

IDENTIFICATION

Species: *Ananas comosus*

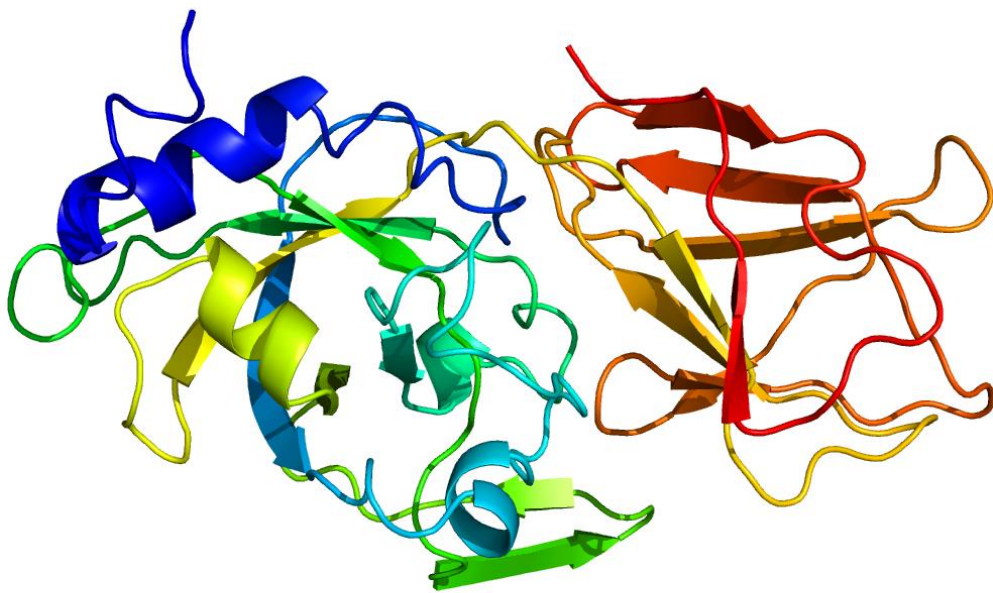
Locus: Aco017500

Gene Model: Aco017500.1

Description: AncEXPA-18

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acomosus_v3

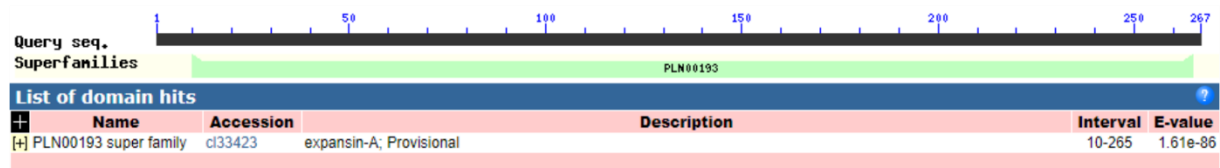
EXTERNAL RESOURCES

[http://pineapple.angiosperms.org/pineapple/html/index.html#:~:text=The%20PGD%20\(Pineapple%20Genomics%20database,genomics%20and%20CAM%20pathway%20genes..](http://pineapple.angiosperms.org/pineapple/html/index.html#:~:text=The%20PGD%20(Pineapple%20Genomics%20database,genomics%20and%20CAM%20pathway%20genes..)

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AncEXPA-18

MASSFRRPRSIGRLLVALAVLMAITVTRVDANFQTSDWSLAHATFYGDETA SETMGG
GYGNLYSTGYGTATAALSSVLFNEG YGCGGCYEIRCTGATYAGSPSIVVTGTNLCPP
NWA EASDNGGWCNPPRVHFDMSKPAFMQIADWNAGIVPVMYRRVSCPKTGGVRFQ
FQGNAYWLLVYVLNVGGSGDVC SIDVKGDSTDWISMTHNWGASFQAFANLGGQAL
SFQLTTCTSQETLILYNVADAGWSVGLTYEGDSNFF*

CDS (coding sequence)

>AncEXPA-18

ATGGCTTCTTCCTTTCGTCGCTCGATCGATCGGTCGCCTTCTGGTAGCGCTGGCAG
TGCTGATGGCAATCAGTGTCGAGTCGATGCAAATTTCCAGGTCTGTGGTCTCTCG
CCCATGCCATTCTGGGGGAGCGCGTCCGAACATGGGGGGAGCCTGTGGATATGG
CACTCTAGCCGGCTGGGGGCGCGCGGCGTTGAGCTCCGTGTTGTTTCAGAGGGGTG
GGTGC GCGGTTGCTATGAGATGGTGC GGGGGCGGGCTTGCTGC GGGGAGCCCG
TCGATTGTCGTGCGGCGACTCTGCCC GCCATGGGCCGAGGCATCCGAGGCGGGT
GGTGCACCCCCGAGGGTGCTTCGATGT CGAAGCCCGCGTTCATGCAGATCGCCGT
GGAGCCGGTATCGTCCCGGTCATGTCGGAGGGTTTCATGCCCTAAGGGGCGGAGT
CCGATTCCAGTTCCAGGGGAGCCTTG GCTGCTGGTCTGTGCTCAGTCGGCGGATC
GGGGGTCTGCAGCATCGGTGAAAGGCGAGCCGTGGATCAGCATGCCATGGGGC
GCGTCGTTCCAGGCCTTCGCCACTCGGCGGCCAAGCCCTCTCCTTCCAGCTCCACC
TGCTCCCAAGAACCTAATCCTCTAGTCGCCGGCTGGCTGGAGCGTCGGCCTCCT
GAGGGCGTCCATTCTTCTAA

Nucleotide

>AncEXPA-18

AAGAGATTAAGCTTTCTCAAAAAGTGCTTTTGAGCCTCTCAAGCAAATTAGGGCA
TCCATGGCTTCTTCCTTTCGTCGCTCGATCGATCGGTTCGCCTTCTGGTAGCGCTGG
CAGTGCTGATGGCAATCAGTGTGAGTTCGATGCAAATTTCCAGGTCTGTGGTCTC
TCGCCATGCCATTCTGGGGGAGCGCGTCCGAACATGGGTCTCTCTCTCTTTTCTC
GTTTTCTTCATTTTATTGAGAAAATCCTTTCTAGAATAAAAATTTTCGGTGATT
TTTTCAGTATTAATTATCATATTATTCTTGATTATATCTCATTAGATAGGATTGAT
TGATAAATCCTTTGCGGCATATTATATCTGTTTGTATTGTAATAAAAATTTATTCTCT
TTTCTTGATCATGTATATATGTTTATAACCTACCTATAGTGATGCATGTATGCTT
TTGAAATATGTGCAGGGGGAGCCTGTGGATATGGCACTCTAGCCGGCTGGGGGC
GCGCGGCGTTGAGCTCCGTGTTGTTTACAGAGGGGTGGGTGCGGCGGTTGCTATGAG
ATGGTGCAGGGGGCGGGCTTGCTGCGGGGAGCCCGTTCGATTGTCGTGCGGCGACTC
TGCCCGCCCATGGGCCGAGGCATCCGAGGCGGGTGGTGCACCCCGAGGGTGCTT
CGATGTCGAAGCCCGCGTTCATGCAGATCGCCGTGGAGCCGGTATCGTCCCGGTC
ATGTCGGAGGTGCGAGTTCAATGAATAAATTCATGCTAGATTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTGGCGGTATCAAATTTGAGTTCCCGATTCAAATTATATATAGAGAT
TTATTAGAATTATCGATAGTAAAGCTCGATTTTATCAATTTATTTTTTAGATAGAG
CTTTCAAATCGGGTTGATCGTTGAATATATATGATCTAAATTATTTAAATTATTTG
AAAATCAAATTTTATTTTTTCGATATTATTCTCTTATCCATCAAGTGAAAATAAAA
TCATGGCGGAAAATAAATATCTTTCAAAAAGTGATTATATAAATTTGTGTATTTAA
AATTTAGAGTCTAGATCTTGTTTTAAATAAATTTAAAATATTTTCTAATGAGAATTT
AGCTGATTTAATCTTCTATATCATTAAATAAGCGCACGTATTGGCTAAGAATTAG
GTTATAGGGATGTTTGGGTTTTGAGTAAGTGTCCCATTTATCCTAATTAAAAAAAT
ATCTTAATGCCTAAATATAAAGCTCAATCCACAAAATAAAAATATTTCTATTCAT
CCCCAGTCCATTTGGCCCGATTAAAGAAAAGAAAAAAGAAAAATCAATTC
ATCTTTTCTTCTCTTCTCAATCCTGAAATTCTAGATGAAGAGCGTTTCTATCGT
CTTCTCCGCCATCGCAGCCAGAGATAGAGTTTCGTGTTGCTAAATGCTTAAATA
AATATTGGTAAATTAGCAGCTCTTTTAGATTATAGCGTCTTTATGTCTATATCTAG
CGCCCATATAGCATTTTTTAAAAGTGTGCGTAATTTTAGCTAGCAGCTTTTTTGATG
TCTATATTTAAAAGTGTGCTATAGCTTTTTTGTATAGTGTGGCCATTAAAATTA
AAATTTGTGATTCTTCGATTGTTCCGTTAGTGATGTCGAAAAAATATAAAATTTA
ATTTCTATATAATTTAAATAGTTTAGATCATATTCTATTGTCGCTGTTTGGAAAGCT
CTAATATGGAATGCAAATTGGTTAATAACCAATTTCTTAGTAGCCAGCAAATCC
AAATTATATATAGAATTAATTGTTCCCTCAATTTCTTCTACTTTATAGCTAGTAT
GCTTGAGAGGTTCGAATATATATGCATTTGCCAAAGAATTCAAATGTTGAGAAATT
CTCAAATAATGCATGCAAAGGTGGTTGAATTATTTCTCTTTGAGAAATTGCTCTA
TTCTCTCTCAATGTTTCTCCATCCTCCTGCCATATATGCATGCATGCATGCAA
AAAAAGATCAAAGAGAAGCCAAAATAAAAATTATGTATATAGAGTTGAGTTGG
AATGCTATATCAGTAGTAAATGGGTTCCGTTGTCCCATTTGTTTTCGATAATAGAT
TCTCAAATCGATGATTAGTATCGTTGAAGATGATTTATCTTGAAGTATCTAGAAC
AAATTTCAAGTCTTTCGATCATTGGCGTAATGATTAAGGGTTTTAAAATTTATA
GTTTGAATGATCAATATGAGATTTTTTCGTTTGGCGTAAAGATATTCAAATTAATT
GAATTTTGGTTATAAAAATTGTTTAAATTTAAAAGATCTATTCTTAATCTCGATT
ATAAGTCCTATCATCTTTTTAAAATAATTCATTTTCACGTTTATTTATGTCCTTGA
TGGATAAGAGAATAATATCTAAAAGTATGAAAATTGGTTTCTAGATCCTTCAAG

TGATATAGATTATATTCAGTATGAAAATTGGTTTCTAGATCCTTCAAGTGATATAG
ATTATATTCAGGTCGATCGTTGATTTGAAGGCTCTATCATCGAAAAAATGGGTGG
CAGGAGCTCGTTTGCCTAATAGTATTCCAGCTCATATATCTCTCTATATATATA
TGATGATCTAATTTGGTCAATATGCGCAATTGTGTTGTTTTAGGGTTTCATGCCCT
AAGGGGCGGAGTCCGATTCCAGTTCAGGGGAACGCCTTGGCTGCTGGTCTGTGC
TCAGTCGGCGGATCGGGGGGTCTGCAGCATCGGTGAAAGGCGAGCCGTGGATCA
GCATGCCATGGGGCGCGTCGTTCCAGGCCTTCGCCACTCGGCGGCCAAGCCCTCT
CCTTCCAGCTCCCTGCCTCCCAAGAACCTAATCCTCTAGTCGCCGGCTGGCTGGA
GCGTCGGCCTCCTGAGGGCGTCCATTCTTCTAAAAATTTAGTTAAAATTTTTTAA
AAAAATCAAACAAAAAAACGATCGATCGATCGATCGCGATTTTCGATCGATCGAT
GTTGTCTTATGTTTTCTATAGTTGGATCATGTTAATTCTCTTGATCTCTCTTTAATT
CTCTCTTTTTTTGCTTCTATTTTGCATAAAGTGATGAGCTAGCCCTTATATATAATT
AATCTTCTTTGGGTAAGGATTCAATTATATAATGTTATAGTTGTATGAATGTGGTG
CATCTATCATGTCCTGATCCTTTTGTTCCTCTGATAATTGGCTCATATTTTCAGCA
TATCTAAGGTGTTAATCTCTCTCTCTCTCATTGTTTTTGTAGAATCTGTTGTAA
AGTTATGCAAATAGAAAATGCTT