

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

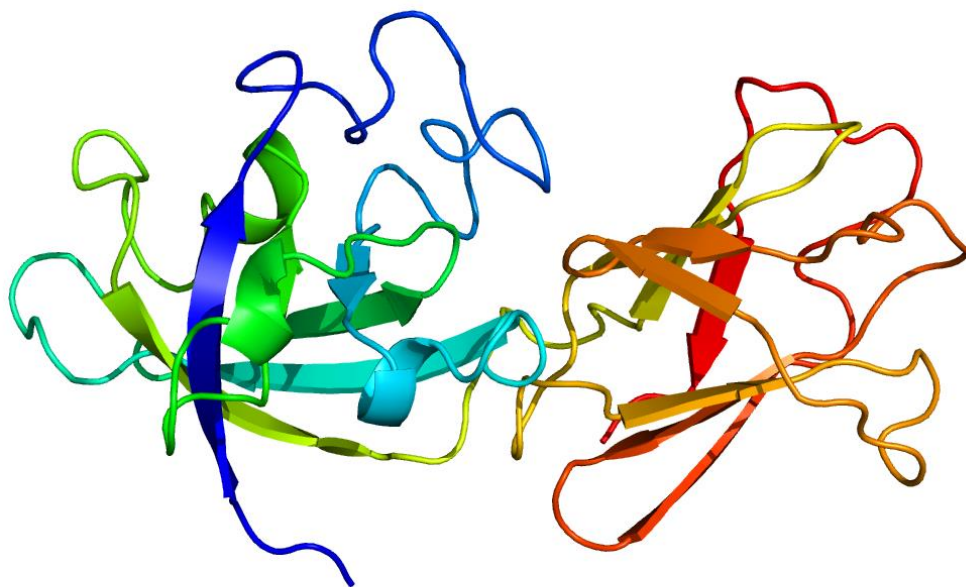
Locus: AUR62005814

Gene Model: AUR62005814

Description: CqEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

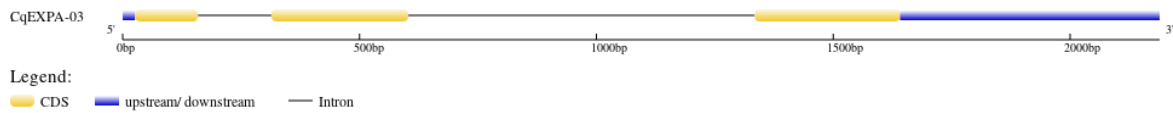
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

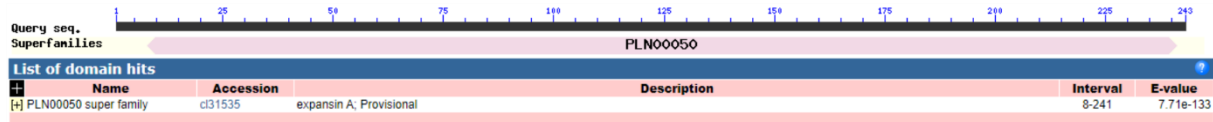
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-03

MAFGTIFLVGLLLFFSIADAYRGGGGWINAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNGLACGSCYQIMCVNDPKWCLRGSITVTATNFCPPGGWCDP
PNHHFDLSQPIFQHIAQYRAGIVPVAYRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLTNVGG
AGDVHAVAIGSRTRWQPMSRNWQNWQSNNYLNGQALSFKVTTSDGRSVVSFNV
APPNWSFGQTYSGAQFR*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-03

ATGGCATTGGTACTATTTTCTTAGTGGGGTTGCTCTTATTTTCTCAATTGCTGAT
GCTTATCGTGGCGGAGGTGGTTGGATTAACGCTCATGCCACTTTTACGGTGGCG
GTGACGCTTCCGGCACCATGGGTGGAGCGTGTGGGTATGGAAATTTATACAGTCA
AGGGTATGGAACATAACAGCAGCACTAAGCACAGCATTATTCACAATGGATT
AGCGTGTGGTTCGTGTTACCAAATTATGTGTGTTAATGACCCTAAATGGTGTCTAA
GAGGCTCAATTACCGTACTGCTACTAATTTCTGCCCTCCTGGTGGATGGTGTGAC
CCTCCTAATCACCCTTTGATCTCTCTCAGCCTATTTTCCAACACATTGCTCAATA
TCGAGCCGGTATCGTCCCTGTTGCGTATCGCAGGGTGCCTTGCCGGAGAAGGGGA
GGTATAAGGTTACAATCAACGGGCACTCGTACTTCAACTTGGTGTAGTAACCA
ATGTCGGTGGTGCCGGGGATGTACATGCAGTTGCAATTAAGGGTCAAGAACAC
GTTGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGGCAGAATTGGCAAAGCAACAATTATC
TCAACGGGCAGGCTCTCTCATTCAAGGTCACCACCAGTGATGGTCGTAGTGTGT
TTCCTTTAACGTTGCCCTCCTAATTGGTCTTTCGGGCAGACCTATTCGGGTGCC
AATCCGCTGA

Nucleotide

>CqEXPA-03

CATTTTGGCTTGAATTTTGCAGGAAAATGGCATTGGTACTATTTTCTTAGTGGGG
TTGCTCTTATTTTCTCAATTGCTGATGCTTATCGTGGCGGAGGTGGTTGGATTA
CGCTCATGCCACTTTTACGGTGGCGGTGACGCTTCCGGCACCATGGGTATGATTC
TTCCACCCATAGCTTCATAAAGCCAAGAAGCGCACGCAATGCATACATTAATT
AATTTATTAATGTGTTGCTACAAATATATTTAATGCGACTTTATGTTATACTTGT
ATAATTTTAAATATATGATTAATTAATTTATTTAGGTGGAGCGTGTGGGTATGGAA

ATTTATACAGTCAAGGGTATGGAACATAACAGCAGCACTAAGCACAGCATTATT
CAACAATGGATTAGCGTGTGGTTCGTGTTACCAAATTATGTGTGTTAATGACCCT
AAATGGTGTCTAAGAGGCTCAATTACCGTACTGCTACTAATTTCTGCCCTCCTGG
TGGATGGTGTGACCCTCCTAATCACCCTTTGATCTCTCTCAGCCTATTTTCCAAC
ACATTGCTCAATATCGAGCCGGTATCGTCCCTGTTGCGTATCGCAGGTATATATTT
CTTAATTGTCACGTTAATAGTATAATTTGAGTTGGTAAGCGAACATATTTTAAGTC
ATTGTTGGTCAAGTTGGGTTATGATGTGTATTCCATATAGTGTGAACTAAAAATCT
AAAAGGAGGTTGCCTATTTTAGAAAACCTGAACAAATTGGGTTGAGATTTTGTGTA
TACGTATTTGTTTATAATAAAAAAATTAATAAAAGTGGTGAGAAAGTTTAGTTAG
TTAGGAAGTTGTTTGAAGAGTTGTATGTTGCGATTTACTCTTTTGGTCTATTCAA
TAAAAAAGAAAAGTATAATCGTGAAAGAAAATGGTCCTACATTTTTTAAGAGTC
ACATGGAACACTACTTTTTCTTTGTTACCTACGTCTAAAGGTATAATTTCAAC
CGTAGATAAAGACATAAAAATTATGGATTTATATCTTAAAAATTGGTTTTATATT
GAATCACTTTTTTTTTGTAAAAAAAATCTTCTTAAAGGGATAAAGAGATGGC
GTTAGAAAAAGTACCACTTATATTTATTGCCCTTATTTGACAAAATTGCACATTT
TAACATCAACAAAGAAAAACATTAAGGCTAGCGCAATTGTTGCAACGTGTCAC
GTCTATTGTATAGTGCACATTCAAAAGTCGAGAATACTAAAAAAAATGTGTAC
TCAGGTGTATATAAGAATTAAACTGTGCGCTAATTTTGCGTGTGTTGTTTTGTATA
GGGTGCCTTGCCGGAGAAGGGGAGGTATAAGGTTTACAATCAACGGGCACTCGT
ACTTCAACTTGGTGTTAGTAACCAATGTCGGTGGTGCCGGGGATGTACATGCAGT
TGCAATTAAGGGTCAAGAACACGTTGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGGCA
GAATTGGCAAAGCAACAATTATCTCAACGGGCAGGCTCTCTCATTCAAGGTCACC
ACCAGTGATGGTCGTAGTGTGTTTCCTTTAACGTTGCCCTCCTAATTGGTCTTT
CGGGCAGACCTATTCGGGTGCCCAATTCGCTGAGGGCCGAAAATTTACGTAAA
ATGACATTTATGTCCTTTTGCCTGTGGTCTTGATTGAACCTTAAGTATATATACGG
ACTACGGAGTACTTTTTATATAGTTTTAATTAGGGTTTATTTACTAAGGTCAGTAT
TTTAATTTTAACTGACCTAAATATTTTCTACAGTACTTTTTTTAATGGGGTTAAAA
TGGGAAATTGAAGCTTATTTTATGAGGCTTCTTTCTTAACTACCCCTGTTTTTTTA
GGGTACCCCTTTATTTTGAAGAGTGACTTTTGTAACTGTTAAGATTTGTGGAATATT
TCCTCCACAGGCTGTGGTGGATTTTACCGCCCGCCTTCTAGTATTTTGTCTTTTTT
TTCTTCTTCTAAGTAAGAAGTAGGGTTTATTGTCCTTTGAAAATTGATGTGTGTAT
GAAGTGTGATTATTGGAGTTCTAAATGTTATTTATGCGATTGTTGGACTCTATAAG
TGTAATTTAAGCTATTTTCAGTTCTAATGAGAATTGTGTTACTACGACCTGTATA
ACAAATTAACCTTTGTTTTAT