

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

Locus: XP_015939537

Gene Model XP_015939537.1

Description: AdEXPA-25

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

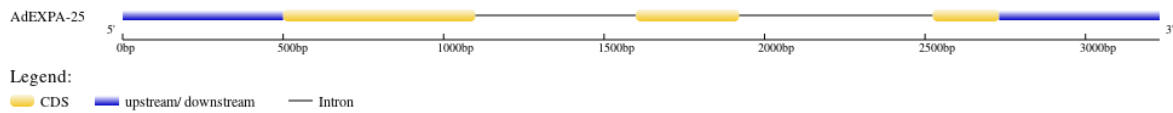
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

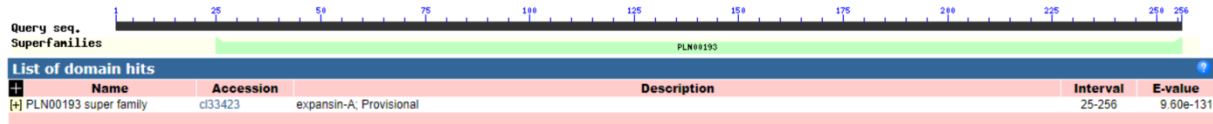
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-25

MEKLIFSIVIILLLSLLTTQHKVVASSSWQQAHAATFYGGSDASDTMGGACGYGNLYT
DYGyVKTAALSTALFNDGKACGGCYQIVCDATKVPQWCLKGTSITITATNFCPPNYA
LPNDNGGWCNPPRPHFDMSQPAFEKIAKYKAGIVPIFYRRVGCKRTGGIRFTINGRDY
FELVLISNVGGAGDISKVIKIGSKMNNWETMSRNWGSNWQSLSYLNQSLSFKIQLS
NGRIRTAYNVAPSNWNFGQSFTSNIQF

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-25

TTTCCATAATCTTCAGCAGCAAACCTAAGCTACTAACTAATTCTTGCGCCGACACA
GAGAGTGTAAGAGATGGAAAACTAATCTTCAGTATTGTAATAATATTGCTTTTG
AGTTTATTAACCACACAGCATAAAGTAGTAGCATCCTCATCGTGGCAACAAGCTC
ATGCAACATTCTATGGTGGAAAGTGATGCCTCAGATACAATGGGTGGAGCATGTGG
GTATGGAAATCTATACTGATGGTTATGGAGTTAAAACAGCTGCATTGAGTACT
GCTTTGTTCAACGATGGTAAGGCATGTGGTGGTTGCTATCAGATAGTTTGTGATG
CAACAAAAGTGCCACAATGGTGCCTAAAGGGCACTTCCATCACAATTACTGCCAC
AAATTTCTGTCCCTCAAACCTATGCACTCCCTAATGACAATGGTGGTTGGTGAATC
CTCCAAGGCCGCACTTTGACATGTCTCAACCTGCTTTTGAGAAGATTGCCAAGTA
CAAGGCTGGAATTGTTCCATTTTCTACAGAAGAGTTGGGTGCAAAGAAGTGGGA
GGCATTAGATTCACCATTAATGGAAGAGACTACTTTGAGCTAGTGCTAATAAGCA
ACGTGGGTGGGGCAGGAGATATCTCTAAAGTTGGATCAAAGGGTCCAAAATGA
ACAACTGGGAAACCATGTCAAGAAATTGGGGCTCTAACTGGCAAAGCTTGAGCT
ACCTCAATGGCCAGAGCTTGTCATTCAAAATCCAACCTCAGCAATGGAAGGATTCCG
CACAGCATACAATGTGGCACCATCCAATTGGAACCTTTGGCCAGTCTTTCACCAGC
AACATTCAGTTCTAAATCTTGTGTAATTATGTAATCCATTTTAAGTGCTAATCTGT
TTGTTCAAAGGAATGTTTTAAGGTTAGTGTGTGACTTCACATGGGCAAGATATTTT
AGGTGTTGTGAAGCTCATTGACTTGGCTGATTAATTTTCTTTTGTTTTATGGTTGC
TAAATGAACTTGGGAAACACTTTTATGTTATCCCAAAGATTGAAGATTGTGAAAT
ATTTTGCTGATTCCATGATTCCATGTATTCCTCTCTGCCATATCTTCTGGACAATG
AAATATACTTATTCAAATATTCCA

Nucleotide

>AdEXPA-25

GAGTTAATTTTTTTTTTAAATTGATATTAATCAAATCAGACAGTCCGTTTTGTACTT
TTAGAGGTCCAATAAATTTATTTTTGAAAATAAAAATCAGTGTCCCATTTC AATGT
TAATTTTTTTTTATGAATAATGTTATACATTCAAGTGTTTTTGTAACTAAGTTTAA
CCAAGTTGGTCTAATATTAACAAAAGTCAATTATAATTAGCATTATTTTAAGTTTT
ATTATTTAATTTAGTTGAACTTGATTCATAAAAAAATTTGAATGTGTAGCATTACT
TATTTTTTATTTTTAAAAATATAAATCGGATGATTTCGATTTGTGTTTTTTATTTTT
TTATTTTTTTTTCAGGTCATTGTGCAACTAACCAAGAAATCGGAGGCACCCGTTTC
TTTTCTCCATACCATTGAAAAACACATCTCCTGACATATGCTTTTGTGTTGCGCAC
TACCATAGAAAAATAATAAGCGTAGGGTTAAAGCAGAAAAAGTTGAACATGGA
ATATTTGAATAAGTATATTTTCATTGTCCAGAAGATATGGCAGAGAGGAATACATG
GAATCATGGAATCAGCAAAATATTTCAATCTTTGGGATAACATAAA
AGTGTTTCCCAAGTTCATTTAGCAACCATAAAAACAAAAGAAAATTAATCAGCCA
AGTCAATGAGCTTCACAACACCTAAAATATCTTGCCCATGTGAAGTCACACACTA
ACCTTAAAACATTCCTTTGAACAAACAGATTAGCACTTAAAATGGATTACATAAT
TACACAAGATTTAGA ACTGAATGTTGCTGGTGAAAGACTGGCCAAAGTTCCAATT
GGATGGTGCCACATTGTATGCTGTGCGAATCCTTCCATTGCTGAGTTGGATTTTGA
ATGACAAGCTCTGGCCATTGAGGTAGCTCAAGCTTTGCCAGTTAGAGCCCCAATT
TCTTGACATGGTTTCCCAGTTGTTCATTTTGGACCCTTTGATCCAACTTTAGAGA
TATCTCCTGCCCCACCCACGTTGCTTATTAGCACTAGCTCAAAGTAGTCTCTTCCA
TTAATGGTGAATCTAATGCCTCCAGTTCTTTTGCACCCA ACTCTGCATAGATGCAG
CACAAAATTTGCACTATACTACTTAGCTTGCTGTGCTCATTAGTGTGACTACTTTG
AATAAGTTTAAGGATAAAAATATAACAATACTAATGCTCATTGTTGGTGATATTATG
CATCGATATCAGAAGATGCTAATGCATATTCCTACATGTAAAAATATAATGTTAA
ACACATTA AACCCATTGATACTCAACAATACTTAGCATATATAGAAAAATATTAC
TTAAAAACCTAGAATATTGGTAAAATTAACAAAAATGTTTCGTAGTGCACATAGA
AAATCACCGACCATATTAATCATTATGTATTTATATATAAATATATGTTTTATTTA
ACTTATTTTTATTGTATATATTATATTGAACATGTATTTTATACGTGTAGTTGATTT
GATGACTGATTTTTGACATACTTAATATGATTGTAAAATCAGTGCAAAATCTG
GGTCTGGAACAATTTTGTTC AATAGTAATGGTTAATATACCTTCTGTAGAAAAT
AGGAACAATTCAGCCTTGTACTTGGCAATCTTCTCAAAGCAGGTTGAGACATG
TCAAAGTGCGGCCTTGGAGGATTGCACCAACCACCATTTGTCATTAGGGAGTGCAT
AGTTTGGAGGACAGAAATTTGTGGCAGTAATTGTGATGGAAGTGCCCTTTAGGCA
CCATTGTGGCACTTTTGTTCATCACAACTATCTGATAGCAACCACCATGCCT
TACCATCGTTGAACAAAGCAGTACTCAATGCAGCTGTTTTAACTCCATAACCATC
AGTGTATAGATTTCCATACCACATGCTCCACCTAGTAACAAAACAACACAAATT
GAATTACTCATTTCTTTTTATAAGGTATTTATGCTCTTATTTTGTACTTTAATCAA
TGCCCTCTAATTCCTGCGTTGCCTAATATTAAGTTGTTATTTGTTAATGTTATGC
ACATCTGAAAAAATGATTCTAATTCCTATATTTTTCATTTCTCTATCTCAGTGTCT
TGTTTCATCATATTTTTCGTTCTGTTTTTATTTTATAGTTTATTTAAGAATCTCGATT
CCACATGCGAGAGTAGTTTTACGGCACGGTACAATCCCAAACAATATAACTCAC
AAAAATACTATGGCCTTTATAAATATAATCACCCACATTCCTAATCCATGAGACA
CCATAAACAAATGTTATCATCTCAACACCGAAATTATCTTTCGTGATTACCACCA
AAACAATCAATTGTTAGGATGAATATCATGCAATTACAACACTAAGAATATCATA
TAATAGCACCTAATTATATGTCTCTCGTTCTAAACACAGTTTAAAGACCAAATCTT
ATTAGATTATAATGTAAAATCAA ACTGAAATCATAACAATAAAAATAAAATGT

AGATGTATTATTATATTGATACCCATTGTATCTGAGGCATCACTTCCACCATAGAA
TGTTGCATGAGCTTGTTGCCACGATGAGGATGCTACTACTTTATGCTGTGTGGTTA
ATAAACTCAAAGCAATATTATTACAATACTGAAGATTAGTTTTTCCATCTCTTAC
ACTCTCTGTGTCGGCGCAAGAATTAGTTAGTAGCTTAGTTTTGCTGCTGAAGATTAT
GGAAAGCTCCTAAGGGTTATTTATAAGTGTAGTTAACTAACTCATTTCAAAATA
TGGACTAAAATATGGAGTTGACCGAAAAGTTCTCTTATTATAAAAAGAACCATTG
TGTGACACATCATAATACCGTATCATATGTGAATATTTTAAGGAAACAAGCAATG
GGGTGAGACAAATGTGAAAAATACTCAACCCTTCCAAATAATGTAACGGTGGGT
AGTTGAATCTCAACACTGCCGTCTTGGAATTGGCACATATAATCTATAATTAAT
ATTCATCTTCAATAGACTAAAAAATAATCAATAAACTAACTTTGTAAATTTA
GATGGTATCATATATGACACTACTATCTATATATGTATATAAAATATGTACTAGTA
ACACACTATATTGAAAAAAAAAAGAAAAACCCTTTCATGATTTCGCTTTATTGT
TAGATTGTAATTAAGGAAAAATCTAAAAGCTCAAAAATAAATTTAATTCGTACA
AAATTTTAGT