

IDENTIFICATION

Species: *Manihot esculenta*

Locus: Manes.02G044700

Gene Model: Manes.02G044700.2

Description: MsEXLB-02

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mesculenta_v7_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05761>

EXTERNAL RESOURCES

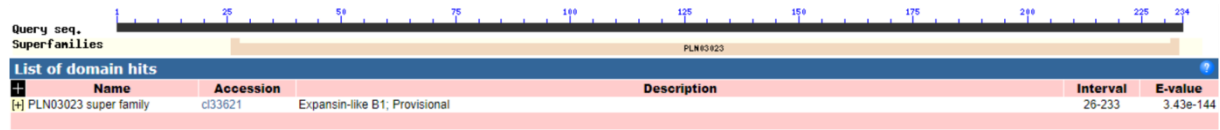
<https://cassavagenome.org/>

<https://cassavabase.org/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MsEXLB-02

MKCPSYVPLNNYVHYCYCFCFFPSVYDALGGACGFGEYGRTVNDANVAGVSRLYKN
GTGCGACYQVRCKVSQLCTDDGVNVVATDYGEDNSDFILSTRAYARLANPNMVL
DLFAYGVVDVEYRRISCRFADYNIMFKVHEHSRFP EYLAIVILYQGGQNDVLAVQIW
QEDCKEWIGMRRAFGAVWDMPPNGYITLRLQVSGSAGLTWLQATNAIPNDWKA
GVAYDSNIQLT*

CDS (coding sequence)

>MsEXLB-02

ATGAAATGTCCCTCATATGTACCTTTAAATAATTATGTTTCATTATTACTGTTTTTGC
TTTTTTCCTTCTGTTTATGATGCTTTAGGTGGAGCTTGTGGATTGGCGAATATGG
AAGGACGGTCAATGATGCTAATGTCGCCGGAGTTTCTAGGTTGTATAAGAATGGC
ACTGGCTGTGGTGCTTGCATCAGGTTAGGTGTAAGGTCTCACAACTTTGCACTG
ATGATGGGGTGAATGTAGTGCAACTGACTATGGTGAAGGGGACAACAGTGACT
TCATTCTTAGCACACGAGCTTATGCAAGATTAGCAAATCCAAACATGGTCTTAGA
CTTGTGTTGCATATGGTGTGGTCGATGTAGAATACCGGAGGATTTCTTGTGCGATTCC
CGGATTACAACATCATGTTCAAAGTTCATGAGCATAGCAGGTTTCCCGAGTACTT
GGCCATTGTCATTCTTTACCAAGGTGGCCAAAATGATGTCTTAGCCGTGCAAATA
TGGCAGGAAGATTGCAAGGAGTGGATAGGCATGAGAAGGGCCTTTGGAGCAGTT
TGGGACATGCCGAACCCACCAAATGGTTACATTACCTTGAGGTTGCAAGTAAGTG
GGAGTGCAGGGCTAACATGGCTACAGGCAACAAATGCTATCCCAAATGATTGGA
AAGCTGGGGTTGCTTATGACTCAAACATTCAGCTCACTTAA

Nucleotide

>MsEXLB-02

CTACTTCTCATTTCATTTCTGTGCCTTGTAGCTTTGTTTGCTACTAATATTAAGC
TATGGGGTTCACATATGGTTACTGCCTTCTTGTCTTGGTGCTACTGCCTGTAAT
ATGTTACTCCCAAGACTTCACATGTTCTAGGGCACTTACTATGGTAGCCCTGATT
GCTTGGGGACACCAAGTACGTGACTCAATCCTTGTCTGCGTATAAAATAATGAAT
ACAAGAACACTTTCTTAATTAGACATGAAATGTCCCTCATATGTACCTTTAAATA
ATTATGTTTCATTATTACTGTTTTTCTTTTTCTTCTGTTTATGATGCTTTAGGTG
GAGCTTGTGGATTTGGCGAATATGGAAGGACGGTCAATGATGCTAATGTCGCCGG
AGTTTCTAGGTTGTATAAGAATGGCACTGGCTGTGGTGCTTGCATCAGGTATAT
AAAAACATAATTCAAATCAAGTTTATAAAGTGCTTGTACCATCAAGAAGCTAGT

TAAGGAAGCACTCATTAGTTAATGAAAAGATTGCAACTGATCTAATGATGATGGT
TTGTGGTTCAATAATATTCAGGTTAGGTGTAAGGTCTCACAACTTTGCACTGATGA
TGGGGTGAATGTAGTGGCAACTGACTATGGTGAAGGGGACAACAGTGACTTCATT
CTTAGCACACGAGCTTATGCAAGATTAGCAAATCCAAACATGGTCTTAGACTTGT
TTGCATATGGTGTGGTCGATGTAGAATACCGGAGGATTTCTTGTCGATTCGCGGA
TTACAACATCATGTTCAAAGTTCATGAGCATAGCAGGTTTCCCGAGTACTTGGCC
ATTGTCATTCTTTACCAAGGTGGCCAAAATGATGTCCTTAGCCGTGCAAATATGGC
AGGTACATTTCCAAGTCCTTTTTCAATTACAACAGTAGGGGACAGGACAGGAATA
AAGGGAAAGGGATAGAGAGAAATAGAGAAAAAGGGACAATCGAACATATACTT
TTAATATGTCTGATTTGCCAAGTGCTATTAGTTTATTCTGAACGCTATTA AAAAG
GTTTTGTCTGATTTGCCAAGTGCTATTAGTTTATTCTGAACGCTATTA AAAATGTT
TTCTTTTTCCTAATGTATTGCGTTTTTGTAAAACGGAATGATGCAGGAAGATTGC
AAGGAGTGGATAGGCATGAGAAGGGCCTTTGGAGCAGTTTGGGACATGCCGAAC
CCACCAAATGGTTACATTACCTTGAGGTTGCAAGTAAGTGGGAGTGCAGGGCTAA
CATGGCTACAGGCAACAAATGCTATCCCAAATGATTGGAAAGCTGGGGTTGCTTA
TGACTCAAACATTCAGCTCACTTAAATGTGCAATCAGCGAGTTAGTTATTATTTA
GCATATGGTTTGGGGCTACTAGCTAGTTGTTCTTAGTATGTCTTTTTTCCATGTAA
GCCAATAAGCACAGCTTCCCATGTTCAATTAGAAGGTATCTTGTACTCTGCATATT
TAGCATTTGCATTGTTAAATATTTATTTAATTTATAATTTTGTTACCACTTTATAA
A