

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

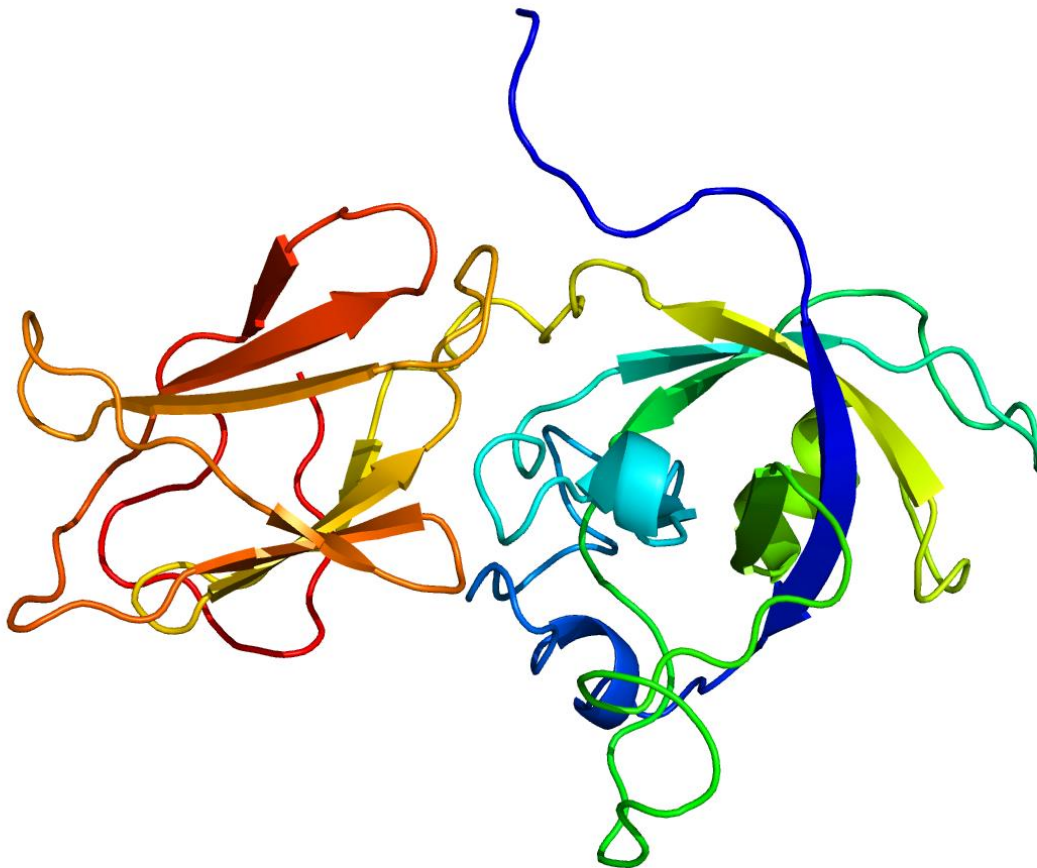
Locus: Ca_16377

Gene Model: Ca_16377

Description: CarEXPA-15

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

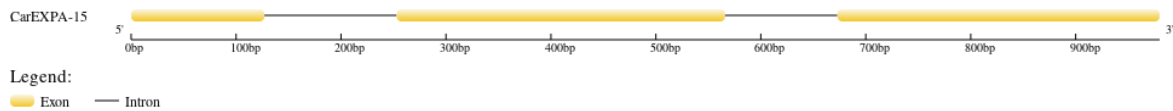
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

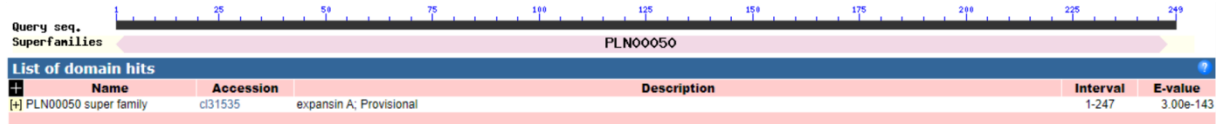
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-15

MALIGLLLVSFLTMFSSAFA YGEGWTNAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQG
YGTNTAALSTSLFNGLSCGSCYEIRCANDHKWCLPGSIVVTATNFCPPNNALPNE
GGWCNPLHHFDLAQPVFLRIAQYKAGIVPVDYRRVSCRRRGGIRFTVNGHSYFNLV
LITNVGGAGDVHAASIKGSKTGWISMSRNWQNWQSNNYLNGQSLSFKVTTSDGRT
IVANNVAPAGWSFGQTYTGAQFR*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-15

ATGGCTCTCATTGGCTTGCTCTTGGTGTCTTTTCTCACAATGTTCTCCTCTGCTTTT
GCCTATGGTGAAGGATGGACCAATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGGAGTGATG
CATCAGGAACAATGGGTGGGGCTTGTGGATATGGAAACCTCTACAGCCAAGGGT
ATGGAACAAACACTGCTGCTTTAAGCACATCCCTTTTCAACAATGGGTTAAGCTG
TGGCTCTTGCTATGAAATTAGGTGTGCTAATGACCATAAATGGTGCCTTCCTGGTT
CCATTGTCGTCACTGCCACCAATTTCTGTCCACCGAACAATGCCTTACCTAACAAT
GAAGGTGGTTGGTGTAAACCTCCTCTCCACCATTTTGATCTTGCTCAACCTGTTTT
TCTACGTATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTTCTGTAGACTATAGAAGGGTT
TCCTGCAGGAGAAGGGGAGGTATAAGGTTACAGTCAATGGTCATTCTTACTTCA
ACCTTGTTCTTATTACAAACGTTGGTGGAGCTGGTGATGTTTCATGCTGCTTCCATC
AAAGGGTCAAAAACCTGGTTGGATATCTATGTCAAGGAACTGGGGTCAGAACTGG
CAGAGCAACAACCTATCTCAATGGTCAAAGCTTGTCTTTCAAGGTTACAACCAGCG
ATGGCCGTAATAATTGTTGCCAACAATGTTGCTCCAGCTGGATGGTCTTTTGGTCAA
ACTTACACTGGTGTCAATTTGCTAG

Nucleotide

>CarEXPA-15

ATGGCTCTCATTGGCTTGCTCTTGGTGTCTTTTCTCACAATGTTCTCCTCTGCTTTT
GCCTATGGTGAAGGATGGACCAATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGGAGTGATG
CATCAGGAACAATGGGTATGTACTATACTCCTATTTAAACTCACTTCTTCAAAA
AGTTTGCTTTTTTATTTTGTCTTGCCAAATACATTCAGATCCTGAAGCATGTTGGA
GTAACCCATTTGACTGATTTTGTGTGTAGGTGGGGCTTGTGGATATGGAAACCTC
TACAGCCAAGGGTATGGAACAAACACTGCTGCTTTAAGCACATCCCTTTTCAACA

ATGGGTAAAGCTGTGGCTCTTGCTATGAAATTAGGTGTGCTAATGACCATAAATG
GTGCCTTCCTGGTTCATTGTCGTCACTGCCACCAATTTCTGTCCACCGAACCAATG
CCTTACCTAACCAATGAAGGTGGTGGTGTAAACCCTCCTCTCCACCATTTTGATCTT
GCTCAACCTGTTTTCTACGTATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTCCTGTAGA
CTATAGAAGGTATGTTGCTGTTCCAAGAATATATTATATTTTTTCATTA AAAATCGA
AACTTTAATGTATTTGGTTTTGGTATTA ACTAATTGTTTTATTTTTATTTTTATGT
AGGGTTTCCTGCAGGAGAAGGGGAGGTATAAGGTTACAGTCAATGGTCATTCTT
ACTTCAACCTTGTTCTTATTACAAACGTTGGTGGAGCTGGTGATGTTTCATGCTGCT
TCCATCAAAGGGTCAAAA ACTGGTGGATATCTATGTCAAGGA ACTGGGGTCAGA
ACTGGCAGAGCAACA ACTATCTCAATGGTCAAAGCTTGTCTTTCAAGGTTACAAC
CAGCGATGGCCGTACTATTGTTGCCAACAATGTTGCTCCAGCTGGATGGTCTTTTG
GTCAA ACTTACACTGGTGCTCAATTTGCTAG