

IDENTIFICATION

Species: *Amborella trichopoda*

Locus: evm_27.model.AmTr_v1.0_scaffold00077

Gene Model: evm_27.model.AmTr_v1.0_scaffold00077.40

Description: AtrEXPA-06

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

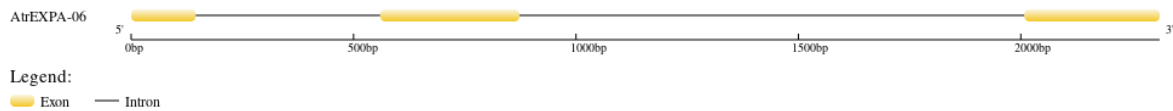
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Atrichopoda_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02990>

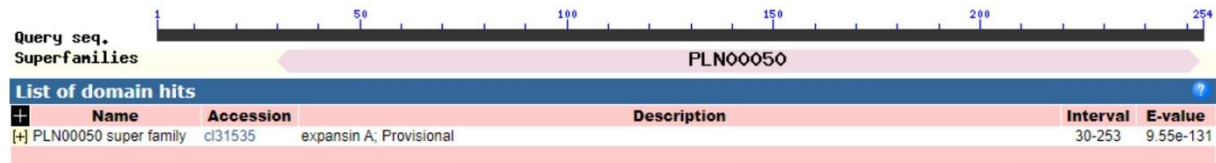
EXTERNAL RESOURCES

https://plants.ensembl.org/Amborella_trichopoda/Info/Index?db=core

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AtrEXPA-06

MGGSRVCVVVWFWMMGLIWVWPREFGDYGWQGGHATFYGGGDATGTMGGAC
GYGNLYSQGYGTNTAALSTALFNDGLSCGSCYEMRCNDDPRWCLPGSIVVTATNFC
PPNLGLSNDNGGWCNPPLQHFDLAEP AFLQIAQYRAGIVPVAFRRI PCVKKGGIRFTIN
GHSYFNLVLITNVGGAGDIHAVSIKGSNGGWQPM SRNWGQNWQSN SYLNGQSLSFQ
VTSDGRTVTSYNVAPSNWQFGQTFSGSQF*

CDS (coding sequence)

>AtrEXPA-06

ATGGGTGGCAGTAGAGTGTGTGTTGTTGTGTGGTTTTGGATGATGGGGTTGATTT
GGGTTTGGCCTCGTGAAGCCTTTGGAGACTATGGATGGCAGGGCGGCCATGCCAC
ATTTTATGGTGGTGGTGTGCTACGGGGACTATGGGGGAGCATGTGGATATGGG
AATCTGTATAGCCAAGGCTATGGCACGAACACAGCAGCCCTGAGCACTGCTCTCT
TCAACGATGGCTTGAGTTGTGGTTCCTGCTATGAAATGAGGTGCAATGACGACCC
AAGGTGGTGCCTTCCAGGCTCCATTGTTGCTACTGCAACCAATTTCTGCCCCCAA
ATTTGGGTTTGTCAAATGACAATGGTGGTTGGTGCAACCCCCCTCTGCAACATTT
GACCTTGCTGAACCTGCCTTCCTGCAAATTGCTCAGTACAGGGCTGGAATTGTGC
CTGTGGCCTTTAGAAGGATACCCTGTGTGAAGAAAGGTGGAATAAGGTTACCCAT
CAATGGCCACTCCTACTTCAACTTGGTGCTCATAACTAATGTAGGTGGCGCCGGT
GACATCCACGCCGTGCCATCAAGGGATCCAACGGTGGATGGCAGCCCATGTCCA
GGA ACTGGGGCCAAA ACTGGCAGAGCAACTCCTACCTCAATGGCCAGAGCCTCT
CCTTCCAAGTAACCACCAGTGACGGCCGCACCGTCACAAGTTACAACGTTGCGCC
TTCCAATTGGCAGTTCGGCCAAACTTTCAGTGAAGCCAGTTTTAG

Nucleotide

>AtrEXPA-06

ATGGGTGGCAGTAGAGTGTGTGTTGTTGTGTGGTTTTGGATGATGGGGTTGATTT
GGGTTTGGCCTCGTGAAGCCTTTGGAGACTATGGATGGCAGGGCGGCCATGCCAC
ATTTTATGGTGGTGGTGTGCTACGGGGACTATGGGTCAGTCTCTCTCTCTCGCTC
AATTTAAATTCAAATTCGGTTATTGTAAAATTCTGTCTCTCCTTTCAA ACTCTCTCT
CTAAATTTGAATTGAATGTTTGTATAGTAGGACTATTTATTTTTGATTCAAAGTAG

TTACGACTAATCTTGACCATTGAATGTAAAATTGGGTGGTTGTATTTATGCTATTG
ACTGAACACAAATTGGGTGATTGTAAATAAAAATTGGGTGATTGTAAATAAAAATAG
GGAAAAGTGACCATTTAAACACACACTCTCTTTCTCTCTTGTAAATAATGTGTTTT
CCATTAAAAACTCTCTCTCTCTCTCTCATGAATTGGATGTTTGTAAATCTT
GGTCTCTCTATTCAATCTCTCTCTCTCTCAATTCAAATTGGATGTTTGTAAAAC
AGGGGGAGCATGTGGATATGGGAATCTGTATAGCCAAGGCTATGGCACGAACAC
AGCAGCCCTGAGCACTGCTCTCTTCAACGATGGCTTGAGTTGTGGTTCCTGCTATG
AAATGAGGTGCAATGACGACCCAAGGTGGTGCCTTCCAGGCTCCATTGTTGTCAC
TGCAACCAATTTCTGCCCCCAAATTTGGGTTTGTCAAATGACAATGGTGGTTGGT
GCAACCCCTCTGCAACATTTTGACCTTGCTGAACCTGCCTTCCCTGCAAATTGCT
CAGTACAGGGCTGGAATTGTGCCTGTGGCCTTTAGAAGGTGAGAATTCTTATTTT
CTCTCTCTTCCCTAGAGACAGAGAGAGAGAGTTAATGGAATTTTTGACAAAAGAAA
ACATTTTCCCTTCCCTGTGCTTATCTTCATTTACCAATTATCTTTTTGAATGCACACA
TTGTTCCCTTTCATTGTGTTTGTAGTCTTCTAATTTGTTGGTTCGCGATCCACTCTT
TCACATTAAGCTATAAATCTCTTTCACAACCTTTTGTAGTCTTAATGAGTGTTTG
AAAAATCAAATGGCCTTAGAAAAAGGCCAGAAATGGCATGTTCCCTAAACCGTT
AACTACCGGTACAACCGGCTTAACCAGGCCAGGCCTGTCTAAAAAGTTGTTAAA
AAATACAAAAAATCTAAAAAGTCAATTTAAAGCATGATTAACAATCACATT
CAAATGAAGTAGAAAATTAGTGAAAAATGAATTTAAAAAATCGATTTGGGCACA
GGGTATTTATGAAATTTTTTAAGAAGATGGAAATTTTTTAATAAAAAATATTCATG
ATCAAAACACTTCCCAATCTTTTTCAAAATGATAAAAAACATTTAATAACACATT
ACAAACAAATTTCTTATTTTTTTGAAATTTTATATAATTTTTTAAAAATATCCAATT
GGACCACAAAACCAGATCAACCCGTATCCGGTTCCAAGTTGAACCTGCAGAATT
TGCAAACACTGGTGATAATGTCCTGCCACCAAATTCGATAGTTTGGCTCCATCTTC
AAAGTTGCACACCTCTATCTCTCTTCCCCATTAGAAGAGTAACTTTGATTTCT
CTTAAACATTAAGTTGATTCCTTTTTAATTAATGTTTAAGGGCACAAATTTGTCGGG
CTTTTGAGTCTGAGTTTGCCGGAGAATCAGCCGACTCGAAGGCCGATTCTCATA
CAAACCTCGATCAAATTTTTAAGGAAACACCAATAGGGATCCTAGCCCTAGGAGAC
TTGCCCAATTTGGGCCAGTCCCTTCCAAATCACTAGGGCCCACGTCTAAATCGAT
TCGGCGCTTTATGAGTCGAACCGATCGGTTTTTAATCATTGTTCCATTGAAGTCA
TGACCACGTCACCTAAAACCTACATACCCCACTAAATAGATTCTCCCTCTTTTGT
GTTTGCAGGATACCCTGTGTGAAGAAAGGTGGAATAAGGTTACCATCAATGGCC
ACTCTACTTCAACTTGGTGCTCATAACTAATGTAGGTGGCGCCGGTGACATCCA
CGCCGTGTCCATCAAGGGATCCAACGGTGGATGGCAGCCCATGTCCAGGAAGT
GGGCCAAAACCTGGCAGAGCAACTCCTACCTCAATGGCCAGAGCCTCTCCTTCCAA
GTAACCACCAGTGACGGCCGACCGTCAACAAGTTACAACGTTGCGCCTTCCAATT
GGCAGTTCGGCCAACTTTCAGTGGAAGCCAGTTTTAG