

## IDENTIFICATION

**Species:** *Elaeis guineensis*

**Locus:** XP\_010939619

**Gene Model:** XP\_010939619.1

**Description:** EgEXPA-02

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: [https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=txid51953\[orgn\]](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=txid51953[orgn])

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T03921>

## EXTERNAL RESOURCES

-



NN  
NN  
NN  
ACAATTAAAGATATTTTTCTCCTATAAATAGCATCTAGTTTTGACCATTTTGATGA  
ACTGATAGCAAGACAAGAGAGTGGAGATGGCAAAAATCTCTATTGCCATTGTTTG  
TGTGAGCTACTGCCTGGCTCATGGCCTCTGGAGCCATGGCCAAGTCAGTGAG  
TGGGACACCGCAACTGCCGCTTACTATGGAGACGCGACGGGAAGAGATAGCTTG  
GGTGAAGTATTCTTTTTGTATCTTCAGGAAAATAATTTACTAGTGGTATATATAAAG  
GTTAGCTAGTTTGCAACTAAAAATTAATGTTCGATACATTGTTTTGAGAGCCTTTTT  
TTTTCTCGTTACTCTTCTTTGATTATTTCAAATTTCAAATTGAAGGCGGATGCGG  
TTTTCCCAAATAAAAAAAGAGTAGAGGATTTCTCATTATACATTTTTGCCGTG  
GTAAAAGGAAGGATGAAAAGCTCATTATAATTTTTATCAAAGATATACAAAAT  
ATTTGTAATTTGAGATGCAAGATATGCAAGTTCTTAAAAAGTTTAGAATCAGGAT  
CTTTATATTGTGTTTTTCGGGCAATCTATGAATCAAACATGTGTGACATGATATGT  
TTTGGTTCTTGCTCTAACATTGAAATAAAAGGAGTATGTAATGCATCAGGGCATG  
CCTTTTTTTTTTTATACTCCTCATAAATCATATTTTTTTGAATCAATTTAGAATAAAA  
ACATTCATAAAAATCAGTAAATAAATATTAATAAAATTCATAGCCTCTCCATATC  
TCTATGTGCGTTATTTGATGGCCATCCATCTTATAAAATATGCTATGATGACCTAT  
AGAGGATCCACGCTCTGTCATCCAAAATGTCCTTTGGCCGCAGCCATGCATATTT  
GGTTTGCCAGTAAGAAGCCATAATGCATGATACGATCTGCCACCCCAACACCCTA  
GATTTTCTTTTGCAAGTCCGGTGCTTCATGCAACAATTACCTAGCTAGCATAACAT  
TATGTCCTTATGGATGATTACATGCAATCAAGATATACAGCAGCATCATGCAACT  
GGGTGATGCATGTCAGGTTTCTACATGCAATATATTTGGCCATTAGCTTCTCATT  
TTTTTTTGCCCGAACAGCATCAATCACCTGTGTCCTAGCTTAGTTACATAACATAC  
ATACATACATATGTGTCCTTGCTTAGTTACAGATGCCATTTAATTTGCAAGTTTGC  
GTTTGGCCTTTGAAAACCCATATACCTCTCTGATTCCCTTAATTTCCCTCCACTCAA  
ATTAACAGGAGGAGCGTGCGGATACGGCAATCTCTTCAAGCAAGGGTATGGCTT  
GGAGACGGCAGCTGTAAGCAAAGCCCTCTTCAACGATGGTTCCACGTGTGGAGC  
GTGCTACGAAATCCGGTGCTACAACGACTCACGGTGGTGCGCCCGGCAGCATC  
ACCATCAGCGCCACCAATTTCTGCTGGCCGCATCCCGCCTCTTCCAACGAGTCCG  
CCAGCAGGTGCAACCCACCCCGCAAACACTTCGATCTCCCCCAGCCCATGTTCTT  
CAAGCTGGTGAACGACTACCGCGCCTCGATCATCCCGGTGCAGTTCGGGAAGGTT  
CCCTGCGTCAAGAAAGGTGGCATCATGTTTGAAGATGATGGGCGACCCCGACTTCA  
TCCAAGTGTTAGTCTACAACGTGGGAGGCAGCGGAGACGTGGGGTTGGTCTGGGT  
GAAGGTGAACGGGGCGGATGAGAGGTTCTGGCAAATGGATAGGGTGTGGGGCGG  
CATTTGGAGGACCAATCTGAGGTTGGTAGGTTATAGTTTGTCAATTCAAGGTGTCCT  
CAAGTGATTATAAGAAGGAGGTGCAGTCAGATAATGTCATTCCGGCCAACCTGGA  
CTTTTGGGCAACGCTTTGAAGGAAGCAGTTCTAATGGGGACAACTTGGCGATA  
GTCTGAGTTAATTAAGTTGTAGCTCTTTAACCTGCTAACGTTTGAGTGGGTAAAG  
ATCATTTTAGCGATCTATATATCTAAGCTGGTTTAAATAACCTGCCACTTCTTTTTT  
GTTCACTCGGTTCTTCCGTCTTAAATGAAATTCTCGTTCTACTTTGATAACCAGCTA  
GCTAGCTTCAAATTTTTCGAACGATCTGTGATTGAATCCGCTTGCTTACCTAATGC  
GTATGAGTAGTCAGTGGCATGGGTTGGTTTTGGGATACTGAATTCATCTCGTTTGA  
AATTTAATTCAAGGTAGGTCTCAGAGTTGCTTCTAAGATTTGCCAAGTGTGTGGTC  
TACGTTTTCATGTTGACTTGGCCTCTCAAACCTTAGGGGCCCTTATTAGCATATG  
GACTTATAGGCCGTACATTACAACATACAATGCAACGTTTATTAATTTATTGTTCC  
CATTACAATTTCCACAGTTTAGACTTTAGTTT