

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

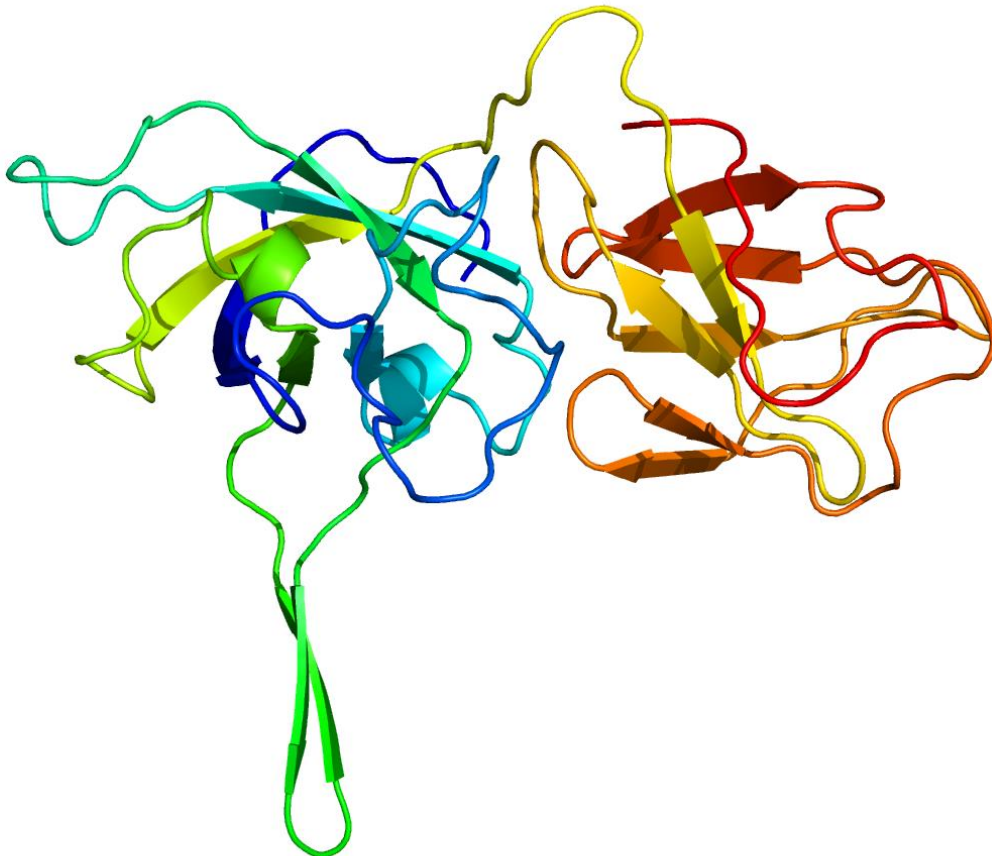
Locus: XP_011089527

Gene Model: XP_011089527.1

Description: SinEXPA-18

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

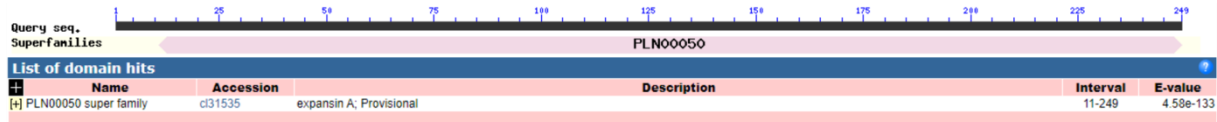
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-18

MVPGLNSFAIISLLLQLHAAVADYGAWESAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNNGLTGACQVRCNDNPQWCLPGTITVTATNFCPPNYALP
NNGGWCNPLQHFDMAQPAFLQIARYRAGIVPVAFRRVPCVKKGGIRFTINGHSYF
NLVLITNVAGAGDVHAVSIKGSRTGWQRMSRNWQNWQSNLYLNAQSLSFQVTT
DGRTVTNYNVAPSNWQFGQTFEGGQF

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-18

ATTTGGGCGGCCGTTAGCCCCAATCTTGTCAGCTGTCTCTCCTTTTCTAATTACTT
GCCAACTTTGATACTCCTGCTGCCTGCTGCCTGCTGCTCCACCACTATAAATGCTC
CCACCACTCTCCACCAGCTACCAAAAATACATATATTTGTCTAAGTACTCTGCTTC
CTCTCAATTCATAAAAATGGTTCCTGGGCTGAACTCTTTCGCCATAATTTCTCTA
CTCCTTCAATTGCATGCTGCTGTGGCTGACTATGGCGCCTGGGAAAGCGCCCATG
CCACTTTCTACGGCGGTGGCGATGCTTCCGGTACAATGGGAGGGGCGTGTGGGTA
TGGTAATTTGTACAGCCAAGGATATGGAACCAACACAGCAGCACTAAGCACGGC
CCTATTCAACAATGGGCTGACCTGTGGGGCGTGTACCAAGTACGGTGCAGCAAT
GACCTCAATGGTGTCTGCCAGGCACCATCACCGTCACCGCCACCAACTTCTGCC
CACCGAACTACGCCTTGCCTAACAATAACGGCGGGTGGTGAATCCCCCTCTCCA
GCATTTGATATGGCCCAACCGCTTTTCTACAAATTGCTCGATATCGAGCAGGC
ATTGTGCCCGTTGCCTTTAGGAGGGTGCCCTGTGTCAAGAAAGGAGGAATTAGAT
TCACCATCAACGGTCACTCGTACTTCAACTTGGTCTGATCACTAATGTTGCAGGT
GCAGGGGATGTCCATGCTGTTTCAATCAAAGGGTCTAGAAGTGGCTGGCAACGGA
TGTCTAGGAACTGGGGCCAGAAGTGGCAAAGTAATTCTTACCTCAACGCCCAAAG
CCTCTCCTTTCAAGTCACTACCAGTGACGGCAGAACTGTTACCAACTACAACGTG
GCGCCCTCTAATTGGCAGTTCGGCCAGACATTTGAAGGGGGTCAATTCTAAGATG
ATTATTA AAAACGATTTAGTGAAAAATATTATACGTATTTTACTCCATATTAATTT
ATTAATATATCCGACTACATCTACGTAGAGATCAATGGTCACGCATTGACGATCT
AAAATGCTTCCCTTTTTTTGGA ACTATATTTTTGCACCATTACAAGGGATGATAAA
TTGAAATTTTAAAAATCAACATATATATGTATTTTATTTGTATACGTATAATTTT
CTGTATACGTATTTGTAGAAGTAAGAGAAAAGCTGAGGTGGTTGGTTACTACCCG

CTTTGCTTTATTTGCTAATTGGTGTAAATGTTTTGTTTGTATTATGACTATAGCAATA
TAATTTTGTGTCACGTTAAATTCGTGGTATAAAATTTTAA

Nucleotide

>SinEXPA-18

TTGGGCCTGGAAAGTGCATTTGAATACTAGCCCAAAGCCACACAAATTCATT
CCATGCCCTAAAGAATTAATAATTATTGTGGTCCTATATATAAGTATAAATAAATC
GAGTCGAGTTAAATACATTATTAGTTAAATTAATTGAAATTATTATAAAATTTTAA
AATTTTGTTCGAGTTAGCCTAATCATTGATCGATCAAGTTCAAATGAGGTTTAA
CTAGATCAATTATGAGTTGAATTCGAACAATTTGAGTTTCTCAAGTATATTTTTTT
TATTATTTGTTATTAATTCAATCAAATCCGGATGTTGCCTAAAAGCTTATGAAAT
AAAAACTTAGTTCGAGTTTGGTTCATTAAGTTTAACTAATTGTGCTTAACTGATT
TTTTATCGATCCACTTCAATTGAGTTTCATATAATTTGATTTTTTTTCTCCAATTC
TATATGAAACAACTTAGAAAAAATCAATGTTATGATTAACGAGAAAATCAAAT
AAAAATTTTATACCACGAATTTAACGTGACACAAAATTATATTGCTATAGTCATA
ATACAAACAAAACATTACACCAATTAGCAAATAAAGCAAAGCGGGTAGTAACCA
ACCACCTCAGCTTTTCTCTTACTTCTACAAATACGTATACAGAAAATTATACGTAT
ACAAAATAAAATACATATATATGTTGATTTTTAAAATTTCAATTTATCATCCCTTG
TAATGGTGCAAAAATATAGTTCCAAAAAAGGGAAGCATTTTAGATCGTCAATGC
GTGACCATTGATCTCTACGTAGATGTAGTCGGATATATTAATAAATTAATATGGA
GTAAAATACGTATAATATTTTCACTAAATCGTTTTTAATAATCATCTTAGAATTG
ACCCCTTCAAATGTCTGGCCGAAGTCCAATTAGAGGGCGCCACGTTGTAGTTG
GTAACAGTTCTGCCGTCCTGGTAGTACTTCAAAGGAGAGGCTTTGGGCGTTGA
GGTAAGAATTACTTTGCCAGTTCTGGCCCCAGTTCCTAGACATCCGTTGCCAGCC
AGTTCTAGACCCTTTGATTGAAACAGCATGGACATCCCCTGCACCTGCAACATTA
GTGATCAGAACCAAGTTGAAGTACGAGTGACCGTTGATGGTGAATCTAATTCCTC
CTTTCTTGACACAGGGCACCTGCAACAAAATGCATGAAAGAGATCAAATTTGAT
GCTTTATTTACACGTATTTTGACAAAAGCTTGGTAAGTGCACAAACCTCCTAAAG
GCAACGGGCACAATGCCTGCTCGATATCGAGCAATTTGTAGAAAAGCGGGTTGG
GCCATATCGAAATGCTGGAGAGGGGGATTGCACCACCCGCGTTATTGTTAGGCA
AGGCGTAGTTCGGTGGGCAGAAGTTGGTGGCAGTACGGTGTGTTGCCTGGCA
AGCACCATTGAGGGTCATTGTGCGACCGTACTTGGTAACACGCCCCACAGGTCAG
CCCATTGTTGAATAGGGCCGTGCTTAGTGCTGCTGTGTTGGTTCCATATCCTTGGC
TGTACAAATTACCATACCACACGCCCCTCCTGCACAAGAGTATAGTAAGTATTT
TAATTAATTTAGTTACAATTTTTGGAAGAAATTCATTGTGTATTTATCAAACACTAG
CAGTGTGAGATACATGACGTGCATGTTTTTAGAAAATATATAATTATTATATGTG
ATAATTACAGTCACTATGTAGTCAACTTATAAGCACCTGAGCTTGATATTTTGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGTTTCCATTTATCTCCACTGCAAACACCACTCTAATAAG
CTATTTATAATTTTATTTTATAGACGATAACAAAATTAGAATAAAATACTATTTTAC
CTATTTAAGTAGCTATTTCTGTTCTGTTTATAGTAACTCATAAAAATACAAATTATAGA
CAAGAAATAAAATCAAATACGTACCCATTGTACCGGAAGCATCGCCACCGCC
GTAGAAAGTGGCATGGGCGCTTTCCAGGCGCCATAGTCAGCCACAGCAGCATG
CAATTGAAGGAGTAGAGAAATTATGGCGAAAGAGTTCAGCCCGGGAACCATTTT
TAGTGAATTGAGAGGAAGCAGAGTACTTAGACAAATATATGTATTTTTTGGTAGCT
GGTGGAGAGTGGTGGGAGCATTATAGTGGTGGAGCAGCAGGCAGCAGGCAGCA
GGAGTATCAAAGTTGGCAAGTAATTAGAAAAGGAGAGACAGCTGACAAGATTGG

GGCTAACGGCCGCCCAAATGCCCCACGAGGGTGTTATCTGTGTTTGTGTGCTAAA
ATTAAGTTGAAATAGTTGATGTTGTTTAAGGGCACATGCGTTGGCTTTGGTTGGG
CAGCTAAGTACCAAATTCTCAGCCTTTGTAGGCCACCTCCTCCACATGCATGTA
GCTACCCATAATAACTTATGCAGCCTCTCGGTTTTGTATTTATTTTCGTCTGAAAA
TATCAAACAGTGTAAGAAAGGAATCGTAAATGGGTGGCTTCTTACCTCAGATTCA
TTTCAAATAAGTTTGGGTTTAAATTATTGGATTTGGATTTGAAAACGAAATTTTAT
TTCACGAGTCGGGCTCGTTCGAATTGCGTCATTATAAGGATTTTCCAAGAGTATA
CCAATCACTCTGATAATTTTTTTTAGAAATAATTCGTTATTTTATCTATAAATACA
TCGAGAAACAACCTATTAAGTAGGTAAATGTTTATAAATAGAATTATAGAGACCT
TCTAATTTGAGGTTATTTGGA