

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

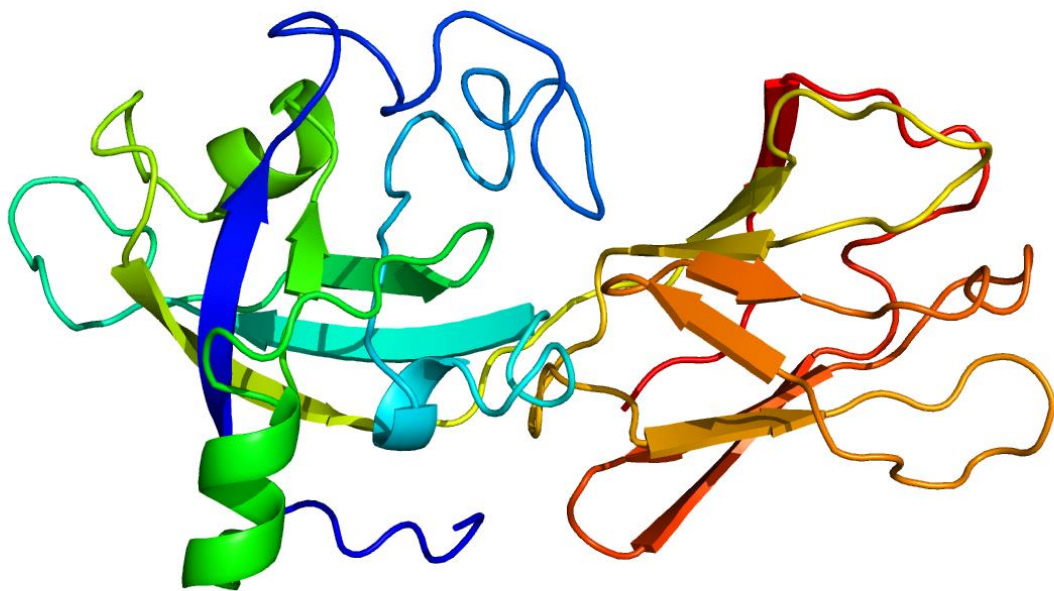
Locus: Ca_25291

Gene Model: Ca_25291

Description: CarEXPA-19

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

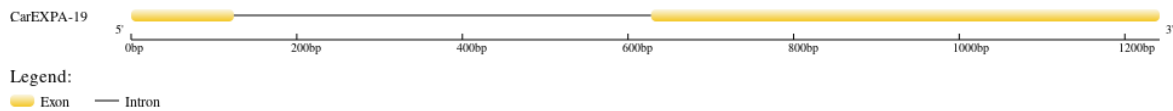
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

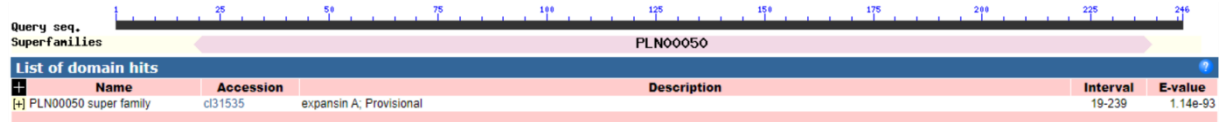
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-19

MSMLPLAFFTMFFVQPLAAFDSNWYDASATFYGDMNGGDTMQGACGYGDLFQQG
YGLETTALSTALFNGLSCGACFEIRC VNDPQWCIKEVNSITVTATNLCPNYIDGSW
CNPPHQHFDLSMKMFTTIAIYQAGIIPVQYRRVPCNKIGGVRFELRGNPYFLMVLVYN
VGNAGDVYRLDVKGSNTGWIEMTHNWGQFWHTGVNLVQGELSFWINTSDGKALM
FISVAPSNWQFGQTYQSSLNF*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-19

ATGTCTATGCTTCCTTTAGCCTTTTTCACAAATGTTCTTCGTGCAGCCTTTGGCAGCC
TTTGACTCAAATTGGTATGATGCAAGTGCAACTTTCTACGGTGACATGAACGGTG
GTGACACCATGCAGGGAGCATGTGGTTATGGAGATCTATTCCAGCAAGGATATGG
GCTTGAAACAACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCAATAATGGGTTATCATGTGGA
GCATGTTTTGAGATAAGGTGTGTGAATGATCCTCAATGGTGTATAAAGAAGTAA
ACTCAATCACAGTGACAGCAACAAATTTATGTCCCTCCAATTACATAGACGGAAG
TTGGTGTAACCCTCCACATCAACACTTTGATTTGAGTATGAAAATGTTCACTA
TTGCAATTTACCAAGCTGGGATAATCCAGTTCAATATCGACGTGTTCCATGTAA
CAAAATTGGGGGTGTTAGGTTTGAGCTAAGAGGTAACCCTTATTTTTTGGATGTTT
TGGTGTACAATGTTGGTAACGCTGGTGATGTTTATCGTTTGGATGTTAAAGGATCT
AACACTGGTTGGATTGAAATGACACATAATTGGGGACAATTTGGCATACTGGTG
TCAATTTGGTTGGTCAAGAATTGTCTTTTTGGATTAATAACAAGTGATGGAAAAGC
TTTGATGTTTATTTCTGTTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGACAGACTTATCAGA
GCTCCCTAAATTTTTAG

Nucleotide

>CarEXPA-19

ATGTCTATGCTTCCTTTAGCCTTTTTCACAAATGTTCTTCGTGCAGCCTTTGGCAGCC
TTTGACTCAAATTGGTATGATGCAAGTGCAACTTTCTACGGTGACATGAACGGTG
GTGACACCATGCGTAAGTATAACCATAAACTCTCCTTTTCTCCCTTTAATGAAA
ACTATTGTCCATATATTAAGATTGAAAAATGATTTTATTTTGTGATATATATTTTGTGA
TATATATATATATAGTAATCTGATTTTCATCCGATTCGATAGTCAATATTAATCTA
CTACAGTTTGTGTTCTTAAAATTTTTTCTCGAAATATGTGAATTTTTTTTATGTCAAG

TAATTTTTTATACAAAAATGATACACATACATTCTTCATTTTTCTATACTTATTTA
ATAAGTCAATTTGTGTTTTATTTTTCTCTCCTAATACATTATCAATATATATGACA
TCTATTACATAATTCATTTTTCCACCTCTTTATTTCTCAAAGTGTATATACACTTGT
ATATGTGAACATCAAACATTTTTCTTTTTATAAGTTTCTTTCGCTATTAATAAATA
AATGATTATATGATGTTGATTATTAGTAATGATTGAATTAAGGGATATGTGTATAT
ATATGTAGAGGGAGCATGTGGTTATGGAGATCTATTCCAGCAAGGATATGGGCTT
GAAACAACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCAATAATGGGTTATCATGTGGAGCAT
GTTTTGAGATAAGGTGTGTGAATGATCCTCAATGGTGTATAAAAGAAGTAAACTC
AATCACAGTGACAGCAACAAATTTATGTCCTCCCAATTACATAGACGGAAGTTGG
TGTAACCCTCCACATCAACACTTTGATTTGAGTATGAAAATGTTCCAACTATTGC
AATTTACCAAGCTGGGATAATCCCAGTTCAATATCGACGTGTTCCATGTAACAAA
ATTGGGGGTGTTAGGTTTGAGCTAAGAGGTAACCCTTATTTTTTGATGGTTTTGGT
GTACAATGTTGGTAACGCTGGTGTATGTTTATCGTTTGGATGTTAAAGGATCTAAC
ACTGGTTGGATTGAAATGACACATAATTGGGGACAATTTTGGCATACTGGTGTCA
ATTTGGTTGGTCAAGAATTGTCTTTTTGGATTAATACAAGTGATGGAAAAGCTTTG
ATGTTTATTTCTGTTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGACAGACTTATCAGAGCTC
CCTAAATTTTTAG