

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

Locus: XP_011084824

Gene Model: XP_011084824.1

Description: SinEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

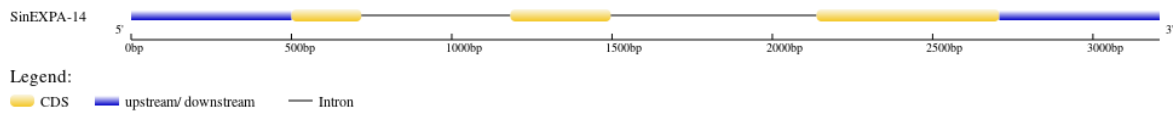
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

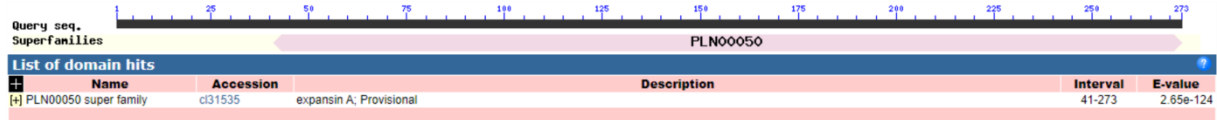
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-14

MCTNLSSPLHSYLTLSSSFMAVPTMSMLSLLLFSFFTFCLRATYGDYGGWQSAYAT
FYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGACFELRCSGQPK
WCLSGSIMVTATNFCPPNPSPNNGGWCNPPRQHFDLAQPAFLQIAQYRAGIVPVSF
RRVPCRKKGGIRFTINGHSYFNLVLITNVAGAGDVHSVSIKGSRTGWQSMSRNWQGN
WQNSYLNQSLFRVTTSDGRTVTSYINVVPGNWQFGQTFEGGQF

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-14

ATTCATCAAACCTTATGTGCACAAACCTCTCATCACCCTTCACTCCTACCTAACAC
TTCTTTCTTCCCTCATTCATGGCTGTTCCAACAATGTCCATGCTCTCTACTACTCT
TCTCCTTCTTACCTTTTGTCTACGAGCCACTTATGGCGATTACGGAGGGTGGCAA
AGCGCTTACGCCACTTTCTATGGTGGTGGGGATGCTTCGGGCACAATGGGGGGTG
CTTGTGGGTATGGCAACTTGTACAGCCAAGGATACGGCACCAACACTGCAGCCCT
CAGCACTGCTCTATTCAACAATGGACTTAGCTGCGGGGCTTGCTTCGAGCTAAGG
TGTTCTGGCCAGCCGAAATGGTGTCTTGTCCGGCAGCATTATGGTCACTGCCACAA
ACTTCTGCCCCGCCAACCCGTCCCTGCCTAACAACAACGGCGGGTGGTGAACCC
GCCTCGGCAGCACTTTGATTTGGCTCAACCTGCTTTCTTGCAAATTGCACAATACC
GGGCTGGAATCGTCCCTGTTTCTTTCAGAAGGGTGCCTGCAGAAAGAAGGGGGG
AATAAGGTTACAATCAACGGCCACTCCTACTTCAACCTAGTCCTGATCACCAAC
GTTGCCGGCGCCGGTGATGTCCACAGCGTGTGATCAAAGGGTCAAGAACTGGAT
GGCAATCCATGTCAAGAACTGGGGCCAGAACTGGCAGAGCAACTCCTACCTCA
ACGGCCAAAGCCTCTCGTTCGGGTACCACAAGCGATGGAAGAAGTGTACCAG
CTACAACGTAGTACCTGGAACTGGCAGTTTGGACAAACATTTGAAGGTGGACA
ATTCTAGTTGTTTTCAAGGGCAATAAATAGGATGAAATGAAATTATATTTGTATA
TGGTCCGTTGGGAGCAGTGGTGGTAGGTTTACGCCCGCGCTAGGCCTGATATACG
TATGTACGTAGTCAAGTTACAATTGTTTTTGCCTTTTTTTTCTTTTTGCCCCCTTTT
AAAAGAGGTTGAAATGAATTATCATGTAGATTCAATCCTTGATTCAGTACAAACA
CTGAGTTAGGGCTACCTTAATCAAGTATGGTTTAATGGTCCTTTTACTAGA

Nucleotide

>SinEXPA-14

TAAACTTACATGACTAAATAAAAATTAATTCGTGCAGAATAAAAAATACCAACTCT
TAAAATTATATTTTTCTGTAAAGGGAGTCATAATCACTCATTTTTTAGCGAGAGG
GGGGGGGGGGGGGGGGGAATGGGGATGGAGGAATCAATTTTGTGTTGAACAGGG
GTTGGTGGTGTATAATAATGCTTTGTTTTAAAAGAAATGTGTATCTGATTATAGA
GAAAAAGCAATTACAAATTTTTTGGTTTTAGAAGCTGAGGTTTTGGTATATTAATT
TTTTCTGATTGTGGAAAACAGTTGAGAAGTGCATGTGCTTGTAGGGTCTATGGGAT
TAGCAGTTGGTAGTTCAAGTTGGAGCAAGTGCATGTGCATCTTTCTGACTTCAA
TATTTTGTGATTCACTTGTGTTGCCTCTTGTTCAAACCTTGTCATTTTCATCCACAC
TGACATATACTCACATTGCCCCCTTCTGTCTTCTCTATATAAATAACCCCTCCC
ATTCATCAAACCTTATGTGCACAAACCTCTCATCACCCTTCACTCCTACCTAACAC
TTCTTTCTTCCCTCATTTCATGGCTGTTCCAACAATGTCCATGCTCTCTCTACTACTCT
TCTCCTTCTTACCTTTTGTCTACGAGCCACTTATGGCGATTACGGAGGGTGGCAA
AGCGCTTACGCCACTTTCTATGGTGGTGGGGATGCTTCGGGCACAATGGGTGAGT
TAAAACAACTTTAGGAAAAGAAGAAATACATAGGTCACTTTGACGATAATGATTT
TATTTTTTGTATTTTGAATCAAGATTCTATTTATTGTATAATGTGTGTCGTTCTTA
GGAGTTTTCAGGACCTATAGCTTGAGAGCAATCATAACAACGTTATCATTTCATAT
GAAATTCATCGTACATAAATGATTGTGATTGCCTGAAACTCAAGAGTTTCAAAC
CTCTTAAACATTATCCAAAATTAAGGGCACAACAGCATGCCATGCTACCGAAAAG
GTGCTCCCAATTTTGCACAATGGCCACTTCTTTGTAATGGGACCACACGTCTTCCC
CTCGTGACAGTGGCATTAACTATATCATTAAAGCTTTTGGTCACACACGACAACA
TGCTAGCCCAAAGGTGATTTATCATGGAATCCAACAAGTGATACATTTTCTTG
GCTATTATGAATGCAGGGGGTGTGTTGTGGGTATGGCAACTTGTACAGCCAAGGAT
ACGGCACCAACACTGCAGCCCTCAGCACTGCTCTATTCAACAATGGACTTAGCTG
CGGGGCTTGTTCGAGCTAAGGTGTTCTGGCCAGCCGAAATGGTGCTTGTCCGGC
AGCATTATGGTCACTGCCACAACTTCTGCCCGCCCAACCCGTCCCTGCCTAACA
ACAACGGCGGGTGGTGAACCCGCCTCGGCAGCACTTTGATTTGGCTCAACCTGC
TTTTCTTGCAAATTGCACAATACCGGGCTGGAATCGTCCCTGTTTCTTTCAGAAGGT
AACTTCACTTAGGCTAATTGAGCCCAAATGATTTTTGAGTAGGATAAGGATAATA
GTGTTTGAAGCCATATCTTAGTGCCACACAAGAAAAATTCTTATTCAAATTAAGT
TTGGTTGAACTAAATTAATCGCAGAGCAAATATGATAAACTTAACATGTGATTAA
TCACCTGAATTGTATATCAATCACTCAACAAGTGTATTCTCAATTTGGGTTAGAAT
TTTTACCACAAAAGATACGATTAATACATGTAATTTAAGATCTTCCATTCCAAT
TGGTGCTATATTATGAGGTGTTTGGATGAGCCTAAGATATTACAAAGTGTGTTGA
TAAATTTTTTAGAAAAATATCTTAAGATAAGATATCTGGAGCTCACAAGCTCTTTT
ATAAAAAAACCAAAAAAGTGAGTTGCCAACTTATTTCTAAAATCTTAATAAAATT
CTTTAAATTAATTAATAATTTGTCATTACTAATATCTTATAAGCTCCATTATCTTAT
TTTTAAAATAAGATCTAACATATCGTACGAGTTTTAAAAATATTTTTTAAGATGTA
TGAGTTTATATAATCAATTAATAAACTTAGCTGAACACCCTCTTAATCCAGTCTC
GACATAATCTGTGTTGGGTTTTGACAGGGTGCCTGCAGAAAGAAGGGGGGAAT
AAGGTTCACAATCAACGGCCACTCCTACTTCAACCTAGTCCTGATCACCAACGTT
GCCGGCGCCGGTGTGTCACAGCGTGTGATCAAAGGGTCAAGAACTGGATGG
CAATCCATGTCAAGAACTGGGGCCAGAAGTGGCAGAGCAACTCCTACCTCAAC
GGCCAAAGCCTCTCGTTCCGGGTACCACAAGCGATGGAAGAACTGTTACCAGCT
ACAACGTAGTACCTGGAACTGGCAGTTTGGACAAACATTTGAAGGTGGACAATT
CTAGTTGTTTTCAAGGGCAATAAATAGGATGAAATGAAATTATATTTGTATATGG
TCCGTTGGGAGCAGTGGTGGTAGGTTTACGCCCGCGCTAGGCCTGATATACGTAT
GTACGTAGTCAAGTTACAATTGTTTTTGCCTTTTTTTTTCTTTTTTGCCTTTTAAA

AGAGGTTGAAATGAATTATCATGTAGATTCAATCCTTGATTCAGTACAAACACTG
AGTTAGGGCTACCTTAATCAAGTATGGTTTAATGGTCCTTTTACTAGACATTTGTC
TTAAGTATAAATTACAGTGATACTTATATGTCTAATTACATAAATATCTCACATCT
TTATGAAATTATAAATACACCCTAATAATACCTCAATTCAACAGCTAGATGTAAA
TAACATGTAATTTTAATTAATATTTTCAAAAAATAATCAAAGTAATGTGTTTGAA
AACATGCAAAATTATTCTGAAAATAAAATAATAATATATGTTGAATGAATCAACG
ACTAAGGGTCAAAGATGATTACCACTGAAGTCTTCCTCGCAACTACCCTGAACCT
GAAGTCCTCCGCAATTCACGCCGGGTCTTGAAGAACGACTCTGATCATGTTGCT
TGCCTTTCTGTCATTTCAAACGCTAGGGACGGCACCGGAGGCATTGGCCATCAAG
TGGTGGACTGGTTGGTTGATGGTTCCTCCGACGACATTGAAACTACCTCTATTCAC
TCGCTTATTTTTATCTCAGATTATTTGAGTTTGAGGTTTAGATTTTATTT