

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

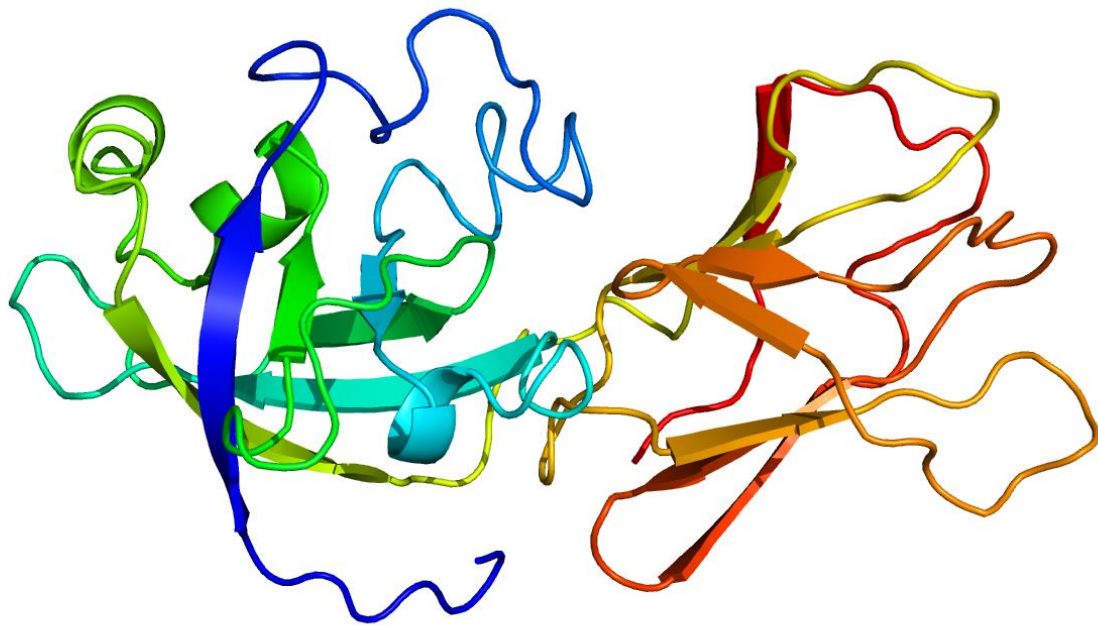
**Locus:** Ca\_14086

**Gene Model:** Ca\_14086

**Description:** CarEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

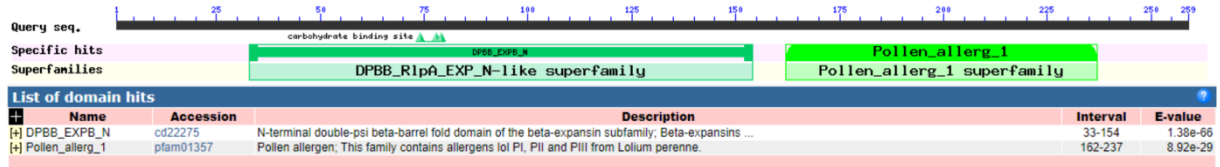
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPB-02

MKHHRVSALFLLSLGFILAQQQLQHRVVLDPHWYPGTATWYGEPEGDGSTGGACG  
YGTLVDVKPLKARVGA VGPRL YRS GEGCGECYKVKCLDQSICSKRAVTVIITDECPG  
CPSDRTHFDLSGA AFRMAFSGENGQLRNRGEIPVIYRRTSCIYGGKNIAFQVNEGST  
PYWLSLLVEFEDGDGDIGSMHIQEAGSSEWLQMNHLWGANWCIVAGPLKGPFSVKL  
STSTGRSLTAKDVIPSNWSPKATYASRLNFSP\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPB-02

ATGAAGCACCACCGTGTCTCCGCCCTGTTTCTTTTAAGCCTCGGCTTTATACTTGC  
GCAGGGACAGCTTCAGCACCGTGTGTCCTCGACCCACATTGGTACCCAGGA  
ACTGCCACTTGGTACGGCGAGCCTGAGGGAGACGGTAGCACAGGAGGGGCGTGTGGT  
TATGGAACGTTGGTGGACGTGAAGCCGTTGAAGGCAAGAGTAGGAGCGGTGGGA  
CCCAGGCTGTATAGGAGTGGAGAAGGGTGCGGTGAGTGTATAAGGTGAAATGT  
TTGGACCAGAGCATATGTTCTGAAGCGGGCAGTGACGGTTATAATAACGGATGAG  
TGCCCGGGCTGCCCGTCTGACCGAACACATTTCTGACCTTAGTGGTGCTGCTTTTGG  
TCGCATGGCTTTTTCCGGCGAGAATGGTCAACTCAGGAATAGAGGTGAAATCCCA  
GTTATTTACCGAAGAACATCATGCATATATGGTGGCAAAAATATTGCCTTCCAAG  
TTAATGAAGGTTCCACACCTTATTGGTTGTCACCTTCTGGTGGAGTTTGAGGATGGA  
GATGGTGACATAGGCTCCATGCATATAACAAGAAGCTGGGTCTAGTGAGTGGTTGC  
AAATGAATCATCTATGGGGAGCAAATTGGTGCATTGTTGCGGGGCCTTTGAAAGG  
ACCTTTCTCTGTGAAACTAAGCACATCCACAGGGAGAAGCCTAACTGCCAAAGAT  
GTTATTCCAAGTAATTGGTCTCCAAAAGCCACTTATGCTTCTCGCTTAAATTTCTC  
TCCTTAA

### Nucleotide

>CarEXPB-02

ATGAAGCACCACCGTGTCTCCGCCCTGTTTCTTTTAAGCCTCGGCTTTATACTTGC  
GCAGGGACAGCTTCAGCACCGTGTGTCCTCGACCCACATTGGTACCCAGGA  
ACTGCCACTTGGTACGGCGAGCCTGAGGGAGACGGTAGCACAGGTATATTCTAAAGA

ATAGTAACTCGCTTAGTTGACTCAAGTGAGTATAAATAAATAATGCAAAAACCTCA  
AATTAAGTTTAAATGTAGTACTTAATTAATCATGAGTGATTGAAATAAACTTCAA  
TAAGCATGAAAAGTTTGGAAAAACGTGAGATTGAATTTTACGTGCAACAATTTT  
TGATAAGACATTATTTTTCTATTATCGCTAAATTTACATTATATGAATTTCAATT  
ACATTTTACTCTATTTTCTTATTTAATTGTTATTTTTTTAGCTTTTTTAATAACATTTT  
TTTGACCTTTTACGTGTTGATAACTAATAAAGTTTCTTATTTTTATATTGGATTAAAC  
TTTTTTTTATAAAACCATCATCGATCTTAAAGTCAAAGAGTCTTAAATTTTATAT  
TGTGTCTAACTCATTTTTACAAAACCTATAGATTATAAAATGTTGAATGTCATTCTT  
TATAAACTATTACAAAATATACGACTACAAGGCAATGAATGTTATTTTTTATAA  
ATTATTATAGATGTCTATCACTTACCGACCTAGAGATAGTTTTTCAAACAAAACCT  
ATTATTTTTTATGTTATTATTTATCTTTTTTATAATATTTTTAAATATTTATTATCTC  
ATTTCAATATCAGTCTACAATAAATTAATAATTAATACATTGTGGTTTGGTAGTTG  
GTAGTAATTTGTTTTATAATTGTGGTTTGTAAAGGAGGGGCGTGTGGTTATGGAAC  
GTTGGTGGACGTGAAGCCGTTGAAGGCAAGAGTAGGAGCGGTGGGACCCAGGCT  
GTATAGGAGTGGAGAAGGGTGCGGTGAGTGTATAAGGTGAAATGTTTGGACCA  
GAGCATATGTTCGAAGCGGGCAGTGACGGTTATAATAACGGATGAGTGCCCGGG  
CTGCCCGTCTGACCGAACACATTTTCGACCTTAGTGGTGTCTGCTTTTGGTCGCATGG  
CTTTTTCCGGCGAGAATGGTCAACTCAGGAATAGAGGTGAAATCCCAGTTATTTA  
CCGAAGGTGTGTTCTTAATTCTCATATCTTGTAAACTATAATTTAGTTTACTGAA  
AAAATTAGCTAAGTTCTCTATGATTTTGTATATGCTTTTGCAGAACATCATGCATA  
TATGGTGGCAAAAATATTGCCTTCCAAGTTAATGAAGGTTCCACACCTTATTGGTT  
GTCATTCTGGTGGAGTTTGGAGATGGAGATGGTGACATAGGCTCCATGCATATA  
CAAGAAGTATGTCCCTTTCTTCTCTAGCTTGTTAATATTTATTTACATAATTTTTCA  
CTATATCGTTTTTTTTATACAAATTTTTCACTATATGTTTATTCCTTAAAAAGTCAA  
AACTCTGAATCTATTATTATGATCATAAATTATAGTAATAAGTTTGGTAGCTAGTC  
CTCTCTCTAGTATGATATGAGATAGGTCACCCTTAATTTAATTTTTTTAATAAAA  
ATAATGACCCTACACTATTGGCATGATATAAGAGAAAGTTATAAGATTTTATATG  
GCTAAAAGGAATAGAATTGCCTAAACGTGCAGTAAAGCATCTTGGTCAATTACTT  
TTTTTGTGCCAATTATATTAACATTATGGCCATGGCCAGTGTGTA AAAATTCCAAAT  
GTTGTGGATATGCTTTTTCAAATCACGTGCAATACCACTTTTGAAGGATCCTTTTT  
TCTATCCGGTAGTACTATATCCAGAGTGTTATCCTCATATAATGGTTGCCTATTGG  
TAATCAATATTCCTCATATGGTGTGTTCTTTTCTCAGTCTTGTGAACTCAAAG  
CATGTGATATGGGACCTTTTGATTCAGGTCTTGTGCCATCGCAATTTTGTGATCGT  
ATACAAAACCTACATTTAGACCGTTTGATTTTAATTGATGGATTCAAATTTTAATT  
TCATTATTTTATATATATTTTTAAATTA AAAATCTATGTTGAAATTTGTACCATGCAA  
TTTTGATTAAAATTGTATAGATGTGACCGATTGTGTGCATGGTATAATTGCATGGA  
AATCCAAATTGGAGACATTTCTAACAAA AATTATATTAATTTTTACATAAAAAT  
TTATTCTTCTAAACATGTATCTTTTATATATATAGATTCATATATAATATAATTTA  
AGTGTGGGTGAAATTGTGATTGGATATTTTGGTTTATTGATTGGCAGGCTGGGTCTAG  
TGAGTGGTTGCAAATGAATCATCTATGGGGAGCAAATTGGTGCATTGTTGCGGGG  
CCTTTGAAAGGACCTTTCTCTGTGAAACTAAGCACATCCACAGGGAGAAGCCTAA  
CTGCCAAAGATGTTATTCCAAGTAATTGGTCTCCAAAAGCCACTTATGCTTCTCGC  
TTAAATTTCTCTCCTTAA