAGAAACAGAGGAGAAGGTGGCGGGATGTATTAATGAAAGAGAAAATTACT  
TGCAACAAATGATGTGCATGAACTTCTAGAGTGATAAAATATGTTGTGACCTGTG  
ACTATGGAAAAATGATGCTGTTACTATTAATTGAGAGAGGAAATAAGGCTTTTTGT  
TATGAGCAGCTATGTCTTAATCCTATGCTGCAAGTTAATAATGGCTATGTTAAGTG  
GAGCTTGGAGATCGTCTTCACCCATGGATGTAGTGATATTAGATCTTGGTGTTTTC  
TGAGCTGTTTATTTTCATTTTGTCTGTTTTGTGCTATTTGTTGTTGGTTTCACCTATT  
TTCTTCCTTGTGATCGAGCACATCTGGTTAGGCTTTGGCACAATAATTTTGAGTAT  
TTGATAATCAGATGATTGATCTGTTTACCTATTTTTCTTTATATGTTTATGTTAGAA  
TTAATATACTAGCAGAGGTTCTCCCCATACACAGTTTACCTGCCACAGACTCAA  
GAGAGATATTTAGTATTGTACTCTGCAATTGAGGGAGAAGAACTGATCAGTGTAT  
GTGTGTGTGGGTGGGTGGGTGTGTTTTGTACTCTATTCTTCCTACTGTTTCACC  
CAGTGTTTTAAAACTGAACAGGTGGATCGAACTGGTTACCCACCTGTTCCACGT  
TAGCTCGGAAGTGCCCAAGCTAGCTTTCTGGTTCTCTAGGGGTTTTTTGTATTGAC  
ATAAAAAACAACTGGTGGGAACCTGATTGCAACAGGGCGAACTGGGGTTTTCTT  
AGACTCAGACAGCCCACCCACCCGTTCTGAGCCTGCTCACCTGTTTTTAAACAC  
TGGTTTCACTATATAGATGTGAGATGCATTCATATTTTCCTGTTGTCCTTCTTTCTA  
CCATACACACTTTTTGAGAGAGAGACTTCTATTTCTTTAAGTGAGAGACATAACC  
TTTGCTTGAACCTATTCTTCTTTGTTGGGCTTGTTTCAGCGGGTGCTTGTGGGGTATG  
GGAACCTAATGAAGAGGGGTTATGGAATGAGCACCGTGGCTTTGAGTGATGCCCT  
CTTCAACAAGGGAGCCAGTTGTGGGGGTTGCTATGAAGTAAGGTGTGTTGAGGA  
GCTGAGGTATTGCATTCCGGGCACCTCAATCATCGTCACTGCAACCAATTACTGT  
GCGGCAAATTATGGGTTGCCAGGAGATGCAGGGGGCCTCTGTAACCCGCCGAAC  
AAGCACTTTGTGATGCCATTGCTGCATTTGAAAAGATAGGGATTTGGAAGGCTG  
GTGTCATGCCAGTTCAGTACAGAAGGTAATTGAGGATCTCTCTCTCTTTCATATC  
TATTTTAATTATAATTGTATTGGTTGTTTTGATGAGACTCTTATCATGCTCTAATTG  
CACTTGTTTTTCAACTTGCATCATTTCTATGAAACCAATTGCTGGAGAGTAAATTAT  
ACAACCAACAACGATCAACTTTTCTAATAATCAAATAACATAAAGAAAGTAGT  
GGTGAGATACGATCACATACACCACGCCATCCAGATCGAATGATTAAAGGAAGT  
GGAATATCCCCTGGCAATTATGACCTATCCTAGATAAAATTAGAGATATTACTAA  
GGGATAACTATTTTTTTCCGGTCCACATCTACAGGGAAAAGGACCCTTCACAGAAT  
ATCTGGCCAATGAGATTATCTCCAAGACACAACCTGCTGGTGATTAACCTAATAGT  
TTTATATAGTCCTTACTTCTTAGTGATATTTTTGACGTGATATGTATGTAGATTAAT  
TTTGTGCAATGAATAAATACTTACTCTTAATTTTGCACAATTAATAAATACTAAGT  
AAGTATTGAAGAAGACATACTATGGTGTATGCACACTTGATATGGTTGGTACTGC  
ATCACGCCCAATTTGAGAACAACCTCTAAATTGACCGAGTAGAGACTAACTATGAC  
TCCACCACAACCAACCTTTCTGAGGGTAAATCCATGGAACAAAGCCTAATCCAG  
TAATTAGGTTTTCTAGTGGAGGTA AACATTCCATAGAAATCAAGTTTAATTTCTA  
GCATTTAGTAACTTTTTGTGAACGTGCATGTATAACATTAACACAATGCAAAAAGC  
TGGTTTTATCTCTTCTTCCCTCCCTCCCTCTATTTCTCTCTCTAGTTCTTCTTATTT  
CTGATGAATCATGATATTAACCCCAAATGCGGGCAGGATACAGTGATCATCAAT  
CCTAAATAGACTTCCATTCTCTGTCTGCATCCCCTGAACTTCCCACCCAACCTTG  
GCAAATTTATGCTGAAACCTGTCGAGTTTTGAAGAAATTTCAATCTAAACCTGCT  
AAATCGGTGGAACCTCTGATGGAATTGAAGTCTGTTGTAACTCTTCTACTGTGGC  
TGAGATCCATCTAAATTTTGGTTCTTTATCTCACTAAAGTAGTGGCTATCTTTAGT

TATCTTCTAATTCATCCTGGTTATGGTGATCTTCAGGATCAAATGTATCAGAGAAG  
GGGAATCCGGTTCACAGTGACTGGCCTTGGCATCTTTCACTCAGTTTTGATAAGT  
AATGCGGCAGGACCAGGCGAGGTTTCAGCTGTGAAAATGAAGGGTTCGAGAACA  
GGGTGGCTACCAATGGGCCGGAATTGGGGCTCAATTTGGCACATTAGTGCCGACT  
TTAAGAATCAACCTCTCTCTTTTGAGGTGACTGGAAGTGATGGAATTACAGTGAC  
TTCTTATAATGTAGCTCCCCAAAATTGGCAATTTGGTCAAACCTTTTGAAGGCAAG  
CAGTTCCTTCATGA