

IDENTIFICATION

Species: *Solanum tuberosum*

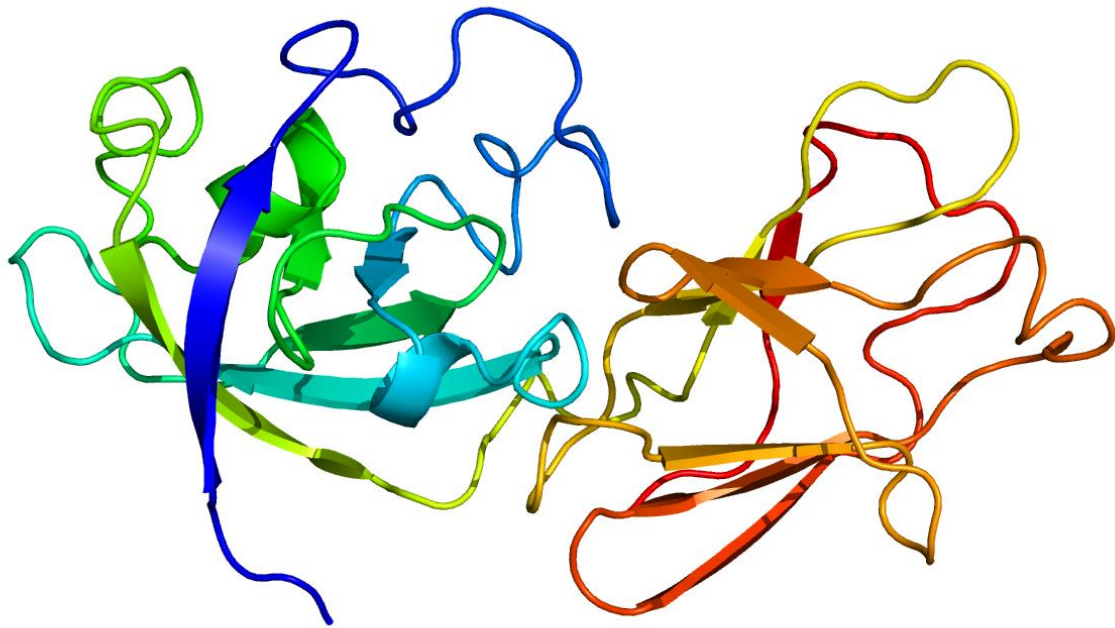
Locus: PGSC0003DMP400045513

Gene Model: PGSC0003DMP400045513

Description: StEXLB-06

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

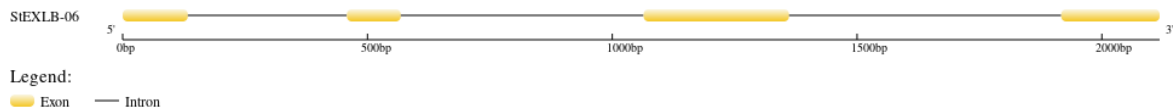
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

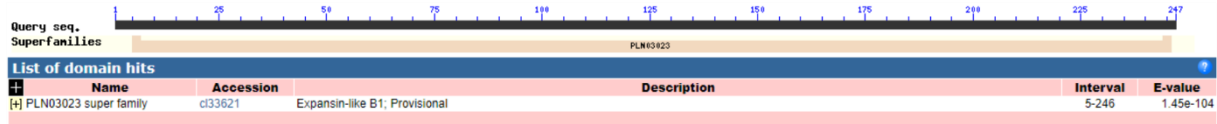
EXTERNAL RESOURCES

<http://spudb.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>StEXLB-06

MDRSLKYSCIFMCMNIMLMPAFSYSQTLVSKASFYSTSDGMGTPSGACGYGDYGKD
VNNGEVCTASRRLYRNGVGCACGYQVRCNNALCSEEGTKVVVTDSADGQETDLIL
SFKAYAKLAKTPSLAAHLGKGVVDIEYRRVSCGYGGNLMVKIHEHSKYADYLAIV
VLNQQGATDIHAEESQWISMRYKAYGAVWDLNPPCGDLKVRFLTSTSVESKWWQS
DKAVIPAQWKVGLTIETDIQLT*

CDS (coding sequence)

>StEXLB-06

ATGGATCGTTCACTTAAATATTCTTGCATTTTTATGTGCATGAATATTATGCTTAT
GCCAGCATTTTCCTACAGCCAAACCTTAGTTTCCAAGGCATCATTTTATAGTACTT
CTGATGGCATGGGAACACCATCTGGAGCATGTGGTTATGGAGACTATGGTAAAG
ATGTGAACAATGGTGAAGTGTGCACAGCCTCTAGGCGTCTCTACAGAAATGGAGT
TGGTTGTGGTGCATGTTACCAGGTTAGGTGCAAGAACAATGCATTGTGTAGTGAA
GAGGGTACAAAAGTTGTGGTGACAGACAGTGCAGATGGACAAGAAACAGATTTA
ATTCTTAGCTTTAAAGCCTATGCAAAATTAGCTAAACTCCAAGTTTGGCAGCTC
ATTTATGTGGAAAAGGGGTTGTTGACATAGAATATAGAAGAGTTTCTTGTGGTGA
TGGTGGAATCTTATGGTTAAAATTCATGAACATAGCAAGTATGCTGATTATCTT
GCTATTGTTGTATTGAACCAAGGTGGTGCCACCGACATCCATGCTGAAGAGAGTC
ACAATGGATATCAATGAGAAAGGCATATGGGGCAGTGTGGGACTTGTCAAATC
CACCATGTGGAGACCTTAAAGTAAGGTTTCTAACAAGTACAAGTGTGAAAGCAA
ATGGGTACAATCAGACAAAGCTGTTATTCCTGCTCAATGGAAAGTTGGACTTACA
ATTGAAACTGACATTCAGCTTACTTAA

Nucleotide

>StEXLB-06

ATGGATCGTTCACTTAAATATTCTTGCATTTTTATGTGCATGAATATTATGCTTAT
GCCAGCATTTTCCTACAGCCAAACCTTAGTTTCCAAGGCATCATTTTATAGTACTT
CTGATGGCATGGGAACACCATGTATGATACCTAGCTAATTAACACTTCTGTTATT
TTTTTCGGAAAAAGGTCAAAAATGTCTCTGAACTATCGTAAAAGATCTAAATATC
CCCTTCATCCACCTATTTTGTAAAAATACTCATCTGTTTGACTAATGTTGAACAC
TTGAATATCACATTATGCTATAGTTCAGGAGCATTTTTGGCCCTTTTTCTGTTTTTT

TTTTTTTTACCCAATTA AAAAAGAACATGTGAACATCATATATTAATTA AACACG
AAATTTTAATCGATTATTACTATAATTGTTTTAACATTAATTTTGATGTATGTGTAT
ATATGATTAGCTGGAGCATGTGGTTATGGAGACTATGGTAAAGATGTGAACAATG
GTGAAGTGTGCACAGCCTCTAGGCGTCTCTACAGAAATGGAGTTGGTTGTGGTGC
ATGTTACCAGGTACGTACCTACTTATTTTCATTTTTATCGATAATATAATTATATTA
GTAGCGGTTATTTTTTAGGTGACATGATATATTACATTGTCGTGGTGTCTTCGAAA
TTGGACCCCTTTAATATTACAATCAAAGTTTTTTAAGTTTTATTTCACTAACGATA
TGAAATACAATCAGGTGTAATCATAATTCTACTTAATTGGGAACCAAGAATAATT
GATAGTAATAAGTTACCTGGTATATATAAGCGCAAATTATAATAGTCTGTTTGGT
CAAGTTTCTAAAATCAGCTTAGTTTGAAAAAAGAAATCGTGAAACATAGTTTATG
TTTACTAACTAAATTCAAAAATACTTTTGAACAACATACTAACTAGTGTGTTGACC
AATTTCTAAACATGTTTCAAGTGTAAACAAATTAGGAGTAATATTAATATGTTACA
AGTGTATTTTGTTC AATTTATATGGAGGTCAATAAATTAATTAATTAATTAATGTA
ATTACAGGTTAGGTGCAAGAACAATGCATTGTGTAGTGAAGAGGGTACAAAAGT
TGTGGTGACAGACAGTGCAGATGGACAAGAAACAGATTTAATTCTTAGCTTTAAA
GCCTATGCAAAATTAGCTAAAACCTCCAAGTTTGGCAGCTCATTTATGTGGAAAAG
GGGTTGTTGACATAGAATATAGAAGAGTTTCTTGTGGTTATGGTGGAAATCTTAT
GGTTAAAATTCATGAACATAGCAAGTATGCTGATTATCTTGCTATTGTTGTATTGA
ACCAAGGTGGTGCCACCGACATCCATGCTGTAGAAATCTATGAGGTATAAGATCT
ACGTATGCTCTACTTTTTCAGACTTTACCTGTAAATTTCACTGAATTTGTTGTTGTA
GGATTTGGTGTTAGTAGCTAGGTTTAGAATGAGTGTTAGAGGTGGCAAATCCAAT
TTGAGATTATGACATGTCTATTGACTAATTGACCTCAACATCAAACCTCGAAACGA
CTCATCAAATTATTGAATTTATTA AATCGAGTGATCAA AATAGAGTGTATATAAC
CTAATGAATTAGAAATGCATTAATTTTAAATTCAAAATACAAAATTGTAAATTG
TATGAAAGTGAGATGGTTCAACTTTGGAGTTAACTTATCGATCCGTAGACAGTCT
ATTGTCTACCAGCTCACCCCTCTTTTAGTTTTTAGGGAACGATAAGTTGGATCAT
ATCTAATCTTGATCCACCCATTCTCAACGGATCAAGTCAGGATCACATGTTTACTT
ATTTACCTAAGGTAATAGATATATTTGATTGAACTCATAGAATGATCTCGCGTTT
AATAATATTTGATTGTTTGTATGTACGTAGGAAGAGAGTCAACAATGGATATCAA
TGAGAAAGGCATATGGGGCAGTGTGGGACTTGTCAAATCCACCATGTGGAGACC
TTAAAGTAAGGTTTCTAACAAGTACAAGTGTGAAAGCAAATGGGTACAATCAG
ACAAAGCTGTTATTCCTGCTCAATGGAAAGTTGGACTTACAATTGAAACTGACAT
TCAGCTTACTTAA